

บทที่ 2

ตรวจเอกสาร

พืชตระกูลส้มที่สำคัญทางเศรษฐกิจได้แก่ ส้มเขียวหวาน ส้มโอ มะนาว ส้มเกลี้ยง และ ส้มตรา (นิค, 2544) พันธุ์ส้มที่มีการปลูกมากกว่าครึ่งหนึ่งของพื้นที่ปลูกส้มทั้งหมด คือ ส้มเขียวหวาน ส่วนพันธุ์ส้มที่มีความสำคัญต่อการส่งออกมากที่สุดคือ ส้มโอ (*Citrus grandis*) (จุฑามาศ, 2547)

ส้มโอ

ชื่อวิทยาศาสตร์

Citrus grandis Osb.

Syn. *C. maxima* *C. aurantium* L. var *grandis* L. *C. decumana* L.

ชื่อสามัญ

Pomelo

ชื่ออื่นๆ ไทย

ส้มโอ มะโอ หมากโอ ซาดอก

วงศ์

Rutaceae

Scora (1975) กล่าวว่า ส้มโอ หรือ shaddock (*Citrus grandis* (L.) Osbeck, คำเหมือน *Citrus maxima* (J. Burm.) Merr. *C. decumna* L., จัดอยู่ใน

Family Rutaceae

sub-family Aurantioidae

tribe Citreae

sub-tribe Citrinae

genus *Citrus*

Purseglove (1968) ตั้งข้อสันนิษฐานว่า ส้มโอน่าจะเป็นพืชพื้นเมืองของประเทศไทยและมาเลเซีย ถึงแม้ว่า Ye (1997) จะกล่าวว่า ส้มโอนั้นมีถิ่นกำเนิดอยู่ทางตอนใต้ของประเทศจีน แล้วจึงแพร่กระจายไปสู่ประเทศอื่นๆ ได้แก่ ประเทศไทย มาเลเซีย อินโดนีเซีย ฟิลิปปินส์ และญี่ปุ่น แต่นักวิทยาศาสตร์หลายท่านได้ลงความเห็นและยอมรับตรงกันว่า ส้มโอนั้นมีแหล่งกำเนิดอยู่ในเอเชียตะวันออกเฉียงใต้แล้วจึงแพร่กระจายไปยังประเทศจีน อินเดีย และอิหร่าน ในคริสต์ทศวรรษที่ 17 ได้มี Captain Shaddock เป็นผู้นำเอาส้มโอจาก Dutch East Indies (Indonesia) เข้าสู่ West Indies (Barbados) ซึ่งต่อมาก็มีการเรียกส้มโอว่า Shaddock ตามชื่อของ Captain Shaddock จากนั้นจึงได้แพร่ขยายไปยังประเทศอื่นๆ ในเขตร้อนขึ้น

ส้มโอ (*Citrus grandis*) เป็นไม้ผลเศรษฐกิจที่ทุกคนรู้จัก สามารถปลูกได้ทุกภาคของประเทศไทย มีผลผลิตตลอดทั้งปี เนื่องจากส้มโอเป็นผลไม้ที่มีรสชาติดี มีรสหวานหรือหวานอมเปรี้ยวขึ้นอยู่กับพันธุ์และมีคุณค่าทางโภชนาการสูง เป็นที่ต้องการของตลาดต่างประเทศ อีกทั้งส้มโอเป็นผลไม้ที่มีเปลือกหนาทำให้สามารถเก็บรักษาได้นานโดยไม่เสียคุณภาพ ทนทานต่อการกระทบกระเทือนระหว่างขนส่งได้ในระยะทางไกลโดยเฉพาะการส่งออกไปยังตลาดต่างประเทศ ซึ่งจัดว่าเป็นพืชเศรษฐกิจสำคัญของไทยที่มีศักยภาพในการส่งออกและมีแนวโน้มตลาดค่อนข้างสดใส ตลาดต่างประเทศในแถบเอเชีย ได้แก่ ใต้หวัน ฮองกง สิงคโปร์ มาเลเซีย และในแถบยุโรป ได้แก่ ฝรั่งเศส อังกฤษ เยอรมนี นับตั้งแต่ปี พ.ศ. 2521 เป็นต้นมา รัฐบาลได้ให้การส่งเสริมการส่งออกผลไม้ชนิดต่างๆ ออกไปจำหน่ายยังตลาดต่างประเทศ ส้มโอเป็นผลไม้อีกชนิดหนึ่งที่ได้รับการสนับสนุนในปี 2544 ประเทศไทยส่งออกส้มโอ 7,517 ตัน มูลค่า 131.38 ล้านบาท ซึ่งปริมาณที่ส่งออกเพิ่มขึ้นจากปี 2543 ถึง 1,000 ตัน (กรมวิชาการเกษตร, 2550)

การผลิตส้มโอภายในประเทศไทยมีแหล่งปลูกกระจายไปทั่วทุกภาคของประเทศ จังหวัดที่มีพื้นที่ปลูกมากที่สุด คือ จังหวัดชุมพร นครศรีธรรมราช เชียงใหม่ เชียงราย และนครปฐม ในปี 2543 มีพื้นที่ปลูกส้มโอทั่วประเทศ 242,628 ไร่ ให้ผลผลิตแล้ว 145,886 ไร่ ผลผลิตรวม 183,930 ตัน ผลผลิตเฉลี่ย 1,261 กก./ไร่ มีมูลค่ารวม 2,663 ล้านบาท ช่วงที่ให้ผลผลิตมากอยู่ระหว่างเดือนสิงหาคม-ตุลาคม ส้มโอที่ปลูกในแต่ละแหล่งมีความแตกต่างกันไปในเรื่องของพันธุ์ พันธุ์ที่ตลาดต่างประเทศต้องการ คือ พันธุ์ทองดี และพันธุ์ขาวน้ำผึ้ง ซึ่งมีผลผลิตในปี 2543 เท่ากับ 86,243 และ 10,831 ตัน คิดเป็น 46.89 และ 5.89 % ของผลผลิตรวม ตามลำดับ (กรมส่งเสริมการเกษตร, 2545)

