

บทที่ 3

อุปกรณ์และวิธีการทดลอง

1. การสำรวจ เก็บรวบรวมข้อมูลในกาแฟ และทำการประเมินโครงการสนับสนุนในการเพาะปลูก

1.1 สำรวจ และเก็บตัวอย่างของใบกาแฟที่เป็นโรคสนิมในพื้นที่ภาคเหนือ ได้แก่ 1. คำบลัววี อำเภอแม่สรวย จังหวัดเชียงราย 2. คำบลเทพเดช อำเภอตอยสะเก็ด จังหวัดเชียงใหม่ 3. คำบลอมก้อย อำเภออมก้อย จังหวัด เชียงใหม่ 4. คำบลปางมะผ้า อำเภอปางมะผ้า จังหวัด แม่ฮ่องสอน 5. คำบลแม่เหาะ อำเภอแม่สะเรียง จังหวัด แม่ฮ่องสอน และ 6. คำบลหวยห้อม อำเภอ ล้านนาออย จังหวัด แม่ฮ่องสอน (ตารางที่ 4) โดยมุ่งเน้นหาลักษณะอาการที่เชื่อราสนิมซึ่งอยู่ด้านใต้ ใน จากนั้นนำตัวอย่างใบกาแฟมาตรวจดูลักษณะทางสัณฐานวิทยาของเชื่อราสนิมทันที สำหรับ กรณีที่ไม่สามารถทำเสร็จภายในวันเดียวได้จะแบ่งทำ herbarium ไว้ส่วนหนึ่ง และอีกส่วนหนึ่งนำ ใส่ถุงพลาสติก เก็บไว้ที่อุณหภูมิ 4 องศาเซลเซียส เพื่อทำการตรวจสอบในวันต่อไป

1.2 ประเมินระดับความรุนแรงของโรคราษฎร์ในภาคเหนือ 6 แหล่ง ได้แก่

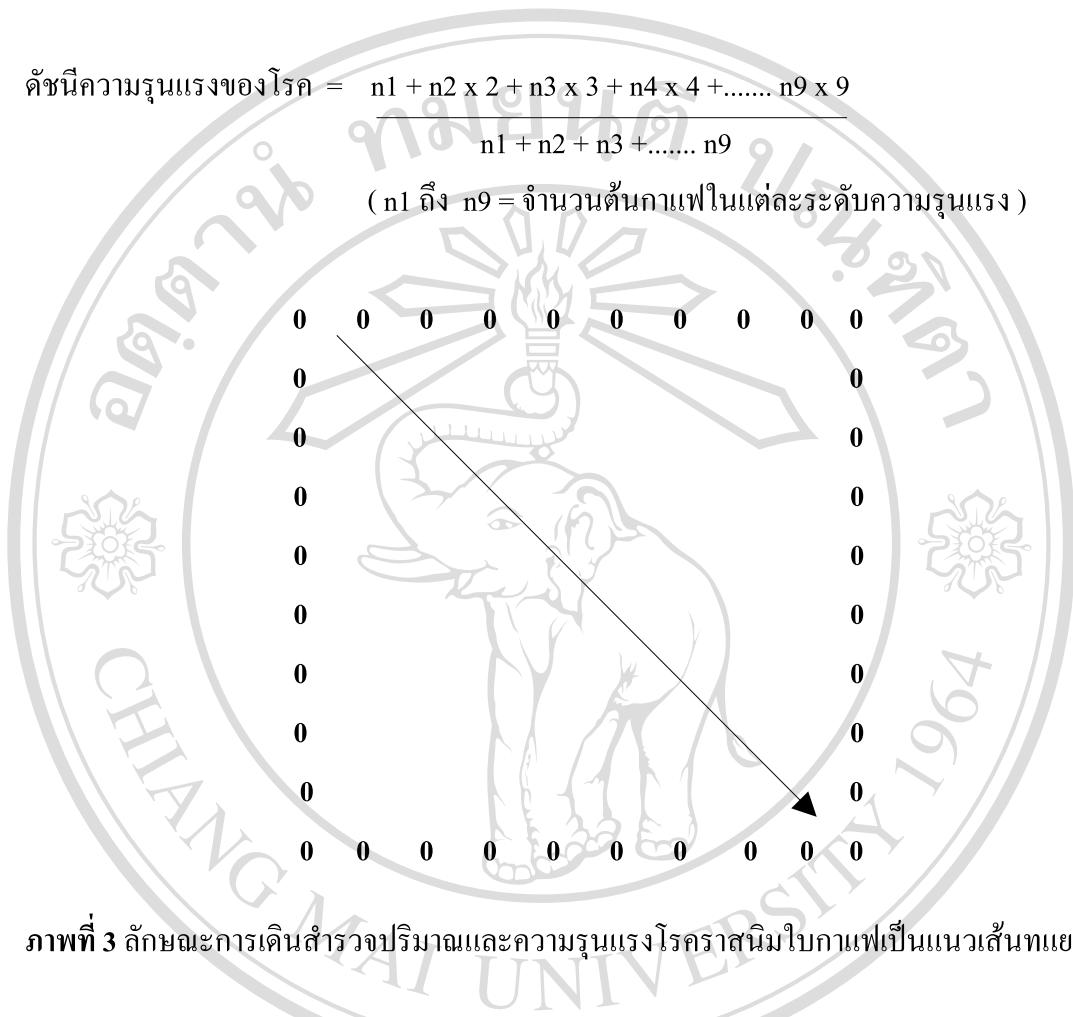
1. ตำบลลาวี อำเภอแม่สรวย จังหวัด เชียงราย 2. ตำบลเทพเดศกิจ อำเภอคลองสะเก็ด จังหวัด เชียงใหม่
3. ตำบลลุมก้อย อำเภออมก้อย จังหวัด เชียงใหม่ 4. ตำบลปางมะผ้า อำเภอปางมะผ้า จังหวัด แม่ฮ่องสอน 5. ตำบลแม่เหาะ อำเภอแม่สะเรียง จังหวัด แม่ฮ่องสอน และ 6. ตำบลห้วยห้อม อำเภอ แม่ลาน้อย จังหวัดแม่ฮ่องสอน (ตารางที่ 4) โดยการสำรวจใช้วิธีการสุ่มตรวจจากต้นกาแฟจำนวน 3 ชั้น ๆ ละ 50 ต้น จากการนับจำนวนต้นกาแฟต้นกว้าง 10 ต้น \times ด้านยาว 10 ต้น โดยเดินสำรวจ ปริมาณโรคราษฎร์ในภาคเหนือเป็นแนวเส้นทแยงมุม (ภาพที่ 3) ทำการนับจำนวนต้นกาแฟที่เกิด โรคทั้งหมด บันทึกระดับความรุนแรง และคำนวณเป็นตัวเลขการเกิดโรคดังนี้

