

บทที่ 2

ตรวจเอกสาร

ส้มและความสำคัญ

ส้มจัดอยู่ในตระกูล Rutaceae มีสมาชิกจำนวน 130 สกุล รวม 1,500 ชนิด ซึ่งพืชตระกูลนี้สามารถแบ่งออกได้เป็น 7 ตระกูลย่อย โดยมีตระกูลย่อยที่สำคัญที่สุด ได้แก่ ตระกูลย่อยส้ม (Orange Subfamily: Aurantioideae) มีสมาชิกที่เป็นไม้ผลเศรษฐกิจมากมาย เช่น ส้มต่าง ๆ (*Citrus spp.*) รวมทั้งไม้ผลที่มีคุณค่าในการเป็นต้นตอของไม้ผลเศรษฐกิจ เช่น มะนาว มะขาม ค้มควอท และส้มสามใบ (จตุพรและคณะ, 2541) เป็นต้น โดยสมาชิกของพืชในกลุ่มนี้ที่สำคัญและจัดว่ามีคุณค่าทางเศรษฐกิจมากชนิดหนึ่งในประเทศไทย คือ ส้มเขียวหวาน ซึ่งในประเทศไทยนั้นพบว่ามีการนำส้มเขียวหวานเข้ามาปลูกเป็นเวลากว่า 100 ปีมาแล้วโดยชาวจีโนพยพ แต่เริ่มปลูกเป็นการค้าเมื่อประมาณ 70 กว่าปีที่ผ่านมาโดยเริ่มที่บางมด จังหวัดกันในนาม “ส้มบางมด” ซึ่งต่อมาได้แพร่กระจายไปทั่วประเทศ และเนื่องจากสภาพแวดล้อมที่เปลี่ยนไปมากพื้นที่ปลูกจึงได้เปลี่ยนไปโดยไปอยู่ในจังหวัดปทุมธานี สารบุรี และนครนายก ซึ่งถือเป็นแหล่งปลูกใหญ่ที่สุด เนื่องจากมีน้ำชลประทานที่สมบูรณ์ นอกจากนี้ยังมีรายงานว่ามีการปลูกส้มเขียวหวานในจังหวัดอื่น ๆ ของประเทศไทย ทั้งนี้เป็นเพราะปัญหาการสะสมของโรคและแมลงในแหล่งปลูกเดิม ได้แก่ ลพบุรี ปราจีนบุรี เชียงใหม่ เชียงราย หรือแม้แต่จังหวัดในภาคตะวันออกเฉียงเหนือ ก็มีรายงานการขยายพื้นที่ปลูกเข่นกัน (พานิชย์, 2542)

โรคแอนแทรคโนส (Anthracnose) (นิพนธ์, 2542; เปรมปทรี, 2544)

โรคแอนแทรคโนส มีสาเหตุเกิดจากเชื้อราก *Colletotrichum gloeosporioides* Penz. สามารถทำลายส้มได้ทั้งบนใบและผล โดยเชื้อรากสาเหตุโรคเข้าทำลายใบส้มที่กำลังเจริญเติบโตเต็มที่และปรากฏอาการชัดเจนบนใบแก่เป็นแพลใหม่ แพลงมีรูปร่างค่อนข้างกลม กลางแพลงมีสีน้ำตาลอ่อนจนถึงสีน้ำตาลใหม่ แพลงมักแห้งและมีจุดสีดำเล็ก ๆ จำนวนมากกระจายอยู่ทั่วไป ขอบแพลงไม่เรียบมนุน และเป็นมันตรงกลางแพลงเล็กน้อย มองดูคล้ายกับกลางแพลงมีลักษณะนุ่มลงไป ส่วนอาการบนผล ลักษณะอาการเหมือนกับที่พบรอบใบ แต่บนดงของแพลงสามารถขยายได้กว้างใหญ่กว่า และส่วนมากมักพบแพลงเป็นแนวๆ จากบริเวณข้อแพลงไป เชื้อรากสาเหตุของโรคแอนแทรคโนสเป็นเชื้อรากที่สามารถสร้างสปอร์ขนาดเล็กจำนวนมากในโครงสร้างสำหรับผลิตสปอร์ ซึ่งเป็นจุดสีดำ

ขนาดเล็กบนแพลง เมื่อสปอร์แก่จุดสีดำเล็ก ๆ นี้จะแตก และสปอร์สามารถปลิวแพร่ระบาดไปกับลม น้ำ หรือน้ำฝน ดังนั้นจึงพบโรคนี้เกิดระบาดมากในฤดูฝน ซึ่งมีความชื้นสูง และอุณหภูมิค่อนข้างสูง

โรครากรเน่าและโコンเน่า (Root Rot and Phytophthora Foot Rot) (นิพนธ์, 2542; เปรมปรี, 2544)

โรครากรเน่าและโコンเน่าที่พบว่ารุนแรงและมีการระบาดมากคือ โรครากรเน่าและโコンเน่าซึ่งเกิดจากเชื้อรา *Phytophthora* spp. เชื้อราสาเหตุของโรคสามารถเข้าทำลายสัมไถทางรากรอย ราก แหนง และที่ส่วนโคนต้น ตามบริเวณกึ่งใหญ่ ๆ ใกล้โคนต้น อาการที่ปรากฏบนส่วนลำต้น หรือส่วนบน เผ่าใบ อาจจะสังเกตอาการได้ยากมาก หากต้นสัมฤทธิ์ทำลายที่ส่วนรากฟอยเพียงเล็กน้อย ส่วนบนต้นสัมภาระไม่แสดงอาการผิดปกติใด ๆ เลย เว้นแต่ว่าสัมภาระจะเริญไม่เต็มที่ ไม่ค่อยแตกใบ และบางครั้งอาจพบอาการใบอ่อนเหี่ยวกล้ายาดนำเสนอ ในกรณีที่รากสัมฤทธิ์ทำลายมาก ๆ บางกิ่งอาจแสดงอาการใบเหลือง ตรงบริเวณเส้นกลางใบเหี่ยวกล้ายาดนำเสนอ หรือที่ชาวสวนเรียกว่า อาการใบกลับ ใบร่วง กิ่งแห้งตายจากปลาย ผลสัมภาระเป็นสีเหลืองและอ่อนร่วง เมื่อบุดดูรากรพบรากเน่า เป็นสีน้ำตาลแดง หรือส้ม เหนียวไม่ยุ่ย สำหรับสัมภาระใหญ่ (อายุ 5-6 ปีขึ้นไป) บางครั้งอาจพบอาการเปลือกปริแตกตามบริเวณโコンต้น ส่วนเปลือกมีสีคล้ำดำค่อนข้างฟ้าบาน้ำ และการใบบด บริเวณรอยแพลงนั้น เมื่อถูกสัมภาระแล้วจะพบว่าเปลือกเน่าและยุ่ย มีแพลงสีน้ำตาล หรือน้ำตาลแดงตรงบริเวณโコンต้น หากส่วนที่เป็นโรคโคนเน่านี้ติดไปกับหยดน้ำ หรือสูกลมฟันพัดไปปั้งใบ ดอก และผลที่อยู่บนกิ่งล่าง ๆ ใกล้รากดิน หรือใกล้กับบริเวณแพลงโコンเน่า เชื้อราจะทำลายใบอ่อน หรือใบเพลลาด ทำให้เกิดอาการเน่า หรือใหม่เป็นวงกลมสีน้ำตาลดำตรงบริเวณกลางใบขอบใบ หรือปลายใบ ทำให้ใบหลุดร่วงได้ หากเกิดบนยอดอ่อน ยอดอ่อนนั้นจะเน่าแห้งเป็นสีดำ ถ้าสัมภาระมีดอก เชื้อราอาจเข้าทำลายดอกทำให้ดอกเน่าแห้ง และหากเชื้อราเข้าทำลายผลที่โตแล้ว โดยเฉพาะผลแก่ในระยะเข้าสี ผลจะเน่าเป็นสีน้ำตาล เริ่มจากแพลงขนาดเล็กแล้วลุกลามเป็นแพลงเน่าวงกลม หรือเน่าทั้งผล อาจมีเส้นใย และสปอร์สีขาวของเชื้อราเริญอยู่บนแพลงดังกล่าว ผลที่เกิดแพลงเน่าจะร่วงเป็นจำนวนมาก เวิร์กอาการที่เกิดกับใบ ดอก และผลนี้ว่า โรคใบใหม่ ดอกเน่า และผลเน่า (brown rot) พบรอดดังกล่าวนี้ในสัมภาระหัว มะกรูด และมะนาวพันธุ์ตากชิติ

โรครากรเน่าและโコンเน่าเกิดเนื่องจากการทำลายของเชื้อรา *Phytophthora parasitica* Dastur เชื้อนี้เข้าทำลายพืชได้โดยเข้าทำลายราก หรือโคนต้นโดยตรง หรือทางบาดแพลงที่เกิดขึ้นเนื่องจาก การบุดดิน vrouนดิน หรือบาดแพลงซึ่งเกิดจากแมลง เชื้อราที่เป็นสาเหตุของโรคอาศัยอยู่ในดินและน้ำ แพร่กระจายโดยติดไปกับดิน หรือส่วนของสัมภาระที่เป็นโรค และสปอร์ซึ่งเป็นหน่วยขยายพันธุ์ของเชื้อราสามารถแพร่กระจายไปกับน้ำที่ไหลผ่านราก หรือโคนต้นที่เป็นโรค ทำให้เกิดการแพร่ระบาดมากในสัมภาระแบบยกกรอง การระบาดของโรครากรเน่าโコンเน่าจะระบาดมากในฤดูฝนประมาณ

เดือนพฤษภาคมถึงพฤษจิกายน ซึ่งมีปริมาณความชื้นสูง ประกอบกับสภาพดินแน่น และมีน้ำขังทำให้ไม่สะดวกต่อการถ่ายเทอากาศ และระบายน้ำ ตลอดจนการให้น้ำ เช่น การใช้สายยาง การยกร่อง การใช้สปริงเกลอร์ หรือการใช้ระบบน้ำหยด ทุกวิธีการสามารถทำให้เกิดโรครากรเน่าโคนเน่าได้ อาการของโรคจะรุนแรงขึ้นหากสภาพดินสัมอ่อนแออต่อการเกิดโรค เช่น สัมคิดลูกมากเกินไป รากหรือโคนต้นเกิดบาดแผล หรือต้นสัมชาดการดูแลรักษา ส่วนการให้น้ำปุ๋ยเคมี เช่น การให้น้ำปุ๋ยในไตรเจนในอัตราสูงมาก โดยใส่ปุ๋ยเม็ดทางดิน หรือน้ำพ่นปุ๋ยน้ำ ปุ๋ยกัดทางใบทำให้เกิดโรครากร และเน่าโคนเน่ามาก เช่นกัน นอกจากนี้เชื้อราก *Phytophthora* spp. สาเหตุโรครากรเน่าและโคนเน่าจะระบาดได้รุนแรงยิ่งขึ้นในสวนสัมทิ่งพุ่มมีความสูงมาก และค่อนข้างทึบ (อ้าไฟวรอน, 2527)

การควบคุมโรคด้วยชีววิธี

ความหมายของการควบคุมโรคด้วยชีววิธี (กองโรคพืชและจุลชีววิทยา, 2536)

การควบคุมโรคพืชด้วยชีววิธี หมายถึง การควบคุมโรคโดยใช้จุลินทรีย์ หรือสิ่งที่มีชีวิตชนิดอื่นภายในสภาพธรรมชาติ หรือในสภาพที่สร้างขึ้น ซึ่งภายในสภาพแวดล้อมดังกล่าว มีความอยู่รอด หรือกิจกรรมของเชื้อโรคถูกจำกัด หรือลดลงโดยพากจุลินทรีย์เหล่านั้น เป็นผลให้เกิดโรคหรือความรุนแรงลดลง หรือมีความหมายอีกอย่างว่าการควบคุมโรคพืชโดยการใช้ศัตรูธรรมชาติ เช่น ตัวห้ำ ตัวเบียน และจุลินทรีย์ เพื่อครองดับประชากรของเชื้อสาเหตุโรคพืชให้อยู่ในระดับที่พืชทนทานได้ เป็นการลดการเกิดโรค หรือลดความเสียหายของพืชที่เกิดจากเชื้อโรค ซึ่งอาจรวมไปถึงจุลินทรีย์ปฎิปักษ์ พันธุกรรม หรือผลผลิตที่เกิดจากพันธุกรรมด้วย ยกเว้นการกระทำโดยตรงของมนุษย์ต่อเชื้อโรคเท่านั้น การควบคุมโรคพืชด้วยวิธีนี้เป็นวิธีการค่อนข้างใหม่สำหรับประเทศไทย แต่ในปัจจุบันเกยตรกรจำนวนมาก และนักวิชาการเกยตรสมัยใหม่เริ่มเห็นความสำคัญ และนิยมใช้แผนสารเคมีกันมากขึ้น มีการนำมาใช้เพื่อเพิ่มผลผลิต และแก้ปัญหาผลพิษจากการเคมีที่ใช้ในการกำจัดโรคพืช ซึ่งใช้กันอย่างแพร่หลาย เพื่อทำให้เกิดความสมดุลทางธรรมชาติ

กลไกในการเป็นปฎิปักษ์ของเชื้อ (เกยม, 2532ก)

เชื้อปฎิปักษ์ไม่ว่าจะเกิดเองในธรรมชาติหรือที่นักวิชาการนำมาเลี้ยง และขยายเพิ่มจำนวน เพื่อผลิตเป็นการค้า ซึ่งมีวิธีการเข้าทำลายเชื้อสาเหตุโรคพืชได้หลายรูปแบบ แต่ละรูปแบบก็มีผลแตกต่างกันออกไปดังนี้