พื้นที่ภาคเหนือตอนบนเป็นแหล่งผลิตส้มโอที่สำคัญแห่งหนึ่งของประเทศไทย โดยเฉพาะอย่างยิ่งในเขตจังหวัดเชียงใหม่ เชียงราย และลำปาง ผลผลิตส้มโอที่ได้จากพื้นที่ภาคเหนือส่วนใหญ่ ใช้บริโภคภายในประเทศและมีบางส่วนมีการส่งออกไปยังต่างประเทศ โดยเฉพาะประเทศจีน ผ่านทางสามเหลี่ยมเศรษฐกิจ การปลูกส้มโอเพื่อการค้าของเกษตรกรในอำเภอเวียงแก่น จังหวัดเชียงราย เริ่มมาตั้งแต่ปี พ.ศ. 2532 หลังจากส้มโอให้ผลผลิตและจำหน่ายได้ราคาดีในปี 2536 จึงมีการขยายพื้นที่ปลูกเพิ่มมากขึ้นจำนวนเกษตรกรผู้ปลูกส้มโอที่อำเภอเวียงแก่นมีประมาณ 2,000 ราย โดยมีแหล่งปลูกครอบคลุมพื้นที่ 4 ตำบล ได้แก่ ตำบล หล่ายงาว ม่วงยาย ท่าข้าม และปอ พื้นที่ปลูกส้มโอทั้งหมดรวม 7,395 ไร่ เก็บเกี่ยวผลผลิตได้แล้วประมาณ 3,827 ไร่ (สำนักงานเกษตรอำเภอเวียงแก่น, 2549)

การผลิตส้มโอเพื่อการส่งออกพบปัญหาและอุปสรรคสำคัญด้านโรคหลายชนิด เช่น โรคจุดดำ โรคแคงเกอร์ โรคผลเน่า ซึ่งส่งผลกระทบต่อคุณภาพและราคาของผลผลิตส้มโอ (อรพรรณ และจุมพล, 2550) โรคฮวงหลงบิงและโรคทรินนิ่งถือเป็นโรคที่สำคัญต่อพืชตระกูลส้ม โดยทำให้เกิดอาการต้นโทรม ผลผลิตน้อยลง ผลเล็ก คุณภาพลดลง ไม่สามารถให้การผลิตดอกออกผลได้เนื่องจากอาการทรุดโทรม (อำไพวรรณ และคณะ, 2527)

โรคฮวงหลงบิง

โรคฮวงหลงบิง (Huanglongbing: HLB) หรือกรีนนิ่ง (greening) หมายถึง โรคยอดเหลือง (yellow shoot disease) (Timmer *et al.*, 2003) ในประเทศฟิลิปปินส์ เรียก leaf mottling ประเทศอินเดีย เรียก decline ประเทศจีน เรียก huanglongbing ประเทศไต้หวัน เรียก likubin ประเทศอินโดนีเซีย เรียก phloem degeneration ประเทศสเปน เรียก enverdecimiento (CABI and EPPO, 2003) อย่างไรก็ตามจากการประชุมสัมมนา ครั้งที่ 13 Conference of International Organization of Citrus Virologists ได้เปลี่ยนชื่อเรียก citrus greening เป็น huanglongbing (Ohtsu *et al.*, 2002) โรค HLB เป็นโรคที่ทำให้เกิดความเสียหายอย่างรุนแรงมาก (Garnsey, 1989) เป็นเชื้อที่เข้าทำลายส่วนสีเขียวของพืช (จรัญ, 2545) Timmer *et al.* (2003) กล่าวว่าโรค HLB นี้ทำให้เกิดความเสียหายกับต้นส้มประมาณ 60 ล้านต้นในแถบแอฟริกาและเอเชีย มีรายงานว่าพบโรคนี้ครั้งแรกที่ประเทศแอฟริกาใต้ เมื่อ พ.ศ. 2516 (อำไพวรรณและคณะ, 2527) ประเทศไต้หวันพบโรคนี้เข้าทำลายตั้งแต่ปี 1951 (Hong-Ji, 2001) นอกจากนี้ Weinert *et al.*, (2004) พบโรคนี้เป็นครั้งแรกใน Timor-Leste (ติมอร์ตะวันออก) และประเทศปาปัวนิวกินีในปี 2004

โรคฮวงหลงบิงมีสาเหตุจากเชื้อแบคทีเรียแกรมลบ (Gram-negative) ที่อยู่ใน subdivision α -Proteobacteria โดยจะพบเชื้อนี้เจริญอยู่เฉพาะในท่อลำเลียงอาหาร (phloem limited bacteria) และไม่สามารถเลี้ยงบนอาหารเลี้ยงเชื้อได้ ถูกจัดอยู่ในกลุ่ม “*Candidatus*” generic name *Liberobacter* (Jagoueix *et al*, 1994) ต่อมาได้เปลี่ยนชื่อเป็น *Liberibacter* (Garnier *et al*, 2000) โดยพบว่าเชื้อสาเหตุมี 3 สายพันธุ์ คือ *Candidatus Liberibacter asiaticus* พบในแถบเอเชียและทั่วไป *Candidatus Liberibacter africanus* พบในแถบแอฟริกาใต้ (Jagoueix *et al*, 1994) และ *Candidatus Liberibacter americanus* พบในบราซิล (Teixeira *et al*, 2005)

