

บทที่ 1

บทนำ

โรคใบไหม้ (late blight) เป็นโรคที่ก่อให้เกิดความเสียหายทางเศรษฐกิจกับการเพาะปลูกมันฝรั่งและมะเขือเทศในหลายประเทศทั่วโลก รวมทั้งประเทศไทย โรคนี้มีสาเหตุมาจากการเชื้อ *Phytophthora infestans* (Mont) De Bary เชื้อนี้จัดอยู่ใน class Oomycetes เป็นพหุที่มีรูปร่างลักษณะและการเจริญคล้ายรา (fungus-like organism) โดยมีการพับ เชื้อนี้ครั้งแรกในประเทศเม็กซิโก จากประวัติการแจงลักษณะ (characterization) ของประชากร *P. infestans* พนการระบาดของเชื้อ ทั้งสอง mating type คือ A1 และ A2 โดยจะเฉพาะในประเทศเม็กซิโกเท่านั้น ส่วนประเทศที่อยู่ในแถบทวีปยุโรป อเมริกา และเอเชีย จะพับ mating type A1 เพียงชนิดเดียวและเป็นที่ทราบกันทั่วไปว่า สายพันธุ์ที่มี mating type A1 ที่พับทั่วโลกในช่วงก่อนปีค.ศ. 1990 นั้นมีจีโนไทป์ US-1 ซึ่งถูกเรียกขานว่าเป็นประชากรดั้งเดิม (old population) ที่อ่อนแอต่อสารเคมี metalaxyl (Goodwin *et al.*, 1994) และจากรายงานการแจงลักษณะประชากรเชื้อ *P. infestans* ในช่วง 10 กว่าปีที่ผ่านมา แสดงให้เห็นว่ามีการกระจายของสายพันธุ์ที่มี mating type A2 ไปยังพื้นที่เพาะปลูกมะเขือเทศและมันฝรั่งทั่วโลก ทั้งในทวีปยุโรป อเมริกา และเอเชีย นอกจากนั้นยังพบสายพันธุ์ใหม่ ที่มีความรุนแรงมากขึ้น (high virulence) ทั้งในแง่ของการต่อต่อสารเคมีที่ใช้ในการควบคุม (chemical resistance) และในแง่ของการสามารถในการก่อโรค (pathogenicity) (Flier *et al.*, 2004) ที่เป็นเช่นนี้สืบเนื่องมาจากการสืบพันธุ์แบบอาศัยเพศ (sexual reproduction) ระหว่างเชื้อที่มี mating type A1 และ A2 ทำให้เกิดกระบวนการแลกเปลี่ยนข้อมูลทางพันธุกรรม ที่เกิดขึ้นระหว่าง mating type ทั้งสอง ส่งผลให้ได้ผลผลิตที่เรียกว่า oospores ที่เจริญเติบโตและให้กำเนิดลูกหลานที่มีลักษณะทางพันธุกรรมที่แตกต่างจากรุ่นบรรพบุรุษ เช่น ความสามารถในการก่อโรค หรือการต้านทานต่อสารเคมีควบคุมโรคใบไหม้ ที่ดีเหนือกว่าสายพันธุ์ดั้งเดิม (Gavino *et al.*, 2000) นอกจากนั้น oospore ยังมีโครงสร้างที่แข็งแรง และมีความสามารถต่อสภาพแวดล้อมที่ไม่เหมาะสมต่อการเจริญของเชื้อ โดยสามารถมีชีวิตอยู่ในดินหรือเศษพืชได้นานหลายปี และเมื่อมีสภาพแวดล้อมที่เหมาะสมกับการเจริญของเชื้อ oospores จะเป็นแหล่งของเชื้อริมต้น (primary inoculum) ที่สำคัญต่อการเกิดการระบาดของโรคใบไหม้ในฤดูเพาะปลูกถัดไป ดังนั้นการแพร่ระบาดของ mating type A2 จึงนำมาซึ่งความกังวลแก่เกษตรกรผู้เพาะปลูกมันฝรั่งและมะเขือเทศทั่ว

โลก ด้วยเหตุนี้ นักวิทยาศาสตร์จึงหันมาให้ความสนใจเกี่ยวกับการศึกษาความหลากหลายทางด้านจีโนไทป์และพีโนไทป์ของเชื้อ *P. infestans* (Drenth *et al.*, 1994; Koh *et al.*, 1994; Sujkowski *et al.*, 1994; Day *et al.*, 2004) โดยการศึกษาวิจัยดังกล่าวต้องอาศัยข้อมูลที่สำคัญต่างๆ ดังเช่น การวิเคราะห์ mating type การศึกษาความต้านทานต่อสารเคมี metalaxyl (Forbes *et al.*, 1998) nuclear DNA fingerprinting โดยการใช้ RG57 probe mitochondrial DNA (mtDNA) haplotypes (Carter *et al.*, 1990; Goodwin, 1991) และ allozyme genotypes (Tooley *et al.*, 1985)

ด้วยการแจงลักษณะ (characterization) ของประชากรเชื้อ *P. infestans* ในแต่ละประเทศ นั้นนับว่ามีความสำคัญเป็นอย่างยิ่ง เพราะจะทำให้ทราบถึงการเปลี่ยนแปลงโครงสร้างของประชากรของเชื้อ *P. infestans* ที่พบในแหล่งเพาะปลูกมันฝรั่งที่สำคัญคือ จ.เชียงใหม่ และตาก โดยอาศัยข้อมูลทางชีววิทยา ได้แก่ การศึกษา mating type และความต้านทานต่อสารเคมี metalaxyl นอกจากนั้นยังศึกษา mitochondrial DNA haplotypes ซึ่งเป็นข้อมูลชี้ทางพันธุกรรม

วัตถุประสงค์ของการวิจัย

เพื่อแจงลักษณะของประชากรเชื้อ *P. infestans* ที่เก็บและแยกได้จากพื้นที่ปลูกมันฝรั่ง ในจ.เชียงใหม่ และตาก โดยอาศัยข้อมูล 3 ชนิด คือ mating type ความต้านทานต่อสารเคมี metalaxyl และ mitochondrial DNA haplotypes

จัดทำโดย
สำนักหอสมุด
มหาวิทยาลัยเชียงใหม่
Copyright © by Chiang Mai University
All rights reserved