1. การเป็นปรสิต (parasite) โดยตรง หมายถึงการที่เชื้อปฎิปักษ์เข้าทำลายส่วนต่าง ๆ ภายในของเชื้อสาเหตุโรคพืชได้โดยตรง

2. การเป็นตัวห้ำ (predator) เป็นวิธีการที่คัดลักษณะกับการเป็นปรสิต แต่กต่างกันที่วิธีการกินหรือการทำลาย กล่าวคือตัวห้ำเป็นการกินทั้งตัว เช่น ไสเดือนฟอย *Ditylenchus myceliophagus* กินเชื้อร่า หรือเส้นใยของดอกเห็ด หรือไสเดือนฟอย *Mononchus* spp. และ *Mylonchulus* spp. กินไสเดือนฟอยด้วยกันเองเป็นอาหาร เป็นต้น

3. การแข่งขันกันของ คือ การที่จุลินทรีย์ชนิดหนึ่งเข้าไปยึดพื้นที่ หรือเจริญเติบโตก่อนที่เชื้อสาเหตุโรคพืชจะสามารถเข้าทำลายพืชได้ เช่น การพ่นสปอร์ของเชื้อร่า *Phlebia gigantea* ลงบนตอของต้นสนที่ตัดใหม่ สามารถลดการทำลายของเชื้อร่า *Heterobasidium annosum* ที่เป็นสาเหตุของโรครากรเน่าลงได้มาก เนื่องจากเชื้อร่า *P. gigantea* สามารถเข้าไปยึดครองผิวน้ำของตอไม้สนและป้องกันมิให้เชื้อร่า *H. annosum* เข้าทำลายและลุกถามต่อไปยังระบบ rak จนทำให้เกิดรากรเน่าได้

4. การสร้างสารปฎิชีวนะ จุลินทรีย์หลายชนิดสามารถสร้างสารปฎิชีวนะเพื่อยับยั้งการเจริญเติบโตของจุลินทรีย์ชนิดอื่นได้ โดยเฉพาะอย่างยิ่งเชื้อร่าในดินหลายชนิด และเชื้อแบคทีโรมัยซีส

5. การสร้างภูมิคุ้มกันทางเดินหายใจ หมายถึง การใช้สายพันธุ์ของเชื้อโรคที่อ่อนแอด หรือจุลินทรีย์คุณภาพดี กลุ่มกันและไม่เกี่ยวข้องกันเลย พ่นไปยังต้นพืชเพื่อบังกันการทำลายของเชื้อสายพันธุ์ที่รุนแรงกว่า

วิธีการใช้เชื้อจุลินทรีย์ปฎิปักษ์ (เยาวพา, ไมระบุปทีพิมพ์)

การนำเชื้อแบคทีเรียปฎิปักษ์ไปใช้ในการควบคุมโรคพืช นิยมนำไปใช้กับโรคพืชที่เกิดบริเวณผิวราช (rhizoplane) หรือบริเวณผิวพืชที่อยู่เหนือดิน (phyloplane) ซึ่งการใช้เชื้อปฎิปักษ์ควบคุมโรคจะมีกรรมวิธีการใช้แตกต่างกัน

1. บริเวณผิวราช จะมีกรรมวิธีการใช้เชื้อปฎิปักษ์เพื่อควบคุมโรค ได้หลายแบบแตกต่างกัน ขึ้นอยู่กับความหลากหลายในการปฏิบัติของผู้ใช้ และแต่ละวิธีอาจให้ประสิทธิภาพการควบคุมโรคได้ไม่เท่ากัน ซึ่งขึ้นอยู่กับปัจจัยหลายอย่าง เช่น คุณสมบัติของพืชเอง และลักษณะของผลิตภัณฑ์ที่มีหลายรูปแบบ

1.1 การคลุกเมล็ด นิยมใช้กับพืชที่ใช้เมล็ดในการเพาะปลูก โดยเมล็ดจะต้องมีขนาดไม่ใหญ่มากนัก ช่วยให้คลุกง่ายและไม่ลึ้นเปลือกของเชื้อจุลินทรีย์ มักนิยมคลุกเมล็ดก่อนปลูก

1.2 การราดดิน เป็นวิธีที่นิยมปฏิบัติกันมาก แต่จะไม่ค่อยสะดวกหากจะนำไปใช้ในสภาพไร่ของเกษตรที่น้ำไม่เพียงพอ และถ้าปลูกพืชเป็นปริมาณมากก็จะยิ่งไม่สะดวกในการปฏิบัติ

1.3 การคลุกดิน เป็นวิธีการนำเอาผงเชื้อ หรือสารละลายเชื้อปฎิปักษ์ใส่ไปในดิน และคลุกเคล้าผสมกันให้ทั่ว ก่อนปลูกพืช ซึ่งวิธินี้เป็นวิธีที่ค่อนข้างสะดวก

1.4 การจุ่นราก เป็นวิธีที่นิยมใช้กันกับพืชที่ต้องเพาะเมล็ดแล้วบ่ายกล้าไปปลูก เช่น พริกมะเขือเทศ หรือพืชที่มีเมล็ดพันธุ์ราคานา闷 โดยจะต้องทำให้ดินบริเวณรากหลุดออกให้หมด ก่อนนำไปจุ่นในสารละลายเชื้อที่เข้มข้น 10^8 cfu/ml และว่างานนำไปปลูกในแปลงต่อไป วิธีนี้จะทำให้เชื้อปฏิปักษ์ควบคุมโรคได้ดี เพราะรากจะสัมผัสกับเชื้อได้หมดทุกส่วน ไม่ก่อให้เกิดช่องว่างให้เชื้อโรคเข้าทำลาย

2. บริเวณผิวพืชอยู่เหนือดิน มีวิธีใช้ที่นิยม 2 วิธีคือ

2.1 การทา เป็นวิธีที่นิยมใช้กับพืชชนิดต้นที่ถูกทำลาย มีผลปรากถูกให้เห็นชัดเจนบนส่วนของต้น หรือกิ่ง บริเวณที่สามารถนำเอาเชื้อปฏิปักษ์ที่เตรียมให้มีความเข้มข้น และหนียวไปทาเพื่อให้ยึดติดกับผิวพืชได้คงทน

2.2 การพ่น เป็นวิธีที่นิยมใช้กับพืชที่ปลูกเป็นปริมาณมาก หรือมีลำต้นสูง ซึ่งใช้หลักการปฎิบัติเช่นเดียวกับการพ่นสารเคมีกำจัดโรคพืช

การใช้เชื้อรา *Chaetomium spp.* ควบคุมโรคราไนโคนเน่าในประเทศไทย

เกynom (2532บ) รายงานผลการทดสอบศักยภาพของเชื้อรา *C. cupreum* ในการควบคุมโรคติดต่อทางเมล็ดข้าวได้แก่ *Pyricularia oryzae*, *Curvularia lunata*, *Drechslera oryzae*, *Fusarium moniliforme*, *Rhizoctonia oryzae* และ *R. solani* พบว่าเมื่อทดสอบในอาหารเลี้ยงเชื้อด้วยวิธี dual culture และการใช้เชื้อรา *C. cupreum* ควบคุมเชื้อรา *P. oryzae* พบว่าเชื้อรา *C. cupreum* มีประสิทธิภาพในการป้องกันการเข้าทำลายของเชื้อราสาเหตุโรคไนน์ในระดับต้นกล้า โดยการใช้สปอร์ของเชื้อรา *C. cupreum* และสารสกัดจากเชื้อรา *C. cupreum* คลุกเมล็ดข้าว สามารถช่วยลดการเกิดโรคใบไนน์ได้ใกล้เคียงกับการใช้สารป้องกันกำจัดเชื้อรา captan เมื่อเปรียบเทียบกับชุดควบคุม

เกynom (2532ค) การทดสอบประสิทธิภาพของเชื้อรา *C. cupreum* ในการควบคุมโรคโคนเน่าของข้าวโพดหวาน ที่เกิดจากเชื้อสาเหตุ *Sclerotium rolfsii* พบว่า การใช้สารที่สกัดจากเชื้อรา *C. cupreum* สปอร์ของเชื้อรา *C. cupreum* ที่ตายแล้ว และสปอร์ของเชื้อรา *C. cupreum* ที่มีชีวิต ปริมาณ 100,000 สปอร์ต่อมิลลิลิตร ฉีดพ่นทุกๆ 15 วัน ซึ่งจะมีระดับการเกิดโรคโคนเน่าใกล้เคียงกัน คือ 3.77, 3.61 และ 3.81 ส่วนการใช้สารเคมี PCNB มีระดับการเกิดโรคเฉลี่ย 3.11 เมื่อเปรียบเทียบกับน้ำยาลันท์ที่ฆ่าเชื้อซึ่งมีระดับเกิดโรค 4.05

เกynom (2533) จากการทดสอบศักยภาพของเชื้อรา *C. cochlioides* และ *C. cuniculosum* การควบคุมโรคไนน์ของข้าว ที่เกิดจากเชื้อรา *Pyricularia oryzae* พบว่าการคลุกเมล็ดด้วยสปอร์ ก่อนปลูกเชื้อรา *C. cochlioides* สารสกัดจากเชื้อรา *C. cochlioides* และ captan มีเปอร์เซ็นต์การเกิด

โรคของต้นกล้าในระดับต่ำคือ 15.0, 22.5 และ 15.0 เปอร์เซ็นต์ตามลำดับ ในขณะที่ชุดควบคุมมีเปอร์เซ็นต์การเกิดโรคต้นกล้าสูงสุด เท่ากับ 37.5 เปอร์เซ็นต์

เกณม (2534ก) ทำการทดสอบประสิทธิภาพของเชื้อรา *C. cupreum* ในการควบคุมโรคเห็ดของมะเขือเทศที่เกิดจากเชื้อรา *Pseudomonas solanacearum* ในห้องปฏิบัติการ และสภาพไร่พบว่าจากการเลี้ยงเชื้อร่วมกับนบนานอาหาร PDA โดยนำเชื้อแบคทีเรียมมาทำ dilution plate ที่ความเข้มข้น $10, 10^{-1}, 10^{-2}, 10^{-3}, 10^{-4}, 10^{-5}$ หรือ 10^{-6} เชื้อรา *C. cupreum* สามารถยับยั้งเชื้อราสาเหตุได้ทุกระดับความเข้มข้น โดยที่ระดับความเข้มข้น 10^{-3} และ 10^{-5} มีค่าเฉลี่ยในการยับยั้งสูงสุดคือ 8.1 และ 8.2 มิลลิลิตร โดยการทดลองในชุดควบคุมเท่ากับ 2.8 มิลลิลิตร สำหรับในสภาพไร่การใช้สปอร์ร์แ xenophylophaga เชื้อรา *C. cupreum* สารสกัดจากเชื้อรา *C. cupreum* และน้ำกลั่นม่าเชื้อ control นิดทุก 20 วัน พบว่าการใช้สปอร์ร์แ xenophylophaga และสารสกัดจากเชื้อรา *C. cupreum* ลดการเกิดโรคสูงสุด 14 เปอร์เซ็นต์ และการใช้สปอร์ร์แ xenophylophaga มีความสูงของต้นเฉลี่ยสูงสุด 64.65 เซนติเมตร ในขณะที่ชุดควบคุมมีความสูงของต้นเฉลี่ยเท่ากับ 46.55 เซนติเมตร

เกณม (2534ก) รายงานว่าจากการทดลองประสิทธิภาพของเชื้อรา *C. gracile* ในการยับยั้งเชื้อราสาเหตุโรคเห็ดของมะเขือเทศ *F. oxysporum* f. sp. *lycopersici* โดยใช้วิธี bi-culture test พบว่าเชื้อรา *C. gracile* สามารถยับยั้งเชื้อราได้ 52 เปอร์เซ็นต์ และเมื่อศึกษาภายใต้กล้องจุลทรรศน์ ลักษณะ conidia ของเชื้อรา *F. oxysporum* f. sp. *lycopersici* ถูกทำลายโดยมีการขับตัวกันของ protoplast ภายในเซลล์เป็นก้อน และมีการหล่อออกนอกเซลล์ในบางส่วน สำหรับในสภาพเรือนทดลอง หลังจากนิดพ่นสปอร์ร์สดของเชื้อรา *C. gracile* ลงดินบริเวณรอบโคนต้นมะเขือเทศ พบว่าสามารถลดอาการโรคเห็ดของมะเขือเทศได้ เมื่อเปรียบเทียบกับการใช้สารเคมี benzimidazole และให้ผลผลิตต่อต้นสูงกว่า เมื่อเปรียบเทียบกับชุดควบคุม

เกณม (2534ก) ได้ทำการทดสอบความสามารถของเชื้อรา *Chaetomium globosum* ในการควบคุมเชื้อรา *Curvularia lunata* สาเหตุโรคใบจุดข้าวโพดหวาน โดยวิธีการทดสอบการเลี้ยงเชื้อร่วม (bi-culture test) พบว่า เชื้อรา *C. globosum* สามารถยับยั้งการเจริญของเชื้อราสาเหตุได้ 74 เปอร์เซ็นต์ และมีบริเวณการยับยั้งเท่ากับ 0.4 เซนติเมตร และในสภาพโรงเรือนทดสอบ พบว่าเชื้อรา *C. globosum* สามารถควบคุมโรคใบจุดข้าวโพด โดยมีเปอร์เซ็นต์การเกิดโรค เท่ากับ 26-27 เปอร์เซ็นต์ โดยมีผลใกล้เคียงกับการใช้สารเคมี และพบว่าเชื้อรา *C. globosum* มีแนวโน้มที่ส่งเสริมการเจริญเติบโตของข้าวโพด เมื่อเปรียบเทียบกับชุดควบคุม