โรคฮวงหลงบิง (huanglongbing: HLB) หรือโรคกรีนนิ่ง (greening) มีผลกระทบกับความสมบูรณ์ของต้นส้ม มีรายงานว่าพบโรคฮวงหลงบิงและแมลงพาหะในประเทศไทยเมื่อปี พ.ศ. 2516 (อำเภอพรรณานิคมและปทุมธานี, 2542) การแพร่ระบาดของโรคมียหลายวิธี คือติดไปกับส่วนขยายพันธุ์กิ่งตอนหรือกิ่งพันธุ์ หรือจากการติดตามทาบกิ่ง นอกจากนี้ยังสามารถถ่ายทอดโดยแมลงที่เป็นพาหะคือ เพลี้ยกระโดดส้ม หรือเพลี้ยไก่อ้ำส้ม (asian citrus psyllid) อาการของโรค HLB ใบจะมีสีเหลืองซีด หรือมีด่างสีเขียว บางใบพบว่าเส้นกลางใบยังคงมีสีเขียว ในต้นที่เป็นโรครุนแรง ใบจะมีขนาดเล็กลง เรียวยาว ใบมีสีเหลืองซีด ใบหนากว่าปกติ ใบอาจร่วงก่อนแก่ อาจมีอาการเล็กน้อยเพียงบางกิ่ง หรือเป็นทั้งต้น นอกจากนี้กิ่งอาจแห้งตายจากยอดลงมา ผลมีขนาดเล็กลง มีรสเปรี้ยวเปลือกผลมีสีซีดจางและอาจร่วงก่อนสุก เมล็ดลีบ ไม่สมบูรณ์ เมื่ออาการลุกลามไปทั่วต้นในที่สุดต้นจะโทรมและตาย นอกจากนี้บางครั้งอาจพบว่ามีอาการเกิดร่วมกับอาการของโรคทรისტีซ่า (Garnsey, 1989) และอาการของโรคพบว่ามีอาการคล้ายกับอาการใบแก้วที่เกิดจากการขาดธาตุสังกะสี จึงทำให้เกิดความสับสนได้ (Timmer *et al.*, 2003)

Hocquellet *et al.* (1999) ได้ทำการตรวจสอบเชื้อสาเหตุและความแตกต่างระหว่างแบคทีเรียเชื้อสาเหตุ *Liberibacter* species โดยการเพิ่มปริมาณของดีเอ็นเอในส่วน of ribosomal protein gene ของ β -operon ด้วยวิธีพีซีอาร์ ซึ่งในการสกัดดีเอ็นเอใช้ 2 วิธี คือ สกัดดีเอ็นเอ ด้วยวิธี CTAB (hexadecyltrimethylammonium bromide) method โดยใช้เส้นกลางใบส้ม 2 กรัม และสกัดโดยใช้ wizard extracts 50 ไมโครลิตร ใช้เส้นกลางใบส้ม 0.1-0.3 กรัม ส่วนในขั้นตอนการเพิ่มปริมาณดีเอ็นเอ ด้วยวิธีพีซีอาร์ใช้ primer A2 และ primer J5 ซึ่ง primer A2 เข้าไปจับกับดีเอ็นเอบริเวณ 3'-end ของ *rplA* gene ส่วน primer J5 เข้าไปจับกับดีเอ็นเอบริเวณ 3'-end ของ *rplJ* gene ในส่วน of ribosomal protein gene ของเชื้อสาเหตุพบว่า primer ทั้งสองนี้มีความจำเพาะเจาะจงกับเชื้อสาเหตุและสามารถแยกความแตกต่างระหว่าง 2 species ที่เป็นเชื้อสาเหตุได้ โดยพบว่า *Candidatus Liberibacter africanus* เกิดแถบดีเอ็นเอที่มีขนาด 669 bp และ *Candidatus Liberibacter asiaticus* เกิดแถบดีเอ็นเอขนาด 703 bp บน 2% agarose gel นอกจากนี้ยังได้ทำ Southern

hybridization เพื่อเป็นการยืนยันผลอีกครั้งกับแถบดีเอ็นเอที่ได้ด้วย oligonucleotide probe DJ โดย oligonucleotide probe DJ จะเข้าไปจับระหว่าง *rplA-rplJ* genes ของเชื้อสาเหตุทั้งสองสปีชีส์ได้นอกจากนี้ได้ทดลองถึงความไวของ primer พบว่ายังสามารถตรวจสอบหาเชื้อสาเหตุทั้งสองสปีชีส์ได้แม้มีปริมาณดีเอ็นเอเพียง 0.01 นาโนกรัม