$$\text{เปอร์เซ็นต์การเกิดโรค} = \frac{\text{จำนวนต้นกาแฟที่เป็นโรค} \times 100}{\text{จำนวนต้นกาแฟที่สุ่มตรวจทั้งหมด}}$$

$$\text{เปอร์เซ็นต์การเกิดโรคในแต่ละระดับ} = \frac{\text{จำนวนต้นกาแฟในแต่ละระดับการเกิดโรค} \times 100}{\text{จำนวนต้นกาแฟที่เป็นโรค}}$$

$$\text{ดัชนีความรุนแรงของโรค} = \frac{n_1 + n_2 \times 2 + n_3 \times 3 + n_4 \times 4 + \dots + n_9 \times 9}{n_1 + n_2 + n_3 + \dots + n_9}$$

(n_1 ถึง n_9 = จำนวนต้นกาแฟในแต่ละระดับความรุนแรง)



ภาพที่ 3 ลักษณะการเดินสำรวจปริมาณและความรุนแรงโรคราษฎร์ในกาแฟเป็นแนวเส้นทแยงมุม

สำหรับหลักเกณฑ์การประเมินความรุนแรงของโรคราษฎร์ในกาแฟประยุกต์มาจาก

หลักเกณฑ์ของ Eskes และ Toma-Braghini (1981) ดังตารางที่ 5

หลังจากเดินสำรวจปริมาณโรคราษฎร์ในกาแฟแล้วทำการนับจำนวนต้นกาแฟที่เกิดโรค ทั้งหมด บันทึกระดับความรุนแรง (ภาพที่ 4) และคำนวณเป็นดัชนีการเกิดโรคและเปอร์เซ็นต์การเกิดโรค จากนั้นจึงนำข้อมูลมาวิเคราะห์ผลทางสถิติ และนำค่าเฉลี่ยดัชนีการเกิดโรคและเปอร์เซ็นต์การเกิดโรคของแปลงต่างๆ มาเปรียบเทียบโดยวิธี least significant difference (LSD)

ตารางที่ 3 ที่ตั้งแปลงปลูกกาแฟในพื้นที่ภาคเหนือที่ใช้ในการสำรวจ และประเมินโรคราษฎร์

| รหัสแปลง | ที่ตั้งแปลงปลูกกาแฟที่ใช้ในการสำรวจ และประเมินโรคราษฎร์ |
|----------|--|
| DIC 101 | |
| DIC 102 | |
| DIC 103 | |
| DIC 104 | { หมู่บ้านดอยช้าง ตำบลหลวง อำเภอแม่สรวย จังหวัดเชียงราย |
| DIC 105 | |
| DIC 106 | |
| DIC 107 | |
| OKS 101 | โรงเรียนอนกอญวิทยา ตำบลล่อนกอญ อำเภออนกอญ จังหวัดเชียงใหม่ |
| SPS 101 | ศูนย์พัฒนาสังคมชนบทที่ 3 ตำบลแม่เหาะ อำเภอแม่สะเรียง จังหวัดแม่ฮ่องสอน |
| MH 101 | หมู่บ้านแม่เหาะ ตำบลแม่เหาะ อำเภอแม่สะเรียง จังหวัดแม่ฮ่องสอน |
| HH 101 | หมู่บ้านห้วยห้อม ตำบลห้วยห้อม อำเภอแม่ลาน้อย จังหวัดแม่ฮ่องสอน |
| PHJ 101 | หมู่บ้านพางเจริญ ตำบลปางมะผ้า อำเภอปางมะผ้า จังหวัดแม่ฮ่องสอน |
| PJP 101 | หมู่บ้านปางจำปี ตำบลเทพเสด็จ อำเภออดอยสะเกิด จังหวัดเชียงใหม่ |
| PP 101 | หมู่บ้านป่าป้า ตำบลเทพเสด็จ อำเภออดอยสะเกิด จังหวัดเชียงใหม่ |
| PB 101 | หมู่บ้านปางบง ตำบลเทพเสด็จ อำเภออดอยสะเกิด จังหวัดเชียงใหม่ |
| MT 101 | |
| MT 102 | |
| MT 103 | { หมู่บ้านแม่ต่อน ตำบลเทพเสด็จ อำเภออดอยสะเกิด จังหวัดเชียงใหม่ |
| MT 104 | |
| MT 105 | |