เกณม (2535) ทดลองการใช้ชีวภัณฑ์จาก *C. cupreum* ในการควบคุมโรคเห็ดที่เกิดกับมะเขือเทศพันธุ์สีดา สาเหตุจากเชื้อรา *F. oxysporum* f. sp. *lycopersici* ในสภาพไร่ พบว่ามะเขือเทศ มีการเกิดโรคต่ำเพียง 7 เปอร์เซ็นต์ ในขณะที่แปลงที่ไม่ได้ใช้ชีวภัณฑ์มีการเกิดโรคถึง 28

เปอร์เซ็นต์ และแบ่งทดลองที่ใช้ชีวภัณฑ์ให้ผลผลิตสูงกว่าแบ่งทดลองที่ไม่ใช้ชีวภัณฑ์ อย่างมีนัยสำคัญยิ่งทางสถิติ

เกณมและชลธรา (2536) รายงานผลการเลี้ยงเชื้อรา *C. cupreum* ร่วมกับเชื้อรา *Pythium ultimum* Trow. บนอาหาร PDA พบร้าเชื้อรา *C. cupreum* สามารถยับยั้งการเจริญของเชื้อรา *P. ultimum* ที่ 49.42 เปอร์เซ็นต์ในสภาพห้องปฏิบัติการ ในสภาพเรือนทดลองพบว่าการใช้สารสกัดจากเชื้อรา *C. cupreum* และสารชีวภัณฑ์จากเชื้อรา *C. cupreum* มีเปอร์เซ็นต์การยับยั้งการเจริญของเชื้อรา *P. ultimum* เท่ากับ 50.0 และ 50.7 เปอร์เซ็นต์

เกณม (2536) ได้ทำการศึกษาและทดลองเพื่อพัฒนาเชื้อรา *Chaetomium* สำหรับเป็นชีวภัณฑ์ พบร้าเชื้อ *Chaetomium* สามารถแสดงศักยภาพในการเป็นจุลินทรีย์ต่อต้านเชื้อรา *F. oxysporum* f. sp. *lycopersici* โดยจะทำลายความสามารถในการก่อให้เกิดโรคของ conidia ในเชื้อสาเหตุโรค ทำให้เซลล์ของ conidia แตก ซึ่งส่งผลให้ protoplast หลุดออกจากเซลล์เชื้อรา และส่งผลให้เชือก่อโรคมีความรุนแรงลดลง

เกณม (2539) ผลการทดสอบเชื้อรา *C. cupreum* ในการควบคุมโรคโคนเน่าของมะเขือเทศที่เกิดจากเชื้อรา *Sclerotium rolfsii* ในสภาพห้องปฏิบัติการ และสภาพไร่ โดยการใช้สปอร์ของเชื้อรา *C. cupreum* 5×10^{-5} สปอร์ต่อมิลลิลิตร สารสกัดจากเชื้อรา *C. cupreum* และสปอร์ของเชื้อรา *C. cupreum* ที่ทำให้ตายด้วยความร้อน เปรียบเทียบกับการใช้สารเคมี PCNB และน้ำกลั่นมาเชื้อในสภาพห้องปฏิบัติการ พบร้าเชื้อรา *C. cupreum* สามารถยับยั้งการสร้างเม็ด sclerotium ได้ 81.15 เปอร์เซ็นต์ ในสภาพไร่การใช้สารสกัดจากเชื้อรา *C. cupreum* และสปอร์ของเชื้อรา *C. cupreum* ที่ตายระดับโคนต้น มีเปอร์เซ็นต์การเกิดโรคประมาณ 12-14 เปอร์เซ็นต์ ในขณะที่ชุดควบคุมมีเปอร์เซ็นต์การเกิดโรค 44 เปอร์เซ็นต์

สนชัย (2540) พบร้าการใช้เชื้อรา *Chaetomium* ในอัตรา 5 กรัมต่อตัน สามารถลดการเกิดโรครากรเน่าโคนเน่าของทุเรียนได้ 85 เปอร์เซ็นต์ ในขณะที่การใช้สารเคมี metalaxyl ในอัตรา 20 กรัมต่อตัน สามารถลดการเกิดโรครากรเน่าโคนเน่าของทุเรียนได้ 70 เปอร์เซ็นต์ และในสภาพไร่ พบร้าการใช้ชีวภัณฑ์ *Chaetomium* อัตรา 40 กรัมต่อตัน ในปีแรกลดการเกิดโรคได้ 76.27 เปอร์เซ็นต์ และในปีที่สอง 81.04 เปอร์เซ็นต์ เมื่อเปรียบเทียบกับการใช้สารเคมีกำจัดเชื้อรา metalaxyl ในอัตรา 40 กรัมต่อตัน สามารถลดการเกิดโรคในปีแรกได้ 70.95 เปอร์เซ็นต์ และในปีที่สองได้ 70.52 เปอร์เซ็นต์ตามลำดับ

สุเมตร (2540) ทำการทดสอบประสิทธิภาพชีวภัณฑ์ *Chaetomium* 在การควบคุมโรคแอนแทรคโนสของมะม่วงที่เกิดจากเชื้อรา *Colletotrichum gloeosporioides* IFFI ในสภาพแบ่งทดลอง พบร้าการใช้ชีวภัณฑ์ *Chaetomium* ในอัตรา 20 กรัมต่อตัน ร่วมกับปุ๋ยอินทรีย์ กฟม.

5 กิโลกรัมต่อตัน สามารถลดการเกิดโรคแอนแทรคโนสได้ 55.93 เปอร์เซ็นต์ โดยที่การใช้สารเคมีป้องกันกำจัดเชื้อราลดการเกิดโรคได้ 50.16 เปอร์เซ็นต์ และลดปริมาณเชื้อสาเหตุได้ 23.83 เปอร์เซ็นต์ ในขณะที่การทดลองเปรียบเทียบมีปริมาณเชื้อก่อโรคเพิ่มขึ้น

พรพรรณ (2544) รายงานว่าการใช้ชีวภัณฑ์ *Chaetomium* ในอัตรา 5 กรัมต่อตัน ร่วมกับการใช้ปุ๋ยอินทรีย์ในอัตรา 10 กิโลกรัมต่อตัน หรือการใช้ชีวภัณฑ์ *Chaetomium* ในอัตรา 2.5 กรัมต่อตัน ร่วมกับการใช้เชื้อรา *Trichoderma* ในอัตรา 10 กรัมต่อตัน และปุ๋ยอินทรีย์ 10 กิโลกรัมต่อตัน พบร่วมกับความสามารถลดระดับการเกิดโรคมาก่อนและโคนเน่าได้ของส้มได้

วิเชียร (2544) พบร่วมกับการใช้ชีวภัณฑ์ *Chaetomium* ในอัตรา 10 กรัมต่อตัน สามารถลดปริมาณของเชื้อรา *Phytophthora parasitica* ในдинได้ และส่งผลให้ระดับอาการ โรคราคาน่าและโคนเน่าของส้มลดลงด้วย ในขณะที่การใช้สารเคมี metalaxyl ในอัตรา 10 กรัมต่อตัน ไม่สามารถลดการเกิดโรคได้

Soytong and Soytong (1996) รายงานว่าเชื้อรา *C. globosum* และ *C. cupreum* สามารถควบคุมเชื้อราสาเหตุโรคพืช เช่น *P. palmivora*, *P. parasitica* และ *C. gloeosporoides*. โดยมีความแตกต่างกันทางสกุติเมื่อเปรียบเทียบกับชุดควบคุม

Sodsart and Soytong (1999) รายงานการควบคุมโรคราคาน่าโคนเน่าของพริกไทย ซึ่งเกิดจากเชื้อรา *P. palmivora* โดยชีวภัณฑ์ของเชื้อรา *Trichoderma*, *Chaetomium* ชนิดเม็ด และการใช้ชีวภัณฑ์ของเชื้อรา *Trichoderma* ร่วมกับ ชีวภัณฑ์ของเชื้อรา *Chaetomium* เปรียบเทียบกับการใช้สารเคมี metalaxyl และชุดควบคุมที่ไม่มีการใช้ชีวภัณฑ์ พบร่วมกับการใช้ชีวภัณฑ์ของเชื้อรา *Trichoderma* ร่วมกับชีวภัณฑ์ของเชื้อ *Chaetomium* ในอัตรา 20 กรัมต่อตัน มีเปอร์เซ็นต์การเกิดโรคต่ำสุดคือ 8.60 เปอร์เซ็นต์ รองลงมาได้แก่การใช้ชีวภัณฑ์ของเชื้อรา *Trichoderma* และการใช้ชีวภัณฑ์ของเชื้อรา *Chaetomium* มีเปอร์เซ็นต์การเกิดโรค 10.92 และ 22.66 เปอร์เซ็นต์ตามลำดับ สำหรับการใช้สารเคมี metalaxyl มีเปอร์เซ็นต์การเกิดโรค 21.88 เปอร์เซ็นต์ และการทดลองในชุดควบคุมพบว่ามีการเกิดโรค 71.63 เปอร์เซ็นต์

การใช้ *Chaetomium* spp. ควบคุมโรคราคาน่าโคนเน่าในต่างประเทศ

Tveit and Moore (1954) ทำการทดสอบประสิทธิภาพของเชื้อรา *Chaetomium* spp. ที่แยกได้จากเมล็ดข้าวโอ๊ต และนำมายกควบคุมเชื้อรา *Helminthosporium victoriae* สาเหตุโรคเมล็ดใหม่ของข้าวโอ๊ตทั้งในสภาพห้องปฏิบัติการและเรือนทดลอง ซึ่งจากการทดสอบประสิทธิภาพของเชื้อรา *Chaetomium* spp. พบร่วมกับความสามารถควบคุมเชื้อรา *H. victoriae* โดยจะปรากฏบริเวณ clear zone ระหว่างเชื้อราทั้งสอง และในสภาพเรือนทดลอง พบร่วมกับ *Chaetomium* spp. สามารถควบคุมโดย

ป้องกันการเข้าทำลายของเชื้อรา *H. victoriae* ต่อมล็ดข้าวโอ๊ต และพบว่าเชื้อรา *Chaetomium spp.* สามารถดำรงชีวิตในสภาพดินได้ 3 เดือนทั้งในสภาพดินแห้งและชื้น ในสภาวะอุณหภูมิ 30 องศาเซลเซียส

Kommedahl and Chang (1968) รายงานว่าเชื้อรา *Chaetomium globosum* สามารถเจริญ บริเวณเปลือกห้มข้าวโพดหวาน และเมื่อนำมาเชื้อตังกล่าวมาควบคุมเชื้อรา *F. oxysporum* ที่เป็นเชื้อสาเหตุโรคใหม่ข้าวโพดหวานในระยะต้นกล้าในสภาพโรงเรือนทดลอง และสภาพแปลงปลูกทดลอง ภายใต้อุณหภูมิ 27-30 องศาเซลเซียส พบร้าเชื้อรา *C. globosum* สามารถควบคุมการงอกของเมล็ดข้าวโพดหวานได้ และมีผลต่อการส่งเสริมการงอกของเมล็ด การเจริญเติบโตทั้งระบบරาก น้ำหนักลำต้น ในสภาพสดและแห้ง โดยมีความแตกต่างกันทางสอดคล้องการทดลองที่ใช้สารเคมี captan และการทดลองในชุดควบคุมที่ไม่มีการใช้เชื้อจุลินทรีย์ นอกจากนี้เชื้อรา *C. globosum* ยังสามารถควบคุมโรคใหม่ข้าวโพดหวาน ที่เกิดจากเชื้อสาเหตุ *F. oxysporum* f. sp. *cerealis*.