Hung *et al.* (1999) ทำการพัฒนาวิธีการวินิจฉัยโรคกรีนนิงโดยใช้วิธีพีซีอาร์ พบว่าใช้เวลาภายใน 6 ชั่วโมง โดยแบ่งเป็น 3 ขั้นตอน ได้แก่ ขั้นตอนที่ 1 การสกัด nucleic acids ใช้เวลา 2 ชั่วโมง โดยนำเส้นกลางใบส้มประมาณ 250 มิลลิกรัม มาบดด้วยไนโตรเจนเหลว แล้วละลายใน DNA extraction buffer บ่มไว้ที่อุณหภูมิห้อง 55 องศาเซลเซียส นาน 1 ชั่วโมง จากนั้นสกัดด้วย CTAB แล้วบ่มไว้ที่อุณหภูมิ 65 องศาเซลเซียส นาน 10 นาที จึงสกัดด้วย chloroform/isoamyl alcohol ตามด้วย phenol/chloroform/isoamyl alcohol ขั้นตอนที่ 2 การทำพีซีอาร์ ใช้เวลา 3 ชั่วโมง ด้วย primer 226 primer pair และขั้นตอนที่ 3 การวิเคราะห์ PCR product ใช้เวลา 1 ชั่วโมง โดยวิเคราะห์ดีเอ็นเอด้วย electrophoresis บน 1.4% agarose gel, 100 V นาน 30-40 นาที ในการทดลองได้ใช้ตัวอย่างส้มที่ได้จากแหล่งต่างๆ ในแถบเอเชีย ซึ่งวิธีดังกล่าวใช้เวลาในการวินิจฉัยโรคได้อย่างรวดเร็วและมีประสิทธิภาพ

Teixeira *et al.* (2005) รายงานว่าพบเชื้อสายพันธุ์ใหม่ในมลรัฐ Sao Paulo ในประเทศบราซิล โดยการตรวจสอบได้ใช้วิธี PCR ที่ศึกษาในบริเวณ 16S rDNA การเพิ่มปริมาณดีเอ็นเอบริเวณดังกล่าวใช้ primer GB1 (5'-AAGTCGAGTACGCAAGTACT-3') และ GB (5'-CTATATTTGCCATCATTAAGTTG-3') และแถบดีเอ็นเอที่ได้มีขนาด 1027 bp ซึ่งขนาดที่ได้มีความแตกต่างจากเชื้อสาเหตุทั้งสองสายพันธุ์ที่เคยมีรายงาน จึงได้ให้ชื่อเชื้อที่พบนี้ว่า *Candidatus Liberibacter americanus* และพบว่ามีแมลงพาหะ คือ *Diaphorina citri*.

Ruangwong and Akarapisan (2006) ทำการศึกษาโรคฮวงลงบิงของส้มในพื้นที่ปลูก 3 จังหวัด ได้แก่ จังหวัดเชียงใหม่ เชียงราย และแพร่ เมื่อตรวจสอบโรคโดยใช้เทคนิค PCR จากการใส่ คู่ไพร์เมอร์ OI1/OI2c และ A2/J5 พบแถบดีเอ็นเอขนาด 1160 bp และ 730 bp จากใบส้มที่เป็นโรค แต่ไม่พบในใบปกติ สำหรับการพัฒนางานวิจัยการตรวจสอบโรค HLB โดยปรับปรุงวิธีการสกัดดีเอ็นเอจากใบพืชที่เป็นโรคทั้งหมด 5 วิธี แล้วนำไปตรวจสอบด้วยวิธี PCR พบว่าวิธีที่ 3 (ดัดแปลงมาจากวิธีของ Hung *et al.*, 1999) และวิธีที่ 4 (ดัดแปลงมาจากวิธีของ Dellaporta *et al.*, 1983) เป็นวิธีที่มีประสิทธิภาพสูงสุดสำหรับการตรวจสอบโรค HLB ในขั้นตอนการจำแนกชนิดของเชื้อสาเหตุที่พบด้วยการใส่คู่ไพร์เมอร์ A2/J5 พบแถบดีเอ็นเอขนาด 703 bp ในทุกตัวอย่างที่แสดงอาการของโรคและจากการหาลำดับเบสบริเวณ ribosomal protein gene ของเชื้อสาเหตุที่ได้

จากเชียงใหม่ (HLB-CM) เชียงราย (HLB-CR) และแพร่ (HLB-P) ผลที่ได้พบว่าเชื้อสาเหตุที่ทำให้เกิดโรค HLB คือเชื้อ *Candidatus Liberibacter asiaticus*.

Deng *et al.* (2008) ได้ทำการตรวจสอบเชื้อสาเหตุโรคฮวงลองบิงของส้มโอที่จังหวัด Guangdong ประเทศจีน โดยศึกษาจากยีนในบริเวณ 16S rDNA, *rplA1* (β -operon of ribosomal protein) ของเชื้อสาเหตุที่แยกได้พบว่าเป็นเชื้อ *Candidatus Liberibacter asiaticus* และเมื่อศึกษาส่วน *omp* sequence โดยวิธี single-nucleotide polymorphisms พบว่าเป็นเชื้อ *Candidatus Liberibacter asiaticus* กลุ่มเดียวกับสายพันธุ์จากประเทศไทย เนปาล และจากแหล่งที่ยังไม่สามารถระบุได้จากจีน แต่ต่างจากสายพันธุ์จากฟิลิปปินส์ และ China-Behai