ลิขสิทธิ์มหาวิทยาลัยเชียงใหม่
 Copyright © by Chiang Mai University
 All rights reserved

**ตารางที่ 4 วิธีการประเมินผลความระดับความรุนแรงของโรคราสนิมในกาแฟโดยอาศัยการ
แสดงออกของลักษณะปฏิกิริยา**

| คัดนี การจำแนกลักษณะ | | |
|--|--------------|--|
| อาการของแพลงตาม ศูนย์วิจัยโรคราสนิม | | ลักษณะของปฏิกิริยาที่เกิดขึ้นที่ใบหรือทั้งต้น |
| | กาแฟ | ลักษณะของปฏิกิริยาที่เกิดขึ้นที่ใบหรือทั้งต้น |
| 0 | I | ไม่มีปฏิกิริยาเลย |
| 1 | fl -, t - | บุคลสีซีดเล็ก ๆ และมักพบมีอาการเนื้อเยื่อนูนบวมร่วมอยู่ด้วย บางครั้งต้องใช้ hand lens หรือต้องยกขึ้นส่องกับแสงแดดจึงจะเห็น หรือแสดงอาการ 10 เปอร์เซ็นต์ของทั้งต้น |
| 2 | fl, t, 0 | บุคลสีซีดใหญ่ขึ้น มักพบมีอาการเนื้อเยื่อนูนบวมร่วมอยู่ด้วย หรือแสดงอาการ 20 เปอร์เซ็นต์ของทั้งต้น |
| 3 | fl, t, 0, 0+ | บุคลสีซีดที่มีหลาย ขนาดอยู่ด้วยกัน และรวมกันเป็นบริเวณกว้าง สีซีด (chlorotic area) ขนาดใหญ่ มีอาการเนื้อเยื่อนูนบวมร่วมอยู่มาก ไม่มีการสร้างสปอร์ หรือแสดงอาการ 30 เปอร์เซ็นต์ของทั้งต้น |
| 4 | fl, t, 0,-1 | บุคลสีซีดที่มีหลาย ขนาดอยู่ด้วยกัน ในแพลงแบบ chlorotic lesion ขนาดใหญ่ อาจมีการสร้างสปอร์บาง มีแพลงที่สร้างสปอร์ได้ไม่เกิน 25% ของแพลงทั้งหมด มีอาการเนื้อเยื่อนูนบวมร่วมแพลงอยู่มาก บางครั้งแพลงเกิด necrosis เร็วกว่าปกติ หรือแสดงอาการ 40 เปอร์เซ็นต์ของทั้งต้น |
| 5 | fl, t, 0-2 | เหมือน 4 แต่มีการสร้างสปอร์มากกว่า โดยมีแพลงที่สร้างสปอร์ได้ไม่เกิน 50% ของแพลงทั้งหมด หรือแสดงอาการ 50 เปอร์เซ็นต์ของทั้งต้น |
| 6 | fl, t, 0-3 | เหมือน 5 แต่มีการสร้างสปอร์เพิ่มขึ้น โดยมีแพลงที่สร้างสปอร์ได้ไม่เกิน 75% ของแพลงทั้งหมด หรือแสดงอาการ 60 เปอร์เซ็นต์ของทั้งต้น |
| 7 | fl, t, 0-4 | เหมือน 6 แต่มีการสร้างสปอร์มากมาย โดยมีแพลงที่สร้างสปอร์ได้ถึง 95% ของแพลงทั้งหมด หรือแสดงอาการ 70 เปอร์เซ็นต์ของทั้งต้น |
| 8 | t, 2-4 | มีแพลงที่สร้างสปอร์ได้หลาย ขนาดต่ำอยู่ปั่นกัน บางครั้งพบมีอาการเนื้อเยื่อนูนบวมร่วม ฯแพลงบ้าง หรือแสดงอาการ 80 เปอร์เซ็นต์ของทั้งต้น |
| 9 | 4 | มีแพลงที่สร้างสปอร์อยู่มากมาย และไม่มีอาการเหลือง (chlorosis) รอบ ๆ แพลง หรือแสดงอาการ 90 เปอร์เซ็นต์ของทั้งต้นขึ้นไป |

ที่มา : Eskes and Toma-Braghini (1981) จ. โภคศุภชัย (2532)