Hubbard et al. (1983) รายงานว่าจากการทดสอบประสิทธิภาพเชื้อรา *Chaetomium spp.* ใน การยับยั้งเชื้อแบคทีเรีย *Pseudomonas* spp. พบร้าเมื่อคลุกเมล็ดถั่วด้วยสปอร์สุดของเชื้อรา *C. globosum* สามารถยับยั้งการเจริญของเชื้อแบคทีเรีย *Pseudomonas* spp. โดยมีเปอร์เซ็นต์การงอกของเมล็ดถั่วสูงกว่าการทดลองเปรียบเทียบชุดควบคุมที่ไม่ได้ทำการคลุกเมล็ด

Johnston and Booth (1983) รายงานว่าเชื้อรา *Chaetomium spp.* มีประสิทธิภาพในการควบคุมเชื้อราสาเหตุโรคต่าง ๆ ได้ และบาง species เช่น *C. globosum* และ *C. cochlides* สามารถสร้างสารปฏิชีวนะที่ใช้ควบคุมเชื้อสาเหตุโรคทางดิน และโรคที่ติดมากับเมล็ดพันธุ์พืช เช่น เชื้อรา *Helminthosporium* spp., *Fusarium* spp., *Alternaria* spp. และ *Rhizoctonia* spp. ตามลำดับ

Heye and Andrews (1983) รายงานว่าจากการทดสอบประสิทธิภาพของเชื้อรา ในการควบคุมโรคแอลป์เพลสแคปที่เกิดจากเชื้อสาเหตุ *Venturia inaequalis* โดยการฉีดพ่นสปอร์สุดบนใบพืช ซึ่งพบว่าเชื้อรา *C. globosum* สามารถควบคุมและลดการเกิดโรคได้ 60 และ 90 เปอร์เซ็นต์ เมื่อเปรียบเทียบกับชุดควบคุมที่ไม่ได้ทำการฉีดพ่นเชื้อรา

Cullen and Andrews (1984) รายงานการใช้เชื้อรา *C. globosum* สามารถลดและป้องกันการติดเชื้อของต้นกล้าแอลป์เพลส ที่เกิดจากเชื้อรา *Venturia inaequalis* ได้ผลมากกว่า 90 เปอร์เซ็นต์ โดยขบวนการสร้างสารปฏิชีวนะของเชื้อรา *C. globosum* และมีผลโดยตรงต่อโครงสร้างของเชื้อราสาเหตุโรค

Manandhar et al. (1987) รายงานว่าเชื้อรา *C. cupreum* ที่แยกได้จากดินบริเวณรอบรากและเมล็ดของถั่วเหลือง สามารถทำหน้าที่เป็นปรสิตต่อเชื้อรา *Fusarium roseum* และ *Gliocladium*

roseum และมีผลต่อโครงสร้างเซลล์ของเชื้อรา *Acremonium sp.* โดยทำให้เซลล์แตก โครงสร้างของเซลล์เสีย

Boudreau and Andrews (1987) รายงานการใช้เชื้อรา *C. globosum* ในการเป็นจุลินทรีย์ต่อต้านโรคแ topoепปีลสแคป โดยการฉีดพ่น ascospore ลงบนใบแ topoепปีลใน growth chamber และในสภาพไร่นา พบว่าเชื้อรา *Venturia inaequalis* ไม่สามารถเจริญที่ผิวใบและก่อโรคสแคปได้ นอกจากนี้ยังพบว่าประสิทธิภาพในการยับยั้งการเจริญเติบโตของสารสกัดจากเชื้อ *C. globosum* ต่อเชื้อราในห้องปฏิบัติการจะลดลงหากทำการบ่มเชื้อไว้ที่ค่าความเป็นกรด-ด่าง 5.5, 7.0 และ 8.8 โดยจะลดลงมากที่สุดที่ค่าความเป็นกรด-ด่าง 11.1

Albertini *et al.* (1990) รายงานว่าเชื้อรา *C. globosum* มีประสิทธิภาพในการยับยั้งการสร้างสปอร์ของเชื้อรา *Pyricularia oryzae* นอกจากนี้ยังสามารถยับยั้งการสร้างสปอร์ของเชื้อรา *Botrytis cinerea* อีกด้วย (Kohl *et al.*, 1995)

Di-Piero *et al.* (1992) พบว่าสารสกัดที่ได้จากเชื้อรา *C. globosum* สามารถยับยั้งการเจริญเติบโตของเชื้อราสาเหตุโรคเน่าระดับดินของผักกาดหัว ซึ่งเกิดจากเชื้อรา *Pythium ultimum* ได้โดยสารสกัดคือ 2-(buta-1, 3-dienyl) 3-hydroxy-4-(penta-1, 3-dienyl)-tetrahydrofuran (BHT), epidithiadiketopiperazine และ chaetomin นอกจากนี้ ยังพบว่าเชื้อรา *Chaetomium globosum* สามารถควบคุมโรคเน่าสีขาวของหอม (onion white rot) และลดการเกิดโรคได้ 78 เปอร์เซ็นต์ และยังพบการสร้างสารปฎิชีวนะในอาหารอีกด้วย ในขณะที่ Amemiya *et al.* (1994) รายงานการพบสารปฎิชีวนะที่ผลิตได้จากเชื้อรา *C. globosum* คือ chaetoglobosin A ซึ่งสามารถยับยั้งการงอกของสปอร์ *Verticillium dahliae* เชื้อสาเหตุโรคเหี่ยวยี่เกิดกับมะเขือเทศได้และยับยั้งการเจริญของเส้นใยได้ในสภาพการเลี้ยงเชื้อด้วยวิธี dual culture

Heller and Theiler (1994) ได้ทำการศึกษาเชื้อรา *C. globosum*, *Gliocladium virens* และ *T. viride* ในการสร้างสารปฎิชีวนะและเป็นเชื้อปรสิตของเชื้อรา *Phytophthora* 4 ชนิด คือ *P. cinnamoni*, *P. cactorum*, *P. fragariae* และ *P. nicotinae* พบว่าเชื้อปฎิปักษ์ทั้งสามชนิดสามารถเจริญครอบคลุมโคลนีของเชื้อรา *Phytophthora* spp. และสามารถทำลายเซลล์ของเชื้อให้แตกได้ นอกจากนี้ยังพบว่าสารเคมีซึ่งมีชื่อการค้าว่า benlate มีผลทำให้ประสิทธิภาพของจุลินทรีย์ต่อต้านลดลง โดยเมื่อทดสอบใน dual culture พบว่า จุลินทรีย์ต่อต้านลดความสามารถในการควบคุมโรคหลังจากถูกทดสอบเป็นเวลา 77 วัน

Amemiya *et al.* (1994) พบว่าสารสกัดจากเชื้อรา *C. globosum* คือ chaetoglobosin A สามารถยับยั้งการงอกของสปอร์ของเชื้อรา *Verticillium dahliae* ได้ดีที่ระดับความเข้มข้น 32

ไมโครกรัมต่อมิลลิลิตรและสามารถขับยึดการเจริญของเชื้อรา *V. albo-atrum* และ *Rhizoctonia solani* ตามลำดับ

Soytong et al. (1999) รายงานว่าการใช้เชื้อรา *Chaetomium* ชนิดเม็ดและชนิดผง ที่ผลิตจากเชื้อรา *C. globosum* และ *C. cupreum* ในการควบคุมโรคเห็บบัวที่มีสาเหตุเกิดจากเชื้อรา *F. oxysporum* f. sp. *lycopersici* ในสาระน้ำประชาชันจิน โดยใช้ในอัตรา 0.3, 0.5, และ 1.0 กรัมต่อต้น พบร่วมกับการใช้เชื้อรา *Chaetomium* ที่อัตรา 1 กรัม สามารถควบคุมโรคเห็บบัวได้ 80 เปอร์เซ็นต์ซึ่งมีความแตกต่างอย่างมีนัยสำคัญยังทางสถิติ เมื่อเปรียบเทียบชุดควบคุม

เอนโดไฟฟ์ (Endophyte)

จุลินทรีย์เอนโดไฟฟ์ (endophytic microbe) เป็นจุลินทรีย์ที่อาศัยอยู่ในเนื้อเยื่อพืช (plant tissue) ทั้งพืชบกและพืชน้ำ โดยมีช่วงหนึ่งของวงจรชีวิตอาศัยอยู่ภายในเนื้อเยื่อพืช อาจอยู่ในส่วนราก ลำต้น กิ่ง หรือใบ สามารถใช้ชีวิตร่วมกับพืชได้หลายรูปแบบ ความสัมพันธ์ระหว่างเอนโดไฟฟ์กับพืชมีหลายแบบด้วยกัน เช่นการอยู่ร่วมกันแบบ mutualism, neutral, symbiont หรือ antagonistic pathogen โดยเอนโดไฟฟ์เป็นตัวควบคุมทางชีวภาพ (biological control) และเป็นแหล่ง metabolite สำหรับทางการแพทย์ การป้องกันโรคให้กับพืชอาศัย อิกทั้งเป็นต้นแบบในการศึกษาถึงความสัมพันธ์ต่าง ๆ ในธรรมชาติ เอนโดไฟฟ์บางชนิดเป็นสาเหตุในการเกิดโรคของพืช บางชนิดนอกจากผลิตสาร primary metabolite แล้วยังสามารถผลิตสาร secondary metabolite ในกลุ่มของสารปฏิชีวนะ (antibiotics) ซึ่งมีคุณสมบัติต้านการเจริญของจุลินทรีย์ก่อโรค เช่น ต้านเชื้อรา (antifungal) และต้านแบคทีเรีย (antibacteria) ก่อโรคในคน สัตว์ หรือในพืช (Brunner and Pertrini, 1992) จากคุณสมบัติที่เด่นของแบคทีเรียคือมีการแบ่งตัวที่รวดเร็วกว่าเชื้อรา จึงนำคุณสมบัตินี้มาทำการศึกษาค้นคว้าเพื่อเชื่อมโยงความสัมพันธ์อื่น ๆ ต่อไปได้ (นิตยา และสายสมร, 2543)

จุลินทรีย์เอนโดไฟฟ์ หมายความรวมทั้งเชื้อราเอนโดไฟฟ์และแบคทีเรียเอนโดไฟฟ์ โดยส่วนใหญ่เชื้อราเอนโดไฟฟ์จะได้รับความสนใจในการศึกษาที่กว้างขวางกว่า ทำให้มีข้อมูลเกี่ยวกับเชื้อราเอนโดไฟฟ์ที่สัมพันธ์กับพืชอาศัยมากมาย นอกจากนี้ยังมีรายงานว่า เชื้อราบางชนิดสามารถผลิตสารที่นำมาใช้ประโยชน์ในด้านเกษตรกรรมและเภสัชกรรม เช่น การสร้าง secondary metabolite ในกลุ่มของสารปฏิชีวนะที่มีฤทธิ์ยับยั้งการเจริญของเชื้อรา และเชื้อแบคทีเรียที่เป็นสาเหตุโรคของคน สัตว์ หรือพืชอีกด้วย (Bacon and White, 2000)

แอคติโนมัชีส (Actinomycete)

แอคติโนมัชีสเป็นกลุ่มของจุลินทรีย์เซลล์เดียว เปอร์เซ็นต์ของ guanine และ cytosine หรือ G-C content ที่สูงกว่าแบคทีเรียแกรมบวกทั่วไป คือประมาณ 55-78 โมลเลขทศเปอร์เซ็นต์ แอคติโนมัชีสมีลักษณะเป็นเส้นสายคล้ายเส้นไขข่องเชื้อรา แต่มีขนาดเล็กกว่ามากคือ มีขนาดประมาณ 0.5-1.5 ไมโครเมตร ประกอบด้วยส่วนที่เรียกว่า apical region และ intercalary region สร้างพนังกันเส้นไขแบบต่าง ๆ ขึ้นอยู่กับชนิดของเชื้อ (Kalakoutskii and Agre, 1976) สามารถเจริญบนอาหารสังเคราะห์ชนิดแรก โดยสร้างเส้นไขที่เรียกว่า substrate mycelium และ aerial mycelium โดย substrate mycelium จะเจริญบนผิวน้ำอาหารก่อน และแทรกเส้นไขข้าไปในอาหารเพื่อนำสารอาหารไปใช้ได้อย่างเต็มที่ เมื่อโคลนิเจริญขึ้น aerial mycelium จะเกิดขึ้นมาภายหลังและยื่นไปในอากาศเพื่อทำหน้าที่หลักคือการสืบพันธุ์ ระหว่างที่โคลนิเจริญ aerial mycelium จะถูกสร้างขึ้นในสภาพพิเศษ เช่น ขาดน้ำ ขาดอาหาร หรือมีการสะสมของ inhibition compound ดังนั้น aerial mycelium จึงต้องมี hydrophobic sheath เพื่อป้องกันการสูญเสียน้ำ การเจริญระยะแรกโคลนิมีผิวริบบิล ต่อมะพัฒนา aerial mycelium จนปรากฏเป็นกลุ่มก้อนคล้ายแป้ง (powdery) หรือกำมะหยี่ (velvet) โดยโคลนิของแอคติโนมัชีสเป็นแบบแผ่กระจาย (discrete) คล้ายไอลิเคน (lichenoid) แข็งคล้ายแผ่นหนัง (leathery) หรือคล้ายเนยเหลว (butterous) ผิวโคลนิมีลักษณะเรียบ หรือขรุขระ substrate mycelium จะมีขนาดเส้นผ่าศูนย์กลาง 0.2-0.8 ไมโครเมตร สีของเส้นไขมีตั้งแต่สีขาว ใส่ไม่มีสี สีเหลืองอ่อน สีน้ำตาลอ่อน แดง ชมพู ส้ม เจียว หรือสีดำ สามารถสร้างรังควัตถุได้ทั้งชนิดที่ละลายและไม่ละลายน้ำ ส่วน aerial mycelium มีขนาดเส้นผ่าศูนย์กลางตั้งแต่ 1.0-1.4 ไมโครเมตร สามารถสร้างรังควัตถุได้หลายสี เช่น สีขาว เทา เหลือง ส้ม แดง ม่วง พื้น และสีเขียว โดยที่สีของรังควัตถุอาจเปลี่ยนแปลงไปขึ้นอยู่กับระยะเวลาในการเจริญเติบโต และชนิดของอาหารเดียวกัน เชื้อแอคติโนมัชีสส่วนใหญ่เป็นพาก aerobe บางสกุลเป็น facultative anaerobe หรือ obligate anaerobe อัตราการเจริญของแอคติโนมัชีสจะช้ากว่าแบคทีเรียและเชื้อรากามาก โดยจะใช้เวลาประมาณ 7-14 วัน การสร้างโคลนิที่สมบูรณ์มีตั้งแต่เส้นไขไปได้ผิวอาหาร และเส้นไขเหนือผิวอาหารปรากฏให้เห็น สำหรับชนิดที่มีการเจริญช้า การสร้างเส้นไขทั้ง 2 แบบอาจใช้ระยะเวลาถึง 1 เดือน แอคติโนมัชีสมีการสืบพันธุ์แบบไม่ออาศัยเพศโดยวิธีการ fission ของเส้นไขแล้วพัฒนาไปเป็นสปอร์ที่เรียกว่า conidium ที่มีลักษณะคล้ายกับสปอร์ของเชื้อรา คือมีการแตกหักของเส้นไข ซึ่งสปอร์ดังกล่าวมีอยู่หลายลักษณะคือ เป็นสปอร์เดียว ๆ ที่ไม่เคลื่อนที่และเคลื่อนที่ได้ หรือสปอร์คู่ สปอร์จะเรียงต่อกันเป็นลูกโซ่ หรือบิดเป็นเกลียวคล้ายสปริง หรือเป็นถุงขนาดใหญ่ภายในบรรจุสปอร์เรียกว่า sporangium แอคติโนมัชีสมีลักษณะการเจริญที่คล้ายกับเชื้อรา กล่าวคือแอคติโนมัชีสชั้นสูงจะสร้างเส้นไขแตกสาขาคล้ายเส้นไขของเชื้อรา และจะสร้าง