โรคทริสเตซ่า

โรคทริสเตซ่า พบแพร่ระบาดรุนแรงเป็นครั้งแรกในประเทศแอฟริกาใต้ และต่อมาสร้างปัญหาให้กับทุกประเทศทั่วโลกที่ปลูกส้ม โดยในปี 1981 มีรายงานว่าส้มทั่วโลกเกิดความเสียหายจากโรคนี้นับหมื่นกว่า 50 ล้านตัน (Mooney and Harta, 1992) สำหรับโรคทริสเตซ่านี้มีรายงานว่าน่าจะพบครั้งแรกในประเทศจีน (Meisaku, 2002) ในอดีตปัญหาของการปลูกส้มเกิดจากเชื้อรา *Phytophthora* ที่ทำให้เกิดโรครากและโคนเน่า ซึ่งต่อมาได้มีการนำเอาส้มที่ติดตาบนต้นส้ม sour orange ที่ต้านทานต่อโรคดังกล่าวมาปลูกแทน แต่หลังจากนั้นไม่นานได้เกิดการระบาดของโรคทริสเตซ่าในส้มที่ติดตาบนต้นส้ม sour orange และทำความเสียหายกับต้นส้มอย่างมากในประเทศอาร์เจนตินา บราซิล และอุรุกวัย โดยมีรายงานถึงความเสียหายของส้มที่เกิดจากโรคนี้นับเป็นครั้งแรกในประเทศอาร์เจนตินาในปี 1930 ซึ่งส้มที่ปลูกในประเทศอาร์เจนตินาประมาณ 90 เปอร์เซ็นต์ เป็นส้มที่ติดตาบนต้นส้ม sour orange สำหรับประเทศไทยมีรายงานเป็นครั้งแรกเมื่อปี พ.ศ. 2515 (ไมตรี, 2540)

เชื้อไวรัส (*Citrus tristeza virus*, CTV) เป็นไวรัสกลุ่ม closterovirus มีรูปร่างเป็นแบบ flexuous threadlike particle ยาวประมาณ 2,000 นาโนเมตร กว้างประมาณ 10-12 นาโนเมตร น้ำหนักโมเลกุลประมาณ 13.3×10^6 ดาลตัน มีสารพันธุกรรมเป็นแบบ RNA (Lee and Bar-Joseph, 2000) ถ่ายทอดโดยเพลี้ยอ่อนหลายชนิด เช่น *Toxoptera citricidus*, *Aphis spiraecola* และ *A. gossypii* ลักษณะการถ่ายทอดเป็นแบบ semi-persistent (Yoshida, 1996)

โรคนี้อาจเกิดได้กับส้มทุกพันธุ์ มักทำให้เกิดอาการเหลือง (seedling yellow) อาการต้นโทรม (decline) หรืออาการร่องปุ่ม (stem pitting) ซึ่งอาการเหล่านี้อาจจะเกิดอย่างใดอย่างหนึ่งหรือเกิดร่วมกัน ต้นที่มีอาการเหลือง ต้นจะแคระแกรนและตายภายในระยะเวลาไม่นาน ส่วน

อาการต้นโทรม เกิดจากการแห้งตายของเซลล์ท่อลำเลียงอาหาร ต้นส้มจะแคระแกรน ใบเหลือง เหี่ยว กิ่งแห้งตาย ผลมีขนาดเล็ก และตายในที่สุด (Brlansky *et al.*, 2004) นอกจากนี้ยังพบอาการเส้นใบโปร่งแสง (vein clearing) ใบเหลืองซีดคล้ายอาการขาดธาตุอาหาร ใบมีขนาดเล็ก และหนาคิดปกติ ขอบใบม้วนเข้าคล้ายรูปถ้วย ใบแก่เส้นใบนูนแข็งหรือแตก (corky vein) การแตกยอดใหม่หรือกิ่งก้านลดลง กิ่งแห้งตาย ดิดผลมากแต่มีขนาดเล็ก และมักหลุดร่วงง่าย ต้นส้มอาจแสดงอาการของโรคอย่างชัดเจนหรือไม่ชัดเจนและบางครั้งอาจไม่แสดงอาการของโรคเลย โรคทรისტีเตซ่าสามารถถ่ายทอดและแพร่ระบาดได้โดยติดไปกับกิ่งพันธุ์หรือตาพันธุ์และแมลงพาหะนำโรค โดยเฉพาะอย่างยิ่งเพลี้ยอ่อน *Toxoptera citricidus* ที่มีประสิทธิภาพสูงในการถ่ายทอดเชื้อจากต้นหนึ่งไปยังอีกต้นหนึ่ง (อำไพวรรณและปราณี, 2542)

ในการวินิจฉัยและตรวจหาเชื้อสาเหตุโรคนั้น เนื่องจากเชื้อสาเหตุเป็นเชื้อที่เจริญอยู่เฉพาะในท่อลำเลียงอาหารและไม่สามารถเลี้ยงบนอาหารเลี้ยงเชื้อได้ ดังนั้นในการวินิจฉัยและตรวจหาเชื้อสาเหตุโรคจึงต้องอาศัยวิธีการทางชีวโมเลกุลในการตรวจสอบได้มีการพัฒนาเทคนิคต่างๆ เพื่อใช้ในการตรวจสอบและจำแนกความแตกต่างของเชื้อไวรัสทริสเตซ่าแต่ละไอโซเลท เช่น การใช้พีชทดสอบ การใช้เทคนิคทางเซรุ่มวิทยา คือ เทคนิค Enzyme-linked immunosorbent assay (ELISA) และเทคนิค direct tissue blot immunoassay (DTBIA) นอกจากนี้ยังได้มีการประยุกต์ใช้วิธี polymerase chain reaction (PCR) เพื่อช่วยตรวจสอบเชื้อ CTV เช่น เทคนิค two-step reverse-transcription (RT-PCR) (Huang *et al.*, 2004); one-step RT-PCR (Hung *et al.*, 2000); immunocapture (IC)-RT-PCR (Cambra *et al.*, 2002) และ multiplex RT-PCR (Roy *et al.*, 2005)