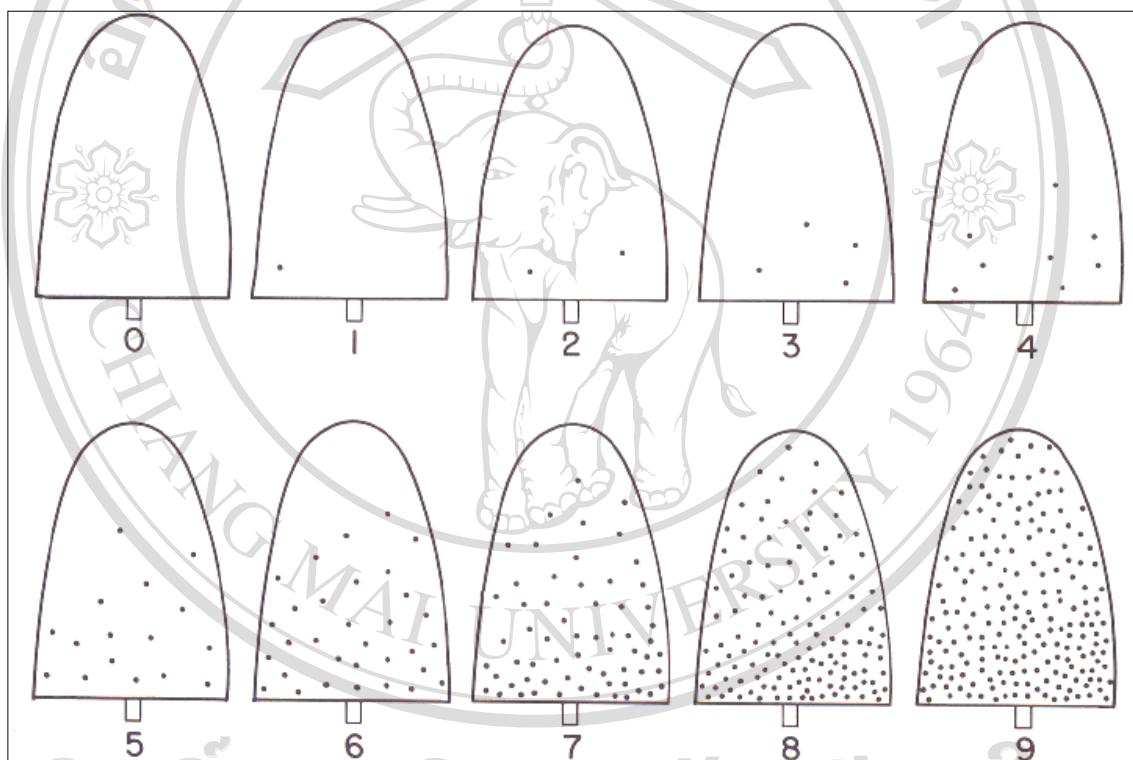
ดัชนีแบบที่ 1 ถึงที่ 9 เป็นลักษณะแบบ intermediate ซึ่งจะเพิ่มขึ้นตามความหนาแน่นของ การสร้างสปอร์ตอแพล ร่วมกับการเพิ่มสัดส่วนของแพลที่สร้างสปอร์ตได้ แต่ถ้าจะให้ง่ายต่อการ รายงานผลก็อาจรวมดัชนีแต่ละระดับให้น้อยลง โดยใช้

ดัชนีที่ 1, 2, 3 = HR (highly resistant = ต้านทานโรค)

ดัชนีที่ 4 และ 5 = MR (moderately resistant = ต้านทานโรคปานกลาง)

ดัชนีที่ 6 และ 7 = MS (moderately susceptible = ค่อนข้างอ่อนแอต่อโรค)

ดัชนีที่ 8 และ 9 = S (susceptible = อ่อนแอต่อโรค)



ภาพที่ 4 ระดับความรุนแรงของโรคราสนิมของกาแฟโดยอาศัยการแสดงออกของลักษณะปฏิกิริยา ของเชื้อราสนิมกับใบกาแฟ (Eskes and Toma-Braghini, 1981)

1.3 ประเมินระดับความรุนแรงของโรคราสนิมในกาแฟในแปลงปลูกกาแฟราบิก้าที่เป็นระบบการปลูกกาแฟกลางแจ้ง เปรียบเทียบกับแปลงปลูกกาแฟราบิก้าที่เป็นระบบการปลูกภายใต้ร่มเงา โดยการสำรวจใช้วิธีการสุ่มตรวจจากต้นกาแฟจำนวน 15 ช่อๆ ละ 50 ต้น จากการนับจำนวน ต้นกาแฟด้านกว้าง 10 ต้น × ด้านยาว 10 ต้น โดยเดินสำรวจบริเวณโรคราสนิมในกาแฟเป็นแนว เส้นทางมุ่ง (ภาพที่ 3) ทำการนับจำนวนต้นกาแฟที่เกิดโรคทั้งหมด บันทึกระดับความรุนแรง และ

คำนวณเป็นค่าดัชนีความรุนแรงของโรคและเปอร์เซ็นต์การเกิดโรคราษฎร์ในกาแฟแล้วจึงนำข้อมูลมาวิเคราะห์ผลทางสถิติ และนำค่าเฉลี่ยของแปลงทั้งสองมาเปรียบเทียบโดยวิธี LSD



อิชสิทธิ์มหาวิทยาลัยเชียงใหม่
Copyright © by Chiang Mai University
All rights reserved