aerial mycelium ซึ่งตรงปลายจะมี conidia คล้ายกับเส้นใยและสปอร์ของเชื้อรา การเจริญในอาหารเหловของแอคติโนมัยซีสจะเจริญแบบเป็นกลุ่มก้อน และมักจะไม่เป็นตะกอนบุ่น (turbidity) อันเนื่องมาจากการแพร่กระจายของเซลล์ที่มีลักษณะเป็นเซลล์เดียวเช่นในแบคทีเรียทั่วไป นอกจากนี้การเพิ่มจำนวนของแอคติโนมัยซีสจะคล้ายกับเชื้อรา (apically) คือมีการเจริญเฉพาะบริเวณส่วนปลายแตกต่างจากการเพิ่มจำนวนของแบคทีเรียทั่วไปที่เป็นแบบทวีคูณ (exponential) ลักษณะการเจริญของแอคติโนมัยซีสถึงแม้จะเหมือนเชื้อรา แต่เหตุผลที่ทำให้แอคติโนมัยซีสสู่กระบวนการกลุ่มอยู่ในกลุ่มของแบคทีเรียนี้ ซึ่งจากขนาดและรูปร่างของเซลล์ไกล์เดียวกับแบคทีเรีย คือจะมีเส้นผ่าศูนย์กลางประมาณ 0.5–1.2 ไมโครเมตร นอกจากนี้แอคติโนมัยซีสสามารถถูกทำลายได้โดย bacteriophage และสารปฏิชีวนะประเภทเดียวกับที่ทำลายแบคทีเรีย แต่เหตุผลที่สำคัญที่ทำให้สรุปได้ว่าแอคติโนมัยซีสไม่ใช่เชื้อราก็คือ เซลล์ของแอคติโนมัยซีสไม่มีเยื่อหุ้มนิวเคลียส ผนังเซลล์ไม่ได้ประกอบด้วย chitin หรือ cellulose เหมือนกับเชื้อรา แต่เป็นสารประกอบเชิงซ้อน (polymer) ของน้ำตาลและกรดอะมิโน ซึ่งคล้ายกับผนังเซลล์แบคทีเรียแกรมบวก (Gram positive bacteria) (Waksman, 1967; Mendez *et al.*, 1985)

ครุณี (2541) รายงานว่าลักษณะการเจริญของเชื้อบนอาหารแข็ง (surface culture) และในอาหารเหлов (submerge culture) มีลักษณะต่างกันคือ การเจริญในอาหารเหловเซลล์จะเจริญจับกันเป็นกลุ่มของเส้นใยที่เรียกว่า pellet แต่สำหรับเชื้อบางชนิด เช่น *Nocardia coralline* เมื่อเจริญในอาหารเหловที่มีการเขย่าให้อาการ เชื้อจะมีลักษณะเป็นรูปแท่ง (rod) มีการแบ่งเซลล์แบบ binary fission และแบบ fragmentation เมื่อหยุดการเจริญ ในขณะที่การเจริญบนอาหารแข็งที่มีส่วนประกอบของอาหาร เช่น เดียวกับในอาหารเหлов เชื้อเจริญแบบสร้างเส้นใย (filamentous form) ในลักษณะที่ยึดติดแน่นกับผิวน้ำอาหารวุ่น และมีการหักหด (fragmentation) ของเส้นใยเมื่อมีอายุมากขึ้น โดยทั่วไปลักษณะการเจริญของเชื้อบนอาหารแข็งจะมีลักษณะของโคลโคนีหลายแบบได้แก่

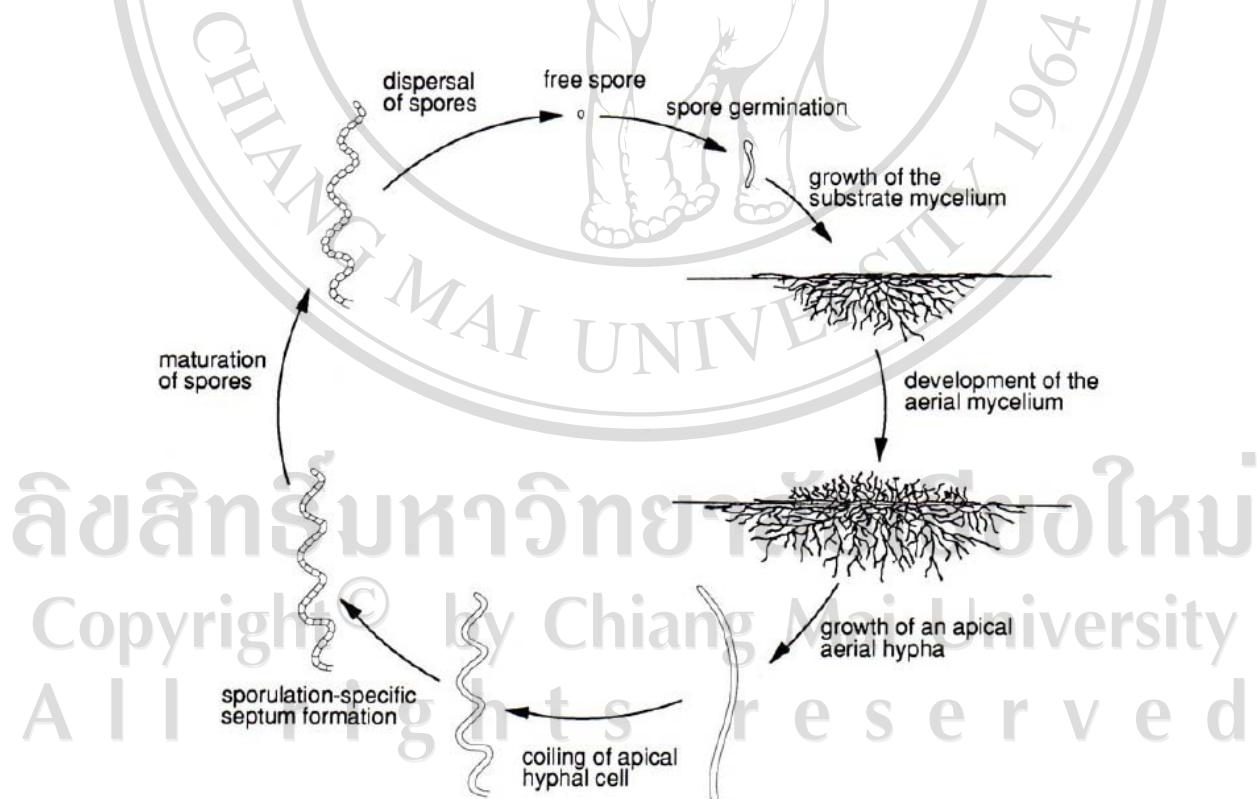
1. โคลโคนีแบบหยาบหรือเรียบขึ้นกับผิวน้ำอาหารอย่างหลวง ๆ สร้าง aerial mycelium ปกคลุมผิวน้ำอาหาร (มักพบแอคติโนมัยซีสที่มีการเจริญในระยะ transient mycelial มีการเจริญของ mycelia ที่ไม่แน่นอน)

2. โคลโคนีไม่มี substrate mycelium มี aerial mycelium ที่ขึ้นกับอาหารด้วยส่วนพิเศษที่เรียกว่า holdfast

3. โคลโคนีที่มีลักษณะเกาะกันคล้ายแผ่นหนัง สร้าง aerial mycelium ที่มีลักษณะค่อนข้างโป่ง และยึดกับ substrate ด้วย substrate mycelium สำหรับในอาหารเหлов เรียกเส้นใยที่บนผิวอาหารว่า generative mycelium และเส้นใยที่อยู่ในอาหารว่า vegetative mycelium

การสร้างเซลล์สืบพันธุ์ของแบคทีโรมัยซีสโดยทั่วไปพบได้ 2 แบบ คือแบบ mycelium fragmentation และแบบ sporulation ในพาก *Streptomyces* spp. จะมีการสร้างเซลล์ที่มีลักษณะพิเศษตามความขาวของ aerial mycelium โดยเซลล์ข่ายใหญ่ และมีผนังหนาขึ้นเรียกว่า chlamydospore หรือ arthrospore มักพบแบบเดี่ยว ๆ (single spore) หรือต่อกันเป็นสายโซ่ (chain) ในพาก *Actinoplane armenicus* สามารถสร้างสปอร์ได้ 2 แบบคือ สปอร์แบบมี flagella เรียกว่า zoospore ที่สามารถเคลื่อนที่ได้ และสร้างสปอร์แบบ arthrospore บน aerial mycelium ซึ่งการสร้างสปอร์จะเป็นแบบในนั้นมักขึ้นอยู่กับสภาพแวดล้อมที่เชื้อเจริญอยู่

เชื้อแบคทีโรมัยซีสส่วนใหญ่มีปริมาณ guanine และ cytosine ในชุดมากกว่า 55 โมเลกุล เปอร์เซ็นต์ (Ruan, 1994) สกุลที่มีการศึกษาทางพันธุศาสตร์มากที่สุดคือ *Streptomyces* โดยพบว่ามีโครงสร้างของโครโนโซมเป็นเส้นตรง (linear chromosome) และมีขนาดของจีโนม (genome) ประมาณ 7.8-8.0 เมกะเบต ซึ่งมีปริมาณเบส guanine และ cytosine ในอัตราสูง (high G-C content) ประมาณ 70-74 โมเลกุลเปอร์เซ็นต์ (Williams et al., 1989) โดยทั่วไปแบคทีโรมัยซีสจะมีวงจรชีวิตดังภาพที่ 1



ภาพที่ 1 วัฏจักรชีวิตของ *Streptomyces*

ที่มา: Chater et al. (1996)

แอคติโนมัยซีสเมลักษณะทางสัณฐานวิทยาที่หลากหลายมาก ส่วนใหญ่ดำรงชีวิตโดยอาศัยออกซิเจน ได้รับสารอาหารจากการย่อยสารอินทรีย์ (saprophytic) และชอบอุณหภูมิปานกลาง (mesophilic) พบรอยู่ทั่วไปทั่วในดิน น้ำ และอากาศ แต่พบมากในดินที่เป็นด่างเล็กน้อยและอุดมไปด้วยสารอินทรีย์ โดยพบมากบริเวณดินชั้นบนและลดจำนวนลงในชั้นดินที่ลึกลงไป นอกจากนี้ยังพบได้มาในดินบริเวณรากพืช (rhizosphere) หรือแม้แต่ในชั้นส่วนของต้นพืช (endophyte) ที่ยังสามารถพบรอยตัวในดินน้ำและในอากาศ (Porter, 1971)

ลักษณะทางสัณฐานวิทยาของเชื้อแอคติโนมัยซีส

การจัดจำแนกเชื้อแอคติโนมัยซีสในระดับสกุล จะใช้ลักษณะทางสัณฐานวิทยา เช่น ลักษณะของสปอร์ ลักษณะของเส้นใยทั้ง substrate mycelium และ aerial mycelium นอกจากนี้ยังใช้อุปกรณ์ในการทดลองทางเคมีของเซลล์มาใช้ในการจัดจำแนก เช่น ชนิดของ diaminopimelic acid (DAP) ที่ผนังเซลล์ ชนิดของน้ำตาลภายในเซลล์ ฟอสฟอลิปิด และ menaquinone เป็นต้น (Yamaguchi, 1965; Yamada, 1998) ซึ่งสามารถนำมาจัดกลุ่ม ได้ดังแสดงในตารางที่ 1

ลักษณะทางสัณฐานวิทยาเป็นสิ่งสำคัญที่ใช้ในการจัดจำแนกเชื้อแอคติโนมัยซีส โดยการอาชีวกรดื่งจุลทรรศน์ และเลนส์ที่มีระยะการทำงานยาว (long working distance) โดยคุณลักษณะของเชื้อที่เจริญอยู่บนอาหารเดียว เช่น โคลต์รัง ลักษณะทางสัณฐานวิทยาที่ต้องพิจารณาในการจำแนก เป็นสกุล (Holt *et al.*, 1994) ได้แก่

1. เส้นใย (mycelium) โดยแบ่งออกเป็น substrate mycelium และ aerial mycelium โดยพิจารณาว่าสร้างแบบใด หรือสร้างทั้งสองแบบ โดยปกติเชื้อจะสร้างเส้นใยชนิดใด ขึ้นอยู่กับชนิดของเชื้อ มีบางชนิดทำน้ำที่สร้างเฉพาะ aerial mycelium บางชนิดเส้นใยมีลักษณะเป็น vesicle และไม่สร้างสปอร์ เส้นใยอาจแข็งแรง หรือมีการแตกหัก บางชนิดเส้นใยที่แตกหักสามารถเคลื่อนที่ได้

2. Conidium คือสปอร์แบบไม่ออาศัยแพค โดยแอคติโนมัยซีสสามารถสร้าง conidium ได้หลายแบบดังนี้

- g. Single conidium มีลักษณะเป็นสปอร์เดี่ยว ๆ มักพบโดยทั่วไปโดยเฉพาะเชื้อในกลุ่ม *Micromonospora*, *Thermomonospora* และ *Saccharomonospora* บางชนิดมี endospore ที่ทนความร้อนได้ดี แต่บางชนิดไม่ทนร้อน