Enzyme linked immunosorbent assay (ELISA) เป็นเทคนิคทางด้านภูมิคุ้มกันวิทยา อาศัยหลักการการจับกันอย่างจำเพาะระหว่างแอนติเจนและแอนติบอดี ซึ่งจะทำการติดฉลาก (label) แอนติเจนและแอนติบอดีด้วยเอนไซม์ โดยเอนไซม์นี้เมื่อทำปฏิกิริยากับ substrate แล้วจะทำให้เกิดสี วิธีนี้ทำได้ง่าย รวดเร็วและปลอดภัย แบ่งเป็น 2 ประเภทได้แก่ competitive ELISA ใช้ในการวิเคราะห์โดยชุดตรวจสำเร็จรูป (ELISA test kit) และ non-competitive ELISA ซึ่งแบ่งย่อยได้ 2 วิธี คือ Direct ELISA หรือ Sandwich ELISA และ Indirect ELISA ส่วนใหญ่นิยมใช้ในทางการแพทย์ แต่ปัจจุบันเริ่มมีการนำมาใช้ในการตรวจหาเชื้อจุลินทรีย์สาเหตุโรคพืชมากขึ้น (นภาพร, 2536; รัตนา, 2537)

Roberts *et al.* (2001) ศึกษาเทคนิคทางเซรุ่มวิทยาได้แก่ Enzyme-linked immunosorbent assay (ELISA) พบว่าเป็นวิธีการตรวจสอบเชื้อไวรัสทริสเตซ่าที่รวดเร็ว โดยใช้แอนติบอดีไปจับกับเชื้อไวรัส ซึ่งแอนติบอดีที่ใช้มี 2 ชนิด ได้แก่ polyclonal antibody ใช้ตรวจหาเชื้อไวรัสทั้งสายพันธุ์รุนแรงและไม่รุนแรง ส่วน monoclonal antibody (MLA-13) ใช้ตรวจหาเฉพาะเชื้อไวรัสสายพันธุ์

Florida ที่ทำให้เกิดอาการต้นโทรมบนส้ม sour orange และสายพันธุ์ที่ทำให้เกิดอาการร่องมุมเท่านั้น ไม่สามารถตรวจหาสายพันธุ์ mild strain ได้

Das *et al.* (2003) ได้ทำการศึกษาโรคกรีนนิงของส้มในประเทศอินเดีย โดยนำเอาส่วนใบพืชที่เป็นโรคมานำมาทำการพิสูจน์ทาง biological และทางเซรุ่มวิทยา พบว่าพืชที่นำมาทดสอบนั้นมีการเข้าทำลายร่วมกันระหว่างเชื้อ CTV และแบคทีเรีย *Candidatus Liberibacter asiaticus* และเมื่อทำการปลูกเชื้อโดยวิธีการทาบกิ่งแล้ว พบว่า อาการของโรคกรีนนิงจะแสดงออกมาก่อนแต่อาการที่เห็นนั้นจะมีเชื้อ CTV แทรกซ้อนอยู่ด้วย แต่เมื่อนำไปตรวจหาเชื้อสาเหตุของโรคโดยวิธี ELISA พบเพียงเชื้อ CTV อย่างเดียว แสดงว่าการตรวจโดยวิธี ELISA เหมาะสมต่อการตรวจหาเชื้อสาเหตุโรคทริสเตซ่า

อย่างไรก็ตาม เชื้อไวรัสมีมากมายหลายสายพันธุ์ที่ยากต่อการตรวจสอบเนื่องมาจากปริมาณของเชื้อที่มีน้อยหรือยังไม่พบการแพร่ระบาด วิธี PCR ถือเป็นเทคนิคที่มีประสิทธิภาพจำเพาะเจาะจงและแม่นยำสูงที่ใช้ในการตรวจหาเชื้อไวรัสในส้ม โดย Hung *et al.* (2000) ได้พัฒนาวิธีการตรวจสอบเชื้อ *Citrus tristeza virus* (CTV) ในส้ม โดยวิธีนี้ใช้เทคนิค Reverse Transcription (RT) และ Polymerase Chain Reaction (PCR) ร่วมกัน และเปรียบเทียบผลการทดสอบกับวิธี Two-step RT-PCR และ Enzyme Linked Immuno Sorbent Assay (ELISA) โดยพบว่า วิธี one-step RT-PCR นั้นมีความจำเพาะเจาะจงในการตรวจสอบเชื้อ CTV สูงกว่า แม้ว่าจะมีปริมาณของเชื้อในพืชอาศัยน้อยก็ตาม