2. การศึกษาลักษณะทางสัณฐานวิทยาของเชื้อร้า *Hemileia vastatrix*

2.1 เลือกตัวอย่างในการแพฟที่มีโคลนีของเชื้อร้านิมที่ไม่มีเชื้อร้าอื่นปน จากนั้นตัดเนื้อเยื่อในกาแฟตามวิธีการ paraffin section ของวิชาชা (2524) โดยแบ่งได้เป็นขั้นตอนต่างๆ ดังต่อไปนี้

2.1.1 การตัดตัวอย่างในกาแฟที่เป็นโรค

เมื่อเก็บในกาแฟที่เป็นโรคมาได้แล้วก็ต้องนำมาตัดออกเป็นชิ้นเล็กๆ ให้มีขนาดพอเหมาะสมจะตัดได้ด้วยเครื่อง rotary microtome โดยขนาดชิ้นส่วนของในกาแฟที่ตัดได้ไม่ควรยาวเกิน 5 มิลลิเมตร

2.1.2 การรักษาสภาพโครงสร้างและส่วนประกอบของเซลล์ (Fixation)

นำชิ้นส่วนของในกาแฟที่ตัดได้มาทำการฆ่าและการรักษาสภาพโครงสร้างและส่วนประกอบของเซลล์ โดยนำชิ้นส่วนของในกาแฟแช่ในขาดที่มีน้ำยา FAA (ภาชนะ ก 1) ซึ่งเป็นเวลาประมาณ 12 ชั่วโมง เพื่อรักษาสภาพของเซลล์

2.1.3 การไล่น้ำออกจากเนื้อเยื่อในกาแฟโดยการแทนที่น้ำด้วยแอลกอฮอล์ (Dehydration)

นำชิ้นส่วนพิชามาถังน้ำยาออก โดยเทน้ำยาออกจากขาดที่ใช้แช่ชิ้นส่วนพิช ใช้ผ้าขาวบางปิดปากขาดและนำยางรัดมารัดไว้ จากนั้นนำไปใส่ในบิกเกอร์ นำบิกเกอร์ไปตั้งในอ่างน้ำ เปิดน้ำให้น้ำไหลลงบิกเกอร์ช้าๆ ใช้เวลาประมาณ 7 ชั่วโมง หรือจนกระหึ่งหมุดกลินของ glacial acetic จากนั้นนำขาดที่บรรจุชิ้นส่วนของในกาแฟมาเท้น้ำออกให้หมด แล้วทำการไล่น้ำออกจากเนื้อเยื่อพิช โดยนำชิ้นส่วนของในกาแฟที่ล้างເเอกสาร์มาแช่ใน 50 % ethyl alcohol 2 ครั้งๆละ 2-4 ชั่วโมง เพื่อถัง acetic acid และ formalin ออก จากนั้นนำไปไล่น้ำออก โดยแช่ใน TBA ขั้นตอนที่ 1 ถึง 8 โดยแต่ละขั้นตอนใช้เวลาในการแช่เป็นเวลา 2-4 ชั่วโมง (ภาชนะ ก 2)

2.1.4 การแทนที่แอลกอฮอล์ในเนื้อเยื่อในกาแฟด้วยพาราฟิน (Infiltration) และการฝังชิ้นส่วนในกาแฟในบล็อกพาราฟิน (Embedding)

หลังจากชิ้นส่วนของในกาแฟได้ผ่านการไล่น้ำออกด้วย TBA ในขั้นตอนที่ 8 แล้ว จะไม่เท TBA ออกแต่เติมพาราฟินลงไป นำขาดที่บรรจุ TBA ชิ้นส่วนในกาแฟ และพาราฟินปิดฝาออก และนำไปปั้งไว้ที่ตู้อบลมร้อน (hot air oven) ปรับอุณหภูมิที่ 60-62 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 2 ชั่วโมง เพื่อหลอมพาราฟิน และระหว่าง TBA ออกไป พาราฟินออกจากการหดประมาณครึ่งหนึ่ง และเติมพาราฟินใหม่ที่หลอมอยู่ ต่อมาก็ 2 ชั่วโมง จากนั้นเทพาราฟินในขาดออกให้หมดทำการเปลี่ยนพาราฟินในขาดอีก 2 ครั้งๆ ละ 2 ชั่วโมง ครั้งสุดท้ายอบในตู้อบเป็นเวลา 12 ชั่วโมง ต่อมานำชิ้นส่วนของพิชไปฝังลงในพาราฟิน นำดาดมาอุ่นให้ร้อนโดยวางบนแผ่นให้ความ