- h. Pairs of conidia เป็น conidium แบบคู่ มีลักษณะเรียงตัวตามยาว สร้างอยู่บนเส้นใยที่มีชื่อในภาษา ได้แก่ *Microbispora* และ *Planobispora*

ตารางที่ 1 องค์ประกอบทางเคมีและลักษณะทางสัณฐานวิทยาที่ใช้ในการจำแนกสกุลของ
แบคทีโรนัยซีส

Diagnostic amino acid	Diagnostic sugar	Typical key morphological features and additional chemical properties	Possible generic assignment (section number)
No DAP ^a	NA ^b	Only substrate mycelium formed. Breaks into motile elements. Sterile aerial mycelium formed. Substrate mycelium breaking up into nonmotile elements. Sporangia with motile spores.	<i>Oerskovia</i> (26) <i>Promicromonospora</i> (26)
Xylose		Short chains of conidia on the aerial mycelium.	<i>Actinoplanes</i> (28)
Madurose			<i>Actinomadura</i> (30)
L-DAP	NA	Both aerial and substrate mycelia breaking up into fragments. Only substrate mycelium formed bearing terminal or subterminal vesicles. Aerial mycelium with long chains of spores. Sclerotia formed (Chainia type). Very short chains of large conidia formed (Microellobosporia type) on aerial and vegetative mycelium. Whorls of straight chains of conidia formed. No aerial mycelium; club-shaped sporangia formed terminally on the vegetative mycelium. Aerial mycelium only, motile element formed.	<i>Nocardoides</i> (26) <i>Intrasporangium</i> (26) <i>Streptomyces</i> (29) <i>Kitasatosporia</i> (33) <i>Streptomyces</i> (29) <i>Streptomyces</i> (29) <i>Streptoverticillium</i> (29) <i>Kineosporia</i> (29) <i>Sporichthya</i> (29)
meso-DAF ^c	Xylose and Arabinose	No sporangia. Single conidia formed on substrate myelia, often in large black mucoid masses. No sporangia, short chains of conidia formed protruding from the surface of the colonies. Chains of conidia on aerial mycelium.	<i>Micromonospora</i> (28) <i>Catellatospora</i> ^d <i>Glycomyces</i> (33)
meso-DAF ^c	Xylose and Arabinose	Dactyloid oligosporic sporangia protruding from the surface of the colonies. Spores motile. Sporangia containing spherical motile spores formed on the surface of colonies. Same. Rod-shaped sporangiospores motile by polar flagella. Same. Sporangiospores with lateral flagella. Multilocular sporangia formed. Spores nonmotile.	<i>Dactylosporangium</i> (28) <i>Actinoplanes</i> (28) <i>Ampullariella</i> (28) <i>Pilimelia</i> (28) <i>Frankia</i> (27)

â€¢ ข้อสันธิหน้าอย่างเชิงใน
Copyright © Chiang Mai University
All rights reserved

ตารางที่ 1 องค์ประกอบทางเคมีและลักษณะทางสัณฐานวิทยาที่ใช้ในการจำแนกสกุลของ
แบคทีโรนัมบีซีส (ต่อ)

Diagnostic amino acid	Diagnostic sugar	Typical key morphological features and additional chemical properties	Possible generic assignment (section number)
		Shot chains of conidia on the aerial mycelium, often curled into a crozier.	<i>Actinomadura</i> (30)
		Chains of conidia with only two spores.	<i>Microbispora</i> (30)
		Chains of conidia mainly with four (2-6) spores.	<i>Microtetrasporea</i> (30)
		Sporangia formed with two motile spores.	<i>Planobispora</i> (30)
		Sporangia formed with only one motile spores.	<i>Planomonospora</i> (30)
		Spherical sporangia formed on aerial mycelium containing many motile rod-shaped spores.	<i>Spirillospora</i> (30)
		Spherical sporangia formed on aerial mycelium containing many aplanospores.	<i>Streptosporangium</i> (30)
		Multilocular sporangia formed.	<i>Dermatophilus</i> (27)
meso-DAP	Fucose	Multilocular sporangia formed.	<i>Frankia</i> (27)
		Sporangia with motile spores.	<i>Frankia</i> (27)
	Rhamnose and Galactose	Both aerial and substrate hyphae fragment into nonmotile elements.	<i>Actinoplanes</i> (28)
		<i>Streptomyces</i> type of morphology.	<i>Saccharothrix</i> (33)
	Rhamnose, galactose, and mannose	<i>Streptomyces</i> type of morphology.	<i>Streptoalloteichus</i> (31)
	Galactose	Nocardomycolic acid (NMA) present. Morphology ranging from fugaceous substrate mycelium only to <i>Streptomyces</i> -like.	<i>Kitasatosporia</i> (33)
	Arabinose and galactose	NMA present. Soft, salmon to pink organisms.	<i>Nocardia</i> (26)
		NMA absent. Short chain of conidia on the substrate and sparse aerial mycelium.	<i>Rhodococcus</i> (26)
		NMA absent. Long cylindrical spores on the aerial mycelium.	<i>Faenia</i> (26)
		Spores formed by budding.	<i>Pseudonocardia</i> (26)
		NMA absent. Single spores formed mainly on the aerial hyphae.	
		NMA absent. Very long chains of conidia on the aerial mycelium.	<i>Saccharomonospora</i> (26)
		NMA absent. Long chain of conidia on the aerial mycelium.	
	Halophile.		<i>Saccharopolyspora</i> (26)
			<i>Actinopolyspora</i> (26)

ตารางที่ 1 องค์ประกอบทางเคมีและลักษณะทางสัณฐานวิทยาที่ใช้ในการจำแนกสกุลของ
แบคทีโรนัยซีส (ต่อ)

Diagnostic amino acid	Diagnostic sugar	Typical key morphological features and additional chemical properties	Possible generic assignment (section number)
meso-DAP	Arabinose and galactose	NMA absent. Substrate mycelium tends to break into nonmotile element. Aerial hyphae may be formed; they may also segment. NMA absent. Aerial mycelium bearing curled hyphae embedded in an amorphous matrix.	<i>Amycolata</i> ^a <i>Amycolatopsis</i> ^b <i>Kibdelosporangium</i> (33)
No diagnostic sugar		Single conidia formed. There are heat-resistant bacterial endospores. Same as above but the spores are not heat-resistant. Long chain of spores formed by the aerial hyphae. Aerial hyphae, often united into synnemata releasing motile spores. Multilocular sporangia releasing motile spores.	<i>Thermoactinomyces</i> (32) <i>Thermomonospora</i> (31) <i>Nocardiopsis</i> (31) <i>Actinosynnema</i> (31) <i>Geodermatophillus</i> (27)

หมายเหตุ:

^a DAP, diaminopimelic acid.

^b NA, not applicable.

^c May also contain hydroxy forms of DAP that may even replace meso-DAP.

^d Validly described genera not included in this volume.

ที่มา: Williams *et al.* (1989)

ค. Short chain of conidia เป็น conidium ที่เรียงตัวเป็นสายสัม conidia ลักษณะนี้หากที่จะบอกได้ว่ามีจำนวนสปอร์อยู่เท่าไหร่ แต่จะพิจารณาว่าถ้ามีการเรียงตัวของสปอร์ไม่เกิน 20 สปอร์ จัดว่าเป็นสายสัม โดยเชื้อที่สร้างสปอร์ในลักษณะนี้มีอยู่หลายชนิด บางชนิดสร้างสปอร์สั้น ๆ และมีถุงมาล้อมรอบ อาจสร้างอยู่บนเส้นใยที่เจริญอยู่ใต้ผิวน้ำอาหาร หรือเส้นใยที่ชูขึ้นในอากาศก็ได้

ง. Long chain of conidia เป็น conidium ที่เรียงตัวเป็นสายยาว โดยเชื้อที่สร้างสปอร์ในลักษณะนี้มีอยู่หลายชนิด บางชนิดสร้าง conidia ที่สามารถเคลื่อนที่ได้

3. Sporangium เป็นถุงที่บรรจุสปอร์ไว้ภายใน อาจสร้างอยู่บนเส้นใยที่เจริญอยู่ใต้ผิวน้ำอาหาร หรือเส้นใยที่ชูขึ้นในอากาศก็ได้ บางชนิดอาจสร้างอยู่ในเนื้อวุ้น

4 โครงสร้างอื่น ๆ แอคติโนมัยซีสบางชนิดสร้างโครงสร้างที่มีลักษณะพิเศษต่าง ๆ เช่น เชื้อบางสกุลสร้างกลุ่มของสปอร์ที่แกนของเส้นใย การสร้างสปอร์แบบนี้เรียกว่า multilocular sporangium

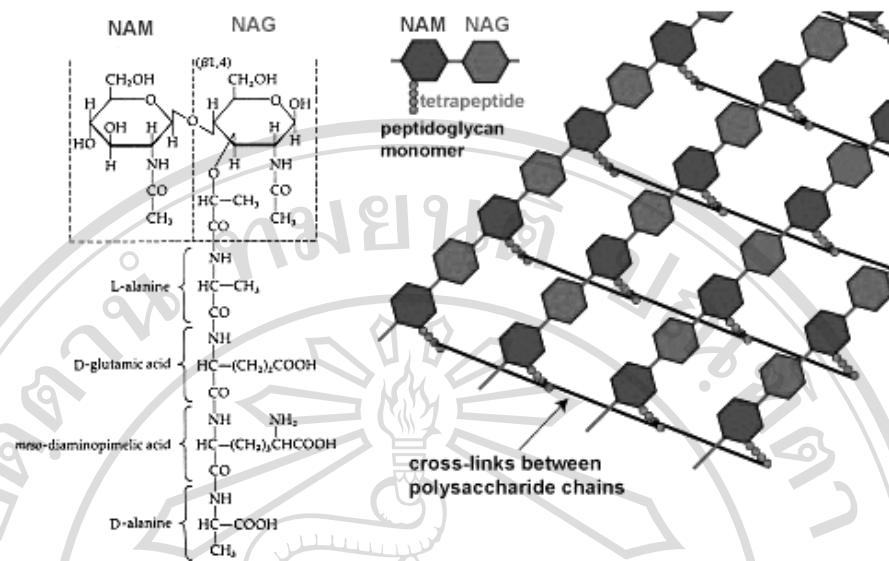
แอคติโนมัยซีสหลายชนิดสร้างโครงสร้างที่มีลักษณะกลม ขนาดไม่ใหญ่เกินเส้นใยที่ชี้ขึ้นในอากาศ มีลักษณะเป็นเส้นใยที่ม้วนตัวบิดเป็นวงกลมในสายสปอร์ หรือโครงสร้างนี้อาจมีเส้นใยฝังลงในโครงสร้างที่มีรูปร่างไม่แน่นอน เช่น sclerotia ซึ่งถูกสร้างขึ้นโดย Streptomyces บางชนิด โดยจะไม่มีสปอร์อยู่ภายในแต่จะมีไขมันอยู่แทน

องค์ประกอบทางเคมีของเซลล์

องค์ประกอบทางเคมีของเซลล์เป็นสมบัติที่ใช้ในการจัดจำแนกเชื้อแอคติโนมัยซีส ร่วมกับลักษณะทางสัณฐานวิทยาของเซลล์ เพื่อการจัดจำแนกในระดับสกุล องค์ประกอบทางเคมีของเซลล์ที่นำมาพิจารณา ได้แก่

1. ชนิดของ 2,6-diaminopimelic acid (DAP) เป็นกรดอะมิโนซึ่งเป็นองค์ประกอบของผนังเซลล์แบคทีเรียทุกชนิดยกเว้น mycoplasma และ archaeabacteria จะมี peptidoglycan หรือ murein เป็นองค์ประกอบของผนังเซลล์ โดยประกอบด้วย peptidoglycan monomer ที่สร้างขึ้นจาก การเชื่อมต่อ กันของ amino sugar 2 ชนิด คือ N-acetylglucosamine (NAG) และ N-acetylmuramic acid (NAM) ที่เชื่อมอยู่กับกรดอะมิโน 4 ชนิด เช่น DAP, alanine, glycine, lysine และ glutamic acid เป็นต้น (ภาพที่ 2) ผนังเซลล์ของแอคติโนมัยซีสส่วนใหญ่ยังมีการเชื่อมข้ามสารระหว่าง DAP กับ alanine หรือระหว่าง lysine กับ alanine peptidoglycan ของแอคติโนมัยซีสอาจมี DAP เป็นแบบ LL-isomer, meso-isomer และ OH-isomer หรือไม่มีก็ได้ (ตารางที่ 1) จึงสามารถใช้ชนิดของ DAP ในการจัดจำแนกในระดับสกุลได้ (Lechevalier et al., 1971)

2. ชนิดของน้ำตาลในเซลล์ ผนังเซลล์ของแบคทีเรียประกอบด้วยน้ำตาลหลายชนิด เช่น xylose, arabinose, galactose, rhamnose, , ribose, madurose และ glucose เป็นต้น นอกจาก glucosamine และ muramic acid ของ peptidoglycan รูปแบบของน้ำตาลสามารถแบ่งแอคติโนมัยซีสที่มี DAP เป็นแบบ meso-isomer ออกเป็น 4 ประเภท คือ Type A มีน้ำตาล arabinose และ galactose แต่ไม่มี xylose Type B มีน้ำตาล madurose และไม่มี arabinose และ xylose Type C ไม่สามารถบูรณาแบบน้ำตาลที่เฉพาะได้ และ Type D มีน้ำตาล xylose และ arabinose เป็นองค์ประกอบ (ตารางที่ 2) (Lechevalier et al., 1971)