Zhipeng *et al.* (2004) ศึกษาวิธีการตรวจสอบเชื้อ *Citrus tristeza virus* (CTV) ในต้นต่อ sweet orange และ grapefruit จาก 21 แหล่งที่แตกต่างกันในเขต Florida นำมาตรวจสอบเชื้อ CTV ด้วยวิธี Reverse Transcription Polymerase Chain Reaction (RT-PCR) เปรียบเทียบกับวิธี Enzyme Linked Immunosorbent Assay (ELISA) และวิธี Direct Tissue Blot Immunoassay (DTBIA) โดยแบ่งตัวอย่างเป็น 3 กลุ่ม ได้แก่ กลุ่ม decline-inducing จำนวน 7 ไอโซเลท กลุ่ม non-decline-inducing จำนวน 6 ไอโซเลท และ กลุ่มที่เป็นทั้ง decline-inducing และ non-decline-inducing จำนวน 8 ไอโซเลท ผลการตรวจสอบพบว่าวิธี RT-PCR ไม่เพียงแต่จะสามารถตรวจสอบและระบุความแตกต่างระหว่างเชื้อ CTV ระหว่างกลุ่ม decline inducing กับ non-decline-inducing ได้เท่านั้น แต่ยังสามารถตรวจสอบพบเชื้อได้ในต้น sweet orange หรือ grapefruit ที่มีเชื้อทั้งสองไอโซเลทร่วมกันในต้นเดียวได้อีกด้วย สำหรับตัวอย่างที่มีปริมาณมาก วิธี RT-PCR, ELISA และ DTBIA ให้ผลที่เหมือนกัน แต่อย่างไรก็ตามเมื่อนำต้น sweet orange จำนวน 2 ตัวอย่าง และ grapefruit จำนวน 2 ตัวอย่าง ซึ่งจัดอยู่ในกลุ่ม decline inducing เมื่อนำมาตรวจสอบเชื้อสาเหตุด้วย CTV-specific monoclonal antibody MCA13 วิธี ELISA หรือ DTBIA พบว่าไม่เกิดปฏิกิริยา แต่เมื่อนำ

ตัวอย่างเดียวกันมาตรวจสอบด้วยวิธี RT-PCR สามารถตรวจพบ fragments ที่มีขนาด 320 bp ในตัวอย่างที่ทดสอบ นั้นแสดงให้เห็นว่าวิธี RT-PCR นั้นมีความจำเพาะเจาะจงสูงกว่าวิธีการตรวจสอบทางเซรุ่มวิทยา

Roy *et al.* (2005) ได้ทำการศึกษาพัฒนาวิธีการตรวจสอบเชื้อไวรัสส้ม 7 สายพันธุ์ จากส่วน RNA ของเชื้อไวรัส 6 สายพันธุ์ และจากส่วน DNA ของเชื้อไวรัส 1 สายพันธุ์ ได้แก่ *Citrus leaf rugose virus* (CLRV), *Citrus psorosis virus* (CPsV), *Citrus tatter leaf virus* (CTLV), *Citrus tristeza virus* (CTV), *Citrus variegation virus* (CVV), *Citrus yellow mosaic virus* (CYMV) และ *Indian citrus ringspot virus* (ICRSV) ด้วยวิธี multiplex polymerase chain reaction (mPCR) เปรียบเทียบกับวิธี simplex PCR พบว่า วิธี mPCR สามารถใช้ในการตรวจสอบเชื้อได้เป็นอย่างดี เป็นวิธีการที่รวดเร็ว ลดความเสี่ยงต่อการปนเปื้อน ประหยัดเวลาและลดค่าใช้จ่ายเมื่อเทียบกับวิธีทั่วไปที่ใช้ในการตรวจสอบเชื้อไวรัสในส้ม

Ghosh *et al.* (2008) ตรวจสอบเชื้อไวรัสในส้ม ด้วยวิธี Duplex PCR เมื่อทำการเพิ่มปริมาณเชื้อสาเหตุด้วย specific primers พบว่า สามารถตรวจสอบเชื้อไวรัสได้ถึงสองสายพันธุ์ที่เข้าทำลายร่วมกันในส้มต้นเดียว คือ *Citrus tristeza clostero virus* (CTV) ชนิด RNA ที่มีขนาด 511 bp และ *Citrus mosaic badna virus* (CMBV) ชนิด DNA ที่มีขนาด 245 bp โดยเชื้อทั้งสองส่งผลร่วมกันทำให้เกิดอาการต้นโทรม

เทคนิค Polymerase Chain Reaction (PCR)

Polymerase Chain Reaction (PCR) หรือที่เรียกอีกชื่อหนึ่งว่า *In vitro* enzyme gene amplification เป็นเทคนิคการเพิ่มปริมาณยีน (gene) หรือชิ้นส่วนดีเอ็นเอเฉพาะบริเวณที่ต้องการศึกษาให้มีจำนวนมากขึ้นกว่าเดิมหลายล้านเท่าในหลอดทดลองโดยใช้ระยะเวลาอันสั้น ซึ่งกระบวนการต่างๆ เลียนแบบจากการจำลองตัวของสายดีเอ็นเอในสภาพธรรมชาติ (*In vitro* DNA replication) (อังสนา, 2546)

หลักการของเทคนิค PCR โดยใช้หลักเลียนแบบธรรมชาติของดีเอ็นเอที่ว่า โดยทั่วไปสายดีเอ็นเอสามารถจับคู่กันได้เพราะมีเบสคู่สมกัน (complementary) ดังนั้นการสังเคราะห์สายดีเอ็นเอชิ้นใหม่ในหลอดทดลองจึงใช้หลักการเดียวกัน โดยอาศัยดีเอ็นเอเดิมเป็นต้นแบบ (template) และอาศัยดีเอ็นเอสายสั้นๆ (primer) ที่สามารถจับกับดีเอ็นเอต้นแบบเป็นจุดเริ่มต้น และมีเอนไซม์พวก DNA polymerase ช่วยทำให้สายดีเอ็นเอยาวออกไป โดยเลือกจับนิวคลีโอไทด์ตัวใดตัวหนึ่งใน 4 ชนิด (dNTPs) คือ dATP, dCTP, dTTP และ dGTP เข้ามาต่อให้เป็นเบสคู่สมกับดีเอ็นเอสายต้น