ร้อน (hot plate) เทพาราฟินหลอมเหลวลงในถาด ขี้ยadamawa ลงในจานที่ใส่น้ำไว้ตื้นๆ รองพาราฟินเริ่มแข็งตัว ซึ่งจะเริ่มจากก้นถาดขึ้นมาประมาณ 2 มิลลิเมตร จึงใช้คีมคีบร้อนๆ คีบชิ้นส่วนของใบแพที่แข็งในพาราฟินมาจัดวางลงในถาด 2 ชิ้นต่อถาด รอให้พาราฟินแข็งตัวจนถึงผิวนึ่งนำถาดไปไว้ในตู้เย็นพาราฟินจะหดตัวร้อนออกมาจากถาด จากพาราฟินบล็อกที่แกะได้จากถาดเมื่อจะนำมาทำการตัดต้องนำมามาเบ่งเป็นบล็อกย่อย 2 บล็อก ทำได้โดยใช้ใบมีดโกนคมตัดเบ่งตรงกลางระหว่างชิ้นส่วนของพีชทั้ง 2 โดยตัดให้เป็นรูปตัว V ให้ลึกประมาณ 3 มิลลิเมตร จากนั้นหักออกจากกันตามรอยตัด ตัดแต่งบล็อกย่อยแบบหยาบๆ ด้วยใบมีดโกนให้ทุกด้านเรียบ จากนั้นนำไปเชื่อมติดกับบล็อกไม้มีช่องบล็อกไม้ที่ใช้ความกว้าง 1x1x2 เซนติเมตร นำบล็อกไม้ที่จะต่อเชื่อมกับพาราฟินบล็อกไปลอกไฟจากตะเกียงแล้วกอซอล์จนพาราฟินส่วนที่ใกล้ไฟหลอมตัวจึงนำมารีบล็อกไม้และพาราฟินบล็อกมาต่อติดกัน ตัดแต่งพาราฟินบล็อกบนบล็อกไม้ด้วยใบมีดโกนให้ด้านจะตัดเป็นรูปสี่เหลี่ยมน้ำหนาแน่นกับด้านล่าง ในการตัดแต่งพยายามทำให้ชิ้นส่วนของใบแพอยู่ในตำแหน่งตรงกลางของรูปสี่เหลี่ยม โดยห่างจากขอบ 1 มิลลิเมตรทุกด้าน หลังจากตัดแต่งแล้วก็นำบล็อกไม้ที่มีพาราฟินบล็อกติดอยู่ไปเก็บไว้ในตู้เย็นแล้วจึงนำไปตัดด้วยเครื่อง rotary microtome เมื่อทำการตัด 1 ครั้งจะได้ชิ้นส่วนออกมา 1 ชิ้น โดยแต่ละชิ้นส่วนมีความหนาประมาณ 30 ไมโครเมตร และชิ้นส่วนที่ถูกตัดออกมายจะต่อกันเป็นสายยาวคล้ายริบบัน จึงเรียกว่า ribbon

2.1.5 การติด ribbon ลงบนสไลด์แก้ว

หยด Mayer's adhesive (เตรียมจากส่วนผสมของไอล์ฟาร์และกลีเซอรีนในอัตราส่วน 1 : 1) ลงบนสไลด์หยดเล็กๆ ใช้นิ้วเกลี่ยให้คลุม 3 ใน 4 ของผิวน้ำสไลด์ ด้านใดด้านหนึ่ง จากนั้นหยดฟอร์มาลิน 4 % ในน้ำให้คลุมบริเวณที่ทา adhesive ไว้ ใช้มีดโกนตัด ribbon และนำมาร้อยบนน้ำฟอร์มาลิน ย้ำสไลด์ไปวางบน hot plate (40-43 องศาเซลเซียส) จัด ribbon ให้อยู่ตรงตำแหน่งที่ต้องการและรอจน ribbon เหลี่ยดตึงจึงยกเอาสไลด์ออกจากแทะและซับสารละลายฟอร์มาลินออก ผึ้งสไลด์ไว้เป็นเวลาประมาณ 3 วัน ในที่ปรารถนาผู้เพื่อให้ตัวอย่างยึดเกาะกับแผ่นสไลด์ก่อนจึงนำไปย้อมสีในขั้นตอนต่อไป

2.1.6 การย้อมสีเนื้อเยื่อในกาแพ

การย้อมสีเนื้อเยื่อในกาแพที่ได้จากการทำ paraffin section ก่อนที่จะทำการย้อมสี จะต้องนำมาผ่านขั้นตอนและลายເວາພาราฟินออกก่อน โดยนำสไลด์ที่มี ribbon ติดอยู่มาแช่ใน xylene เป็นเวลา 5 นาที จากนั้นก็ย้ำไว้แข็งในสารละลาย xylene-absolute alcohol (1:1) เป็นเวลา 5 นาที จากนั้นจึงนำตัวอย่างไปย้อมด้วยสี safranin-fast green (ภาชนะ ก 3) และนำตัวอย่างไปวางบนสไลด์แล้วนำไปส่องภายใต้กล้องจุลทรรศน์ที่กำลังขยาย 100, 200 และ 400 เท่า ตามลำดับ สังเกตลักษณะทางสัณฐานวิทยาต่างๆ ได้แก่ sorus ของ uredium, uredium และ urediospore

2.1.7 การวัดขนาดของ urediospore ของเชื้อรานินในกาแฟ

ทำการวัดขนาดของ urediospore โดยนำเทปไสกดลงบน โโคโลนีของเชื้อรานินที่เลือกไว้ จากนั้นนำมาร่วงลงบนหอยกลับที่อ่อนย่นสีลักษณะคล้ายฟองอากาศออก แล้วนำไปส่องภายใต้กล้องจุลทรรศน์ที่กำลังขยาย 400 เท่า ทำการวัดขนาดความกว้างและความยาวของ urediospore จำนวน 30 เซลล์ต่อหนึ่งตัวอย่าง และคำนวณหาค่าเฉลี่ย