ภาพที่ 2 โครงสร้าง และการจัดเรียงตัวของชั้น peptidoglycan ที่ประกอบด้วย DAP ที่ผนังเซลล์
ที่มา: Williams *et al.* (1989)

การจำแนกประเภทของเชื้อแบคทีโนมัยซีส (Classification of Actinomycete)

Bergey's Manual of Systematic Bacteriology เล่ม 4 (Williams *et al.*, 1989) ได้จำแนกประเภทของเชื้อแบคทีโนมัยซีสออกเป็นกลุ่มโดยใช้ลักษณะทางสัณฐานวิทยา และองค์ประกอบทางเคมีของเซลล์แบ่งเป็น 8 กลุ่ม (กลุ่มที่ 26-33) ซึ่งประกอบด้วย Nocardioform, Multilocular sporangia, Actinoplanete, Streptomycete, Maduromycete, Thermomonospora, Thermoactinomycete และ กลุ่มอื่น ๆ ที่ยังไม่สามารถจัดอยู่ในกลุ่มต่าง ๆ ข้างต้นได้

กลุ่มที่ 26 Nocardioform

Nocardioform เป็นกลุ่มที่เด่นไปมีการแตกหักเป็นแท่งหรือกลม แบคทีโนมัยซีสในกลุ่มนี้มีทั้งสิ้น 13 สกุล ได้แก่ *Nocardia*, *Rhodococcus*, *Faenia*, *Pseudonocardia*, *Saccharomonospora*, *Saccharopolyspora*, *Actinopolyspora*, *Amycolata*, *Amycolatopsis*, *Oerakovia*, *Promicromonospora*, *Nocardoides* และ *Intrasporangium* เชื้อในกลุ่มนี้มีผนังเซลล์แบบที่ I (LL-DAP และ ไกคลีน) ในสกุล *Nocardia* และ *Rhodococcus* ที่ผนังเซลล์จะมี mycolic acid และมีน้ำตาลในเซลล์เป็นแบบ type A (arabinose และ galactose) ชุดนิทรีย์กลุ่มนี้จัดเป็น acid-alcohol fast ข้อมติดสีได้

ตารางที่ 2 องค์ประกอบของผนังเซลล์และชนิดของน้ำตาลภายในเซลล์ของแบคทีโรนัมบชีส

Type	Cell wall type		Whole cell sugar pattern		
	Major wall amino acid	Distinguishing major constituents	Type	Diagnostic sugar	
I	LL-DAP	Glycine	-	-	-
II	<i>meso</i> -DAP	Glycine	D	Xylose, Arabinose	
III	<i>meso</i> -DAP or OH-DAP	None	B	Madurose	
IV	<i>meso</i> -DAP	Arabinose, Galactose	C A	None Arabinose, Galactose	

ที่มา: Williams *et al.* (1989)

Rhodococcus ไม่สามารถสร้างเด็นไขอากาศ และเด็นไขอาหารเมื่อเจริญบนอาหารแข็งบาง ช่วงในการเจริญของเชื้อมีลักษณะเป็นท่อนหรือทรงกลม โคลอนนิมได้หลายสี เช่น แดง เหลือง ส้ม ชมพู ครีม น้ำตาล และ ม่วง มีทั้งผิวเรียบ และขรุขระ *Rhodococcus* หลายชนิดสร้างเมือกที่ผิว โคลอนนิเจริญได้ดีที่อุณหภูมิ 30 องศาเซลเซียส และ ไม่สร้างสปอร์

Nocardioform ผลิตสารออกฤทธิ์ทางชีวภาพที่สำคัญได้แก่ สารต่อต้านแบคทีเรีย เช่น nocardicin สารต่อต้านไวรัส เช่น sakomycin A นอกจากนี้จุลินทรีย์กลุ่มนี้ยังมีความสำคัญในอุตสาหกรรมการผลิตเอนไซม์ที่ใช้ในการย่อยสลายอินทรีย์สาร เช่น พาง ยาง พลาสติก และสารไฮโดรคาร์บอน เป็นต้น (Czoch and Mordarski, 1988) รายละเอียดอื่น ๆ ที่ใช้จัดจำแนกเชื้อสกุลต่างๆ ในกลุ่มนี้ ดังตารางที่ 3

Copyright[©] by Chiang Mai University
All rights reserved

ตารางที่ 3 ลักษณะสำคัญของแบคทีโรฟิโนมัยซีสสกุลต่าง ๆ ในกลุ่ม Nocardioform

Characteristics	<i>Nocardioides</i>	<i>Rhodococcus</i>	<i>Faenia (Micropolyspora)</i>	<i>Pseudonocardia</i>	<i>Saccharomonospora</i>	<i>Saccharopolyspora</i>	<i>Actinopolyspora</i>	<i>Amycolata</i>	<i>Amycolatopsis</i>	<i>Oerskovia</i>	<i>Promicromonospora</i>	<i>Nocardioides</i>	<i>Intrasporangium</i>
Marked fragmentation of mycelium in older cultures	d	+	-	+	-	+	-	+	-	+	+	-	d
Aerial mycelium produced	+	+	+	+	+	+	+	d	d	d	+	+	-
Conidia formed	d	-	+	+	+	+	+	d	d	d	+	+	-
Motile elements produced	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
Strictly aerobic	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+
Facultative anaerobes	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
Cell wall type ^c	IV	IV	IV	IV	IV	IV	IV	IV	IV	VI	VI	I	I
Mycolic acids present	+/ ^b	+/ ^b	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
Phospholipid type ^c	PII	PII	PIII	PIII	PII	PIII	PIII	PIII	PII	PV	PV	PI	PIV
Menaquinones	MK-8(H ₄), -9(H ₂)	MK-8(H ₂), -9(H ₂)	MK-9(H ₄), -9(H ₆)	MK-9(H ₄)	MK-9(H ₄)	MK-9(H ₄)	MK-9(H ₄)	MK-8(H ₂ ,H ₄)	MK-9(H ₂ ,H ₄)	MK-9(H ₂ ,H ₄)	MK-9(H ₂ ,H ₄)	MK-8(H ₄)	MK-8(ND)
Mol% G + C of the DNA	64-72	59-69	66-68	79	69-74	77	64	68-71	66-69	70-75	70-75	66-69	68

^aSymbols: +, 90% or more of strains positive; -, 10% or less of strains positive; d, 11-89% of strains positive; and ND, not determined.

^bLacking in some strains.

^cUsually scanty.

^dSome strains nonmotile (nonmotile oerskoviae (NMO)).

^eMajor constituents in cell walls of types: I, L-DAP and glycine; IV, meso-DAP, arabinose, and galactose; and VI, lysine (with variable presence of aspartic acid and galactose).

^fNocardiomycolic acids.

^gCharacteristic phospholipids of types, in addition to phosphatidylinositol (which is always present); PI, phosphatidylglycerol (variable); PII, only phosphatidylethanolamine; PIII, phosphatidylcholine (with phosphatidylethanolamine, phosphatidylmethylethanolamine and phosphatidylglycerol variable, no phospholipids containing glucosamine); PIV, phospholipids containing glucosamine (with phosphatidylethanolamine and phosphatidylmethylethanolamine variable); and PV, phospholipids containing glucosamine and phosphatidylglycerol.

กลุ่มที่ 27 Actinomycete ที่มี Multilocular Sporangium

เชื้อในกลุ่มนี้ใช้ลักษณะ multilocular sporangium เป็นหลักในการจำแนกประเภทแยกออกจากเชื้อแอคติโนมัยซีสกุลอื่น ๆ แอคติโนมัยซีสในกลุ่มนี้มีทั้งสิ้น 3 สกุล คือ *Dermatophilus*, *Geodermatophilus* และ *Frankia* ที่มีลักษณะแตกต่างกัน (ตารางที่ 4) เชื้อสกุล *Geodermatophilus* มีการเรียงตัวของเส้นไข่ง่าย ๆ ที่ขังไม่พัฒนามากนัก phallus ทั้งหมดสร้างเป็น sporangium ส่วนสกุล *Dermatophilus* เส้นไข่มีการพัฒนามากขึ้น มีการสร้าง multilocular sporangium แบบขาว และสกุล *Frankia* มีการสร้าง sporangium และเส้นไข่ทั้งบริเวณ intercalary swelling ตอนปลาย หรือบนกิ่ง lateral branch ทั้ง 3 สกุลจะไม่พบรการสร้างเส้นไข่ที่ชูขึ้นในอากาศ เชื้อในกลุ่มนี้มีผนังเซลล์เป็นแบบที่ III (meso-DAP หรือ OH-DAP)

ตารางที่ 4 ลักษณะสำคัญของแอคติโนมัยซีสสกุลต่าง ๆ ในกลุ่ม Actinomycete ที่มี Multilocular Sporangium

Characteristics	<i>Geodermatophilus</i>	<i>Dermatophilus</i>	<i>Frankia</i>
Morphology			
Extensive filamentation	-	-	+
Aerial mycelium	-	-	-
Sarcinoid sporangia	+	+	+
Vesicles	-	-	+
Outer spore membrane	-	-	+
Capsule	-	+	-
Physiology			
Spore motile	+	+	-
Temperature range (°C)	10-37	22-37	10-37
Relation to air	Aerobic	Microaerophilic	Microaerophilic
Catalase	+	+	+
Rapidity of growth	Rapid (2-7 days)	Moderate (7-14 days)	Slow (10-60 days)
Fixation of nitrogen	-	-	+
Chemistry			
Cell wall type	III	III	III
Whole cell sugar	C (no characteristic sugars)	B (madurose)	D (xylose), E (fucose), B or other
Phospholipid type ^a	PII	PI	PI
Mycolates	-	-	-
Mol% G + C of the DNA	73-75	57-59	66-71
Habitat	Soil/sea	Mammalian epidermis	Nodules of certain angiosperms/soil

^a PII, Phosphatidylethanolamine and/or methylethanolamine as characteristic nitrogenous phospholipids; PI, no nitrogenous phospholipids present.

กลุ่มที่ 28 Actinoplanete

แบคทีโรนัยซีส์ในกลุ่ม Actinoplanete มีทั้งสิ้น 5 สกุล ได้แก่ *Actinoplane*, *Ampullariella*, *Pilimelia*, *Dactylosporangium* และ *Micromonospora* เชื้อในกลุ่มนี้ส่วนมากอยู่ในน้ำ เพราะเป็นกลุ่มที่มีสปอร์เคลื่อนที่ได้ในน้ำ ในช่วงหนึ่งของวัฏจักรชีวิต ยกเว้นสกุล *Micromonospora* ลักษณะสำคัญของเชื้อในกลุ่มนี้คือ เป็น non-acid fast และมีการเจริญโดยไม่มีการแตกหักของเส้นใย แต่แตกกิ่งก้านแล้วสร้างสปอร์อยู่บนเส้นใยที่มีผนังกัน เส้นใยมีการพัฒนาข้อย ก็จะเห็นเพียงบาง ๆ เกิดเดียว ๆ ไม่มีก้าน หรือมีเพียงสัน ๆ มักพบร่วมเป็นกลุ่ม มีลักษณะกลม รูปไข่ หรือวงรี ผนังหนาบางครึ่งพับตุ่ม หรือหนามที่ผนัง พากที่สร้างสปอร์ที่เคลื่อนที่ได้ (motile spore) ใน sporangium หรือ vesicle ซึ่งมีการพัฒนาให้ไปอยู่ที่ส่วนปลายของ sporangiophore มีทั้งขนาดสั้น และยาว สปอร์มักถูกสร้างอยู่ใน sporangium ที่ถูกปอกคลุมไว้ด้วยกิ่งก้านที่แตกหัก หรือบางทีก็เป็นเส้นใยของ sporogenous hypha ตรง หรือ凸เป็นเกลียว ส่วนของ multisporous sporangium มีหลายรูปแบบ เช่น cylindrical, bottle-shaped, flask-shaped campanulate, lobate, digitate, subspherical, ovoid, pyriform และ irregular เป็นต้น เชื้อในกลุ่มนี้มี DAP ที่ผนังเซลล์แบบ meso-DAP หรือ OH-DAP และมีน้ำตาลในเซลล์เป็น type D (xylose และ arabinose) สกุล *Micromonospora* สร้างสปอร์ที่ไม่เคลื่อนที่ (nonmotile spore) ลักษณะโดยทั่วไปจะรังส์ไมซ์เดียมแตกกิ่งก้านแบบ dichotomous branching สปอร์เจริญอยู่เดียว ๆ บนก้านชูสปอร์สั้น ๆ เส้นไอกากมีรูปร่างผิดปกติหรือไม่มี เมื่อเจริญบนอาหารแข็งโคลนีจะมีขนาดเล็ก ลักษณะเรียบ ขรุขระ เป็นกลุ่มก้อน หรือลักษณะคล้ายหนามทู่ ส่วนใหญ่มีสีส้ม แดง เขียว ม่วง น้ำตาล ไปจนถึงดำ เจริญได้ที่อุณหภูมิ 20-40 องศาเซลเซียส แต่ไม่สร้างเส้นไอกาก อาจพบการสร้างสปอร์อยู่บนผิวโคลนีเห็นเป็นเมือกสีดำ จุลินทรียกกลุ่มนี้อาจสร้างรงควัตถุสีเหลือง แดง ม่วง และดำ ในอาหารแข็งได้ สปอร์สามารถเจริญได้มากกว่า 50 ปีอร์เซ็นต์ เมื่อให้ความร้อนที่ 60 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 20 นาที ไม่เจริญที่ pH ต่ำกว่า 6 (Kawamoto, 1989) ลักษณะสำคัญของเชื้อสกุลต่าง ๆ ที่อยู่ในกลุ่มนี้แสดงไว้ในตารางที่ 5