แบบเดิม ดังนั้นก็จะได้ดีเอ็นเอสายใหม่เกิดขึ้น โดย PCR สามารถสังเคราะห์ดีเอ็นเอได้คราวละ 2 สายพร้อมกัน โดยใช้ primer 1 คู่ ปฏิกิริยา PCR มี 3 ขั้นตอนและหมุนเวียนต่อเนื่องกันไป ภายใต้สภาวะที่เหมาะสมของแต่ละขั้นตอน ขั้นแรกเรียกว่า denaturation เป็นการแยกสายดีเอ็นเอที่เป็นต้นแบบจากสภาพที่เป็นเส้นคู่ให้เป็นเส้นเดี่ยวโดยใช้อุณหภูมิ 92-95 องศาเซลเซียส ขั้นที่สองเรียกว่า annealing เป็นขั้นตอนที่ลดอุณหภูมิลงและจัดให้ primer สายสั้นๆ (14-30 mers) ที่มีลำดับเบสเป็นคู่สมกับดีเอ็นเอที่เป็นต้นแบบจับคู่กัน ซึ่งนิยมใช้ช่วงอุณหภูมิ 37-60 องศาเซลเซียส ขั้นที่สามเรียกว่า extension เป็นขั้นตอนการสังเคราะห์ดีเอ็นเอสายใหม่โดยสังเคราะห์ต่อจากส่วนปลาย 5' ของ primer ตามข้อมูลของต้นแบบ ดีเอ็นเอที่เป็นต้นแบบแต่ละสาย โดยอาศัยการทำงานของเอนไซม์ DNA polymerase ที่อุณหภูมิ 72-75 องศาเซลเซียส เอนไซม์ DNA polymerase ที่ใช้จะต้องมีคุณสมบัติอยู่ได้ภายใต้สภาวะของปฏิกิริยาตลอดสามขั้นตอน จากขั้นตอนที่ 1-3 รวมกันเป็นหนึ่งรอบ (one cycle) ซึ่งจะให้ผลผลิตเป็นดีเอ็นเอสายคู่จำนวนที่มีลำดับเบสเป็นคู่สมกับดีเอ็นเอที่เป็นต้นแบบ เมื่อจัดให้เกิดปฏิกิริยาซ้ำจากขั้นที่หนึ่งถึงขั้นที่สามหมุนเวียนไปอีกหลายๆ รอบ จะเพิ่มปริมาณ (amplify) ดีเอ็นเอได้มากมาย (พิสววรรณ, 2540)

ในการทำ PCR ต้องใช้สารเคมีต่างๆ ดังนี้ บัฟเฟอร์สำหรับทำปฏิกิริยาคือออกซินิวคลีโอไทด์ ไตรฟอสเฟต (Deoxynucleotide triphosphate: dNTPs) ประกอบด้วย dATP dCTP dTTP และ dGTP ส่วน primer ที่นิยมใช้คือ โอลิโกนิวคลีโอไทด์ขนาด 20-24 นิวคลีโอไทด์ ดีเอ็นเอเป้าหมายใช้ได้ทั้งดีเอ็นเอที่มีคุณภาพดีและที่มีคุณภาพไม่ดีนัก แต่ถ้าใช้คุณภาพดีจะได้ผลผลิตมากกว่า แมกนีเซียมคลอไรด์ (MgCl₂) เป็นส่วนสำคัญในการเร่งปฏิกิริยาและมีรายงานว่าความเข้มข้นของแมกนีเซียมมีผลต่อปฏิกิริยาและเอนไซม์ เลือกใช้เอนไซม์ที่ทนความร้อนได้ (Thermostable DNA polymerase) ชนิดที่ใช้กันมาก คือ *Taq* polymerase (สุรินทร์, 2545)

การแยกขนาดของดีเอ็นเอโดยวิธีอิเล็กโทรโฟรีซิส (electrophoresis) เป็นเทคนิคที่ใช้แยกโมเลกุลของสารที่มีประจุออกจากกันโดยใช้กระแสไฟฟ้า โดยให้สารที่มีประจุนั้นเคลื่อนที่ผ่านตัวกลางชนิดหนึ่งในสารละลาย สารที่มีประจุต่างกันจะเคลื่อนที่ไปในทิศทางตรงข้าม นอกจากตัวกลางชนิดหนึ่งในสารละลาย สารที่มีประจุต่างกันจะเคลื่อนที่ไปในทิศทางตรงข้าม นอกจากประจุแล้วอัตราการเคลื่อนที่ขึ้นกับขนาด รูปร่างโมเลกุล แรงเคลื่อนไฟฟ้า และตัวกลางที่ใช้ด้วย (สุรินทร์, 2545)

อะกาโรสเจล (agarose gel) เป็นโพลิเมอร์ของ D-glucose สลับกับ 3,6 anhydrogalactose แยกได้จากวุ้น (agar) เนื่องจากอะกาโรสจับตัวกับสารละลายต่างๆ ได้น้อยมาก จึงนิยมใช้เป็นตัวกลางในการทำอิเล็กโทรโฟรีซิส การแยกโมเลกุลของดีเอ็นเอ โดยทั่วไปจะใช้อิเล็กโทรโฟรีซิส

เป็นส่วนใหญ่เพราะมีช่วงที่ใช้ได้มากกว่า การเตรียมทำได้ง่ายและไม่มีอันตรายเมื่อเทียบกับ
โพลีอะคริลาไมด์ การทำ อิเล็กโทรโฟรีซิสมักทำในแนวราบ (horizontal gel) (สุรินทร์, 2545)



ลิขสิทธิ์มหาวิทยาลัยเชียงใหม่
Copyright© by Chiang Mai University
All rights reserved