2.2 ทำการเลือกตัวอย่างในกาแฟที่มีโโคโลนีของเชื้อรานินที่ไม่มีเชื้อรากื่นไป แล้วนำชิ้นส่วนของใบกาแฟที่ตัดได้มาเข้าบวนการเตรียมตัวอย่างเพื่อการศึกษาด้วยกล้องจุลทรรศน์อิเล็กตรอนแบบส่องกราด (scanning electron microscope, SEM) ตามวิธีการของ Yukawa and Tanaka (1979) (อ้างโดย Mccain and Hennen, 1984) รายละเอียดดังนี้

2.2.1 ใช้ cork borer ขนาดเส้นผ่านศูนย์กลาง 7 มิลลิเมตร ตัดตัวอย่างในกาแฟเป็นแผ่นวงกลมเพื่อให้เลือกว่าขนาดพื้นที่หน้าตัดของแท่นรองรับเล็กน้อย ซึ่งเส้นผ่านศูนย์กลางของแท่นที่ใช้กับกล้องจุลทรรศน์อิเล็กตรอนแบบ SEM มีขนาดประมาณ 9 มิลลิเมตร เพื่อสะดวกในการเตรียมตัวอย่างและสามารถใช้กล้องตรวจดูได้อย่างทั่วถึง

2.2.2 แช่ชิ้นในกาแฟที่ตัดได้ในสารละลาย 2.5% glutaraldehyde ใน 0.1 M phosphate buffer pH 7 แล้วนำไปใส่ในตู้ดูดความชื้น (desicator) และใช้ปั๊มสูญญากาศ (vacuum pump) ดูดอากาศออกเพื่อให้สารละลาย glutaraldehyde แทรกเข้าไปในเนื้อเยื่อด้วยชิ้นจากนั้นนำไปเก็บในตู้เย็นอุณหภูมิ 0-4 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 1 – 4 ชั่วโมง

2.2.3 ล้างตัวอย่างด้วยสารละลาย 0.1 M phosphate buffer (pH 7) 2 ครั้ง แล้วนำไปแช่ใน alcohol series เพื่อตั้งน้ำออกจากเซลล์ที่ละน้อย โดยเริ่มจากแอลกอฮอล์ที่มีความเข้มข้น 30, 50, 70, 80, 90 และ 95% ขึ้นตอนละ 15 นาที แล้วถ่ายไปแช่ใน amyl acetate เป็นเวลา 10 นาที จึงนำตัวอย่างขึ้นมาซับด้วยกระดาษกรอง และบรรจุในตะกร้าแล้วเอาไปทำให้แห้ง ด้วยเครื่อง critical point dryer (CPD) โดยใช้คาร์บอนไดออกไซด์เหลวเป็น transitional fluid ไปได้ที่ amyl acetate ซึ่งเป็น intermediate fluid และตัวอย่างจะระเหยแห้งอย่างรวดเร็ว ซึ่งการบันบนโดยอุ่นด้วยวิธีการที่อุณหภูมิ 31.1 องศาเซลเซียส ความดัน 1,073 ปอนด์ต่อตารางนิวตัน

2.2.4 ใช้คิมคีบตัวอย่างที่ผ่านการทำด้านหลังออกตามวิธีการในข้อที่ 2.3.3 ซึ่งแห้งแล้วมาติดบนแท่นรองรับทองเหลือง (stub) โดยยึดตัวอย่างติดกับแท่นด้วยเทปภาชนะ 2 หน้าหรือ silver paste ซึ่งเป็นการผสมกับเงิน เพื่อช่วยให้เป็นสื่อนำอิเล็กตรอนลง ground และป้องกันการ charge-up ที่ผิดตัวอย่าง แล้วนำไปเคลือบ gold-palladium alloy (ในอัตราส่วน 40 : 60) ด้วยเครื่อง ion sputter ในสภาพสูญญากาศเป็นเวลา 10 นาที แล้วจึงนำมาตรวจด้วยกล้องจุลทรรศน์

อิเล็กตรอนแบบส่องกราด (scanning electron microscope, SEM) ทำการศึกษาลักษณะทางสัณฐานวิทยาต่างๆ ได้แก่ sorus ของ ureidium, ureidium และ urediospore ของเชื้อร่า *H. vastatrix*

3. การทดสอบความหลากหลายทางพันธุกรรมของเชื้อร่า *Hemileia vastatrix* ที่เป็นสาเหตุของโรคราสนิมใบแพ้โดยเทคนิคทางเคมีโมเลกุล

3.1 การเตรียมดีเอ็นเอ

ทำการสักดีดีเอ็นเอของเชื้อร่าสนิม ในใบแพ้และราสนิมใบ ข้าวโพด โดยใช้สปอร์ของราสนิมประมาณ 200-300 สปอร์ จาก 1 แพล (single ureidium/ single pustule) ภายใต้กล้องสเตอริโอลู (stereo microscope) บดสปอร์ให้แตก โดยใช้สไลด์แก้วสองแผ่นวางประยุกต์ให้สปอร์อยู่ตรงกลาง และใช้ดินสอด้านปลายที่เป็นยางลบกด เพื่อบดให้สปอร์แตก จากนั้นใช้ extraction buffer (10 mM Tris-HCl (pH 8.0), 1.5 mM MgCl₂, 50 mM KCl, 0.01% SDS) เพื่อถางสปอร์ที่แตกจากแพนสไลด์ ทั้ง 2 แผ่น ดูดใส่หลอดขนาด 1.5 มิลลิลิตร นำไปบ่มที่อุณหภูมิ 37 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 60 นาที และ 95 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 10 นาที หลังจากนั้นเก็บไว้ที่อุณหภูมิ 4 องศาเซลเซียส และนำไปเพิ่มปริมาณ DNA ตรงตำแหน่ง rDNA เพื่อวิเคราะห์ลายพิมพ์ดีเอ็นเอและลำดับเบสของดีเอ็นเอต่อไป

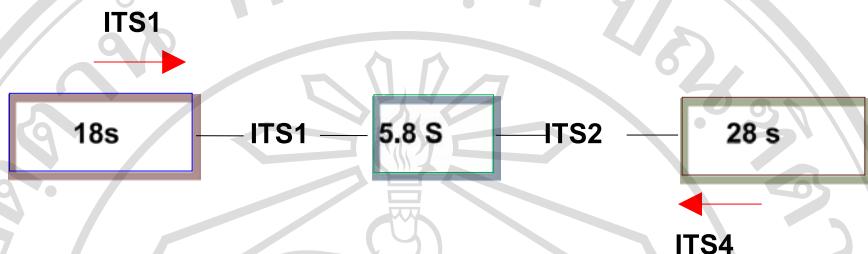
3.2 การเปรียบเทียบลำดับเบสของดีเอ็นเอบริเวณ ITS (internal transcribed spacer)

นำดีเอ็นเอของเชื้อร่าสนิมมาเพิ่มปริมาณตรงบริเวณ ITS ด้วยไพรเมอร์ 2 ชนิด คือ ITS1 (5'-TCCGTAGGTGAAACCTGCGG-3') และ ITS4 (5'-TCCTCCGCTTATTGATATGC-3') (White *et al.*, 1990) อย่างละ 0.2 pmol, 2.5 mM MgCl₂, 0.2 มิลลิโนโลร์ dNTP, 10X PCR buffer และ 1 unit *Taq* polymerase โดยมีเงื่อนไขในการทำปฏิกิริยาดังนี้

| | | |
|-------------------------|-----------------------------|-----------------------|
| 1. initial denaturation | ที่อุณหภูมิ 95 องศาเซลเซียส | เป็นเวลา 3 นาที 1 รอบ |
| 2. denaturation | ที่อุณหภูมิ 95 องศาเซลเซียส | เป็นเวลา 30 วินาที |
| 3. annealing | ที่อุณหภูมิ 55 องศาเซลเซียส | เป็นเวลา 1 นาที |
| 4. extension | ที่อุณหภูมิ 72 องศาเซลเซียส | เป็นเวลา 1 นาที |
| 5. final extension | ที่อุณหภูมิ 72 องศาเซลเซียส | เป็นเวลา 10 นาที |

หลังจากนั้นนำผลผลิตจาก PCR ที่ได้มาตรวจสอบโดยทำ gel electrophoresis โดยนำผลผลิตจาก PCR มา 10 ไมโครลิตร ผสมกับ loading dye 2 ไมโครลิตรแล้วแยกขนาดของดีเอ็นเอบน 1% agarose gels electrophoresis ใน 1X TBE buffer ความต่างศักย์ไฟฟ้า 100 โวลท์นาน 40 นาที จากนั้นย้อมແคนดีเอ็นเอด้วย ethidium bromide เป็นเวลา 10 นาที ล้างด้วยน้ำเป็นเวลา 5 นาที

ตรวจดูแลบดีอีนเอภายในได้แสงอุตตราไวโอลेट แล้วนำผลผลิตจาก PCR มาแยก หรือทำให้บริสุทธิ์โดยใช้ MicroSpin S-400 HR column จากนั้นส่งไปเพื่อวิเคราะห์ลำดับเบสที่ห้องปฏิบัติการดีอีนเอ เทคโนโลยี อาคารศูนย์เทคโนโลยีดิจิทัลและจีโนมิกส์ มหาวิทยาลัยเกษตรศาสตร์ วิทยาเขต กำแพงแสน จังหวัดนครปฐม



ภาพที่ 5 แผนภาพแสดงบริเวณ 18S, 5.8S, 28S, ITS rDNA และตำแหน่งของไพรเมอร์ ITS1/ ITS4

3.3 การทำ Sequence alignment และการวิเคราะห์ข้อมูล

นำข้อมูลลำดับเบสของเชื้อราสนิมทุกตัวอย่างที่ได้นำมาทำ multiple alignment โดยใช้โปรแกรม Clustal W (Thompson *et al.*, 1994) โดยใช้ตัวอย่างที่ศึกษาร่วมกับตัวอย่างที่มีการบันทึกไว้ในฐานข้อมูล DDBJ (DNA Data Bank of Japan) จากนั้นนำข้อมูล alignment มาสร้าง phylogenetic tree เลือกวิธี maximum parsimony methods และ UPGMA ใน MEGA version 4.1 สำหรับการหาค่า bootstrap ทำการวิเคราะห์ด้วยโปรแกรมเดียวกันจำนวน 1,000 ชี้า