กลุ่มที่ 29 Streptomycete และสกุลที่ใกล้เคียง

แบคทีโรนัยซีส์ในกลุ่มนี้มีทั้งสิ้น 4 สกุล คือ *Streptomyces*, *Streptoverticillium*, *Kineosporia* และ *Sporichthya* ลักษณะที่สำคัญของเชื้อในกลุ่มนี้คือ เส้นใยเป็นแบบไม่มีผนังกัน มีเส้นใยชูขึ้นมาในอากาศ เมื่อเจริญเติบโตจะสร้างสปอร์เป็นลูกโซ่ มีจำนวนสปอร์ตั้งแต่ 3 สปอร์ขึ้นไป ติดสีแกรมบวก ผิวของโคลนีมีลักษณะย่นเมื่อมีอายุมาก เมื่อสร้างสปอร์ ที่ผิวน้ำของเส้นใยมีลักษณะเป็นฝุ่นผง ซึ่งก็คือสปอร์ที่สร้างขึ้นนั่นเอง เชื้อในกลุ่มนี้มี DAP ที่ผนังเซลล์เป็นแบบ LL-DAP ลักษณะอื่น ๆ ของเชื้อในกลุ่มนี้แสดงในตารางที่ 6

ตารางที่ 5 ลักษณะสำคัญของแอกตินoplanete ในกลุ่ม Actinoplanete

Characteristics	<i>Actinoplane</i>	<i>Ampullariella</i>	<i>Pilimelia</i>	<i>Dactylo-sporangium</i>	<i>Micro-monospora</i>
Sporangium	+	+	+	+	-
Oligosporous	-	-	-	+	-
Multisporous	+	+	+	-	-
Sporangiospores (motile)	+	+	+	+	-
Spherical (0.8–2.0 μm); polar flagella	+	-	-	-	-
Oblong, ellipsoidal, ovoid, pyriform (0.4–1.3 \times 0.5–1.8 μm); polar flagella	-	-	-	+	-
Rod-shaped (0.5–1.0 \times 2.0–4.0 μm); polar flagella	-	+	-	-	-
Rod-shaped (0.3–0.7 \times 0.7–1.5 μm); lateral flagella	-	-	+	-	-
Single spores (nonmotile)	- ^b	- ^b	- ^b	+ ^c	+
Spherical (0.7–1.5 μm); in clusters	-	-	-	-	+
Spherical (1.7–2.8 μm); not in clusters	-	-	-	+ ^c	-
Decompose hairs (keratin)	-	-	+	-	-

^a Symbols: +, 90% or more of strains are positive; -, 10% or less of strains are positive.

^b "Conidia" with shape and arrangement similar to those of the sporangiospores or intercalary "chlamydospores" may be produced.

^c "Globose spores" or "globose bodies" are produced.

ที่มา: Williams *et al.* (1989)

ตารางที่ 6 ลักษณะสำคัญของแอคติโนมัยซีสกุลต่าง ๆ ในกลุ่ม Streptomycete และสกุลที่ใกล้เคียง

Characteristics	<i>Streptomyces</i>	<i>Strepto-verticillium</i>	<i>Kineosporia</i>	<i>Sporichthya</i>
Colony size	Discrete	Discrete	Small	Microscopic
Substrate mycelium	+	+	+	-
Spores	±	-	-	-
Sporangia	-	-	+	-
Motile spores	-	-	+	-
Aerial mycelium	+	+	-	+
Chains of arthrospores	+	+	-	+
Arthrospores in verticils	-	+	-	-
Spore surface smooth	+	+	-	+
Spore surface hairy, spiny, or warty	+	-	-	-
Motile spores	-	-	-	+
Sugars in cell hydrolysates	-	-	+	-
Arabinose, galactose, xylose				
Lipid characters	PII MK-9(H ₆) or MK-9(H ₈)	PII MK-9(H ₆) or MK-9(H ₈)	PIII MK-9(H ₄)	ND MK-9(H ₆) or MK-9(H ₈)
Predominant menaquinones				
Fatty acids				
Saturated straight chain	+	+	ND	+
Iso-/anteiso- branched	+	+	ND	+
Unsaturated	-	-	ND	+
10-Methyl branched	-	-	ND	+
Mol% G + C of DNA	69-78	69-73	ND	ND

^aSymbols: +, 90% or more of strains are positive; -, 10% or less of strains are positive; ND, not determined.

^bCategories of Lechevalier et al. (1977).

ที่มา: Williams et al. (1989)

กลุ่มที่ 30 Maduromycete

แอคติโนมัยซีสในกลุ่มนี้มีทั้งสิ้น 7 สกุล ได้แก่ *Actinomadura*, *Microbispora*, *Microtetraspera*, *Planobispora*, *Planomonospora*, *Spirillospora* และ *Streptosporangium* เข้าในกลุ่มนี้สร้างเส้นใยอาหารที่มีการแตกแขนง และมีเส้นใยอาหารที่มีการสร้าง arthrospore ที่มีลักษณะเป็นสายสั้น หรือใน sporangium ที่มี 1 ถึงหลายสปอร์ ผนังเซลล์เป็นแบบที่ III มี DAP เป็นแบบ meso-DAP (Lechevalier et al., 1971) น้ำตาลที่อยู่ในเซลล์คือน้ำตาล 3-O-methy-D-galactose (madurose) ลักษณะอื่น ๆ ของเชื้อในกลุ่มนี้แสดงในตารางที่ 7

ตารางที่ 7 ลักษณะสำคัญของแอกติโนมัชีสสกุลต่าง ๆ ในกลุ่ม Maduromycete และสมาชิกที่มี
นำตามาดูโรสในเซลล์

Characteristics	Maduromycetes							Other madurose-containing taxa		
	I. <i>Actinomadura madureae</i> group	II. <i>Actinomadura pusilla</i> group	III. <i>Microbispora</i>	IV. <i>Microtetraspore</i>	V. <i>Planobispora</i>	VI. <i>Spirillospora</i>	VII. <i>Streptosporangium</i>	<i>Dermatophilus</i>	<i>Frankia</i>	
Morphological characters										
Substrate hyphae dividing in more than one plane	-	-	-	-	-	-	-	-	+	
Spores-aerial mycelium										
Absent or short chains	+	+	-	-	-	-	-	-	-	
Paired	-	-	+	-	-	-	-	-	-	
Mostly in chains of four	-	-	-	+	-	-	-	-	-	
Sporangiospores	-	-	-	-	+	+	+	+ ^c	+ ^c	
Spores per sporangium	ND	ND	ND	ND	Two	One	Many	Many	Many ^c	
Spore motility	-	-	-	-	+	+	+	+	-	
Symbionts in plant nodules	-	-	-	-	-	-	-	-	+	
Chemical characters										
Fatty acid type ^d	3a	3c	3c	3c	3c	3c	3a	3c	1a	ND
Phospholipid pattern ^e	PI	PIV	PIV	PIV	PIV	PIV	PI,II	PIV	PI	PI
Predominant menaquinone (MK-)	9(H ₆) 9(H ₂) 9(H ₄)	9(H ₀) 9(H ₂) 9(H ₄)	9(H ₀) 9(H ₂) 9(H ₄)	9(H ₀) 9(H ₂) 9(H ₄)	9(H ₂) 9(H ₄) 9(H ₆)	9(H ₀) 9(H ₂) 9(H ₄)	9(H ₁) 9(H ₅)	9(H ₂) 9(H ₄)	8(H ₄) 9(H ₄)	ND
Mol% G + C of DNA	66-69	64-69	67-74	66	70-71	72	71-73	69-71	57-59	66-71

^aData from Fischer et al. (1983), Collins et al. (1984), Goodfellow and Cross (1984), Athalyé et al. (1985), Fischner et al. (1985), and Goodfellow and Williams (1986).

^bSymbols: +, present; -, absent; ND, not determined.

^cAerial mycelium not formed, multilocular sporangia borne on the substrate mycelium.

^dFatty acid types: 1a, saturated and unsaturated acids; 3a, saturated, unsaturated, iso- (variable) and methyl-branched acids; 3c, saturated, unsaturated, iso-, anteiso- (variable), and methyl-branched acids (Kroppenstedt, 1985).

^eCharacteristic phospholipids: PI, phosphatidylglycerol (variable); PII, only phosphatidylethanolamine; PIII, phosphatidylcholine (with phosphatidylethanolamine, phosphatidylmethyllethanolamine, and phosphatidylglycerol variable, no phospholipids containing glucosamine); PIV, phospholipids containing glucosamine (with phosphatidylethanolamine and phosphatidylmethyllethanolamine variable); PV, phospholipids containing glucosamine and phosphatidylglycerol. All preparations contain phosphatidylinositol (Lechevalier et al., 1977, 1981).

ที่มา: Williams et al. (1989)

กลุ่มที่ 31 Thermomonospora และสกุลที่ใกล้เคียง

แบคตีโนมัชีสในกลุ่มนี้มีทั้งสิ้น 4 สกุล ได้แก่ *Thermomonospora*, *Actinosynnema*, *Nocardiopsis* และ *Streptoalloteichus* กลุ่มนี้เป็นเชื้อที่ต้องการอากาศในการเจริญ และสร้างสปอร์ อยู่บนเส้นใยที่แตกกิ่งก้านชิ้นในอากาศ ผนังเซลล์เป็นแบบที่ III มี DAP เป็นแบบ *meso-DAP* ไม่มี mycolic acid มี menaquinone ที่มี isoprenoid จำนวน 9-10 หน่วย (MK-9, MK-10) การเรียงตัว และลักษณะของสปอร์จะแตกต่างกัน ไปในแต่ละสกุล ดังแสดงในตารางที่ 8

ตารางที่ 8 ลักษณะสัณฐานวิทยาของเชื้อแบคตีโนมัชีสในสกุล *Thermomonospora* และสกุลที่ใกล้เคียง

Characteristics	Genus I <i>Thermomonospora</i>	Genus II <i>Actinosynnema</i>	Genus III <i>Nocardiopsis</i>	Genus IV <i>Streptoalloteichus</i>
Single spores	+	-	-	-
Chains of arthrospores	-	+	+	+
Sporangia-like structures	-	-	-	+
Synnemata	-	+	-	-
Motile spores	-	+	-	+

“Symbols: +, positive; -, negative.

ที่มา: Williams *et al.* (1989)

กลุ่มที่ 32 Thermoactinomycete

กลุ่มนี้มีเพียง 1 สกุล คือ *Thermoactinomyces* ซึ่งเป็นพากที่เจริญได้ดีที่อุณหภูมิสูง แต่เจริญได้ไม่ดีที่อุณหภูมิต่ำกว่า 45 องศาเซลเซียส เชื้อในกลุ่มนี้จะมีการสร้าง endospore ที่ทนความร้อนได้ดี มีปริมาณเบส guanine และ cytosine ต่ำกว่าแบคตีโนมัชีสทั่ว ๆ ไป โดยมีความสัมพันธ์ใกล้เคียงกับเชื้อแบคทีเรีย *Bacillus* แต่มีการพัฒนาสร้างเส้นใยได้ดี และมีสัณฐานวิทยาที่แตกต่างจากแบคทีเรีย *Bacillus* นอกจากนั้นเชื้อกลุ่มนี้ยังเป็นพากที่ชอบอยู่บนสลายเศษซาก ผนังเซลล์กลุ่มนี้เป็นแบบที่ III ส่วน menaquinone เป็นแบบไม่อ่อนตัว เช่น MK-7 หรือ MK-9 ในสปอร์มี dipicolinic acid อยู่ด้วย

กลุ่มที่ 33 แอคติโนมัยซีสกุลอื่น ๆ

แอคติโนมัยซีสในกลุ่มนี้มีทั้งสิ้น 4 สกุล คือ *Glycomyces*, *Kibdelosporangium*, *Kitasatosporia* และ *Saccharothrix* เป็นกลุ่มที่ยังหาความสัมพันธ์กับแอคติโนมัยซีสกุลอื่น ๆ ไม่ได้ โดยเมื่อเปรียบเทียบลักษณะกับสกุลอื่น ๆ ดังแสดงในตารางที่ 9

ตารางที่ 9 ลักษณะสำคัญของแอคติโนมัยซีสสกุลต่าง ๆ ของแอคติโนมัยซีสในกลุ่มอื่น ๆ

Genus	Cell wall type ^a	Whole-cell sugars ^b	Phospholipid group ^c	Principal menaquinone(s)	Mol% G + C	Fragmentation of DNA substrate ^d	Fragmentation of mycelium ^d
<i>Actinomadura</i>	III	mad	PI	MK-9(H ₄ ,H ₆)	66-70	-	-
<i>Actinopolyspora</i>	IV	ara, gal	PIII	MK-9(H ₄)	64	-	-
<i>Amycolata</i>	IV	ara, gal	PIII	MK-8(H ₂ ,H ₄)	68-71	+	
<i>Amycolatopsis</i>	IV	ara, gal	PII	MK-9(H ₂ ,H ₄)	66-69	+	
<i>Faenia</i>	IV	ara, gal	PIII	MK-9(H ₄)	66-68	±	
<i>Glycomyces</i>	II	xyl, ara	PI	MK-10(H ₂ ,H ₆)	71-73	-	-
<i>Kibdelosporangium^e</i>	IV	ara, gal	PII	ND ^f	66	+	
<i>Kitasatosporia</i>	III ^g	gal	PII	ND	66-73	-	-
<i>Microtetraspora</i>	III	mad	PI, PIV	MK-9(H ₄)	ND	-	-
<i>Nocardioides</i>	I	none	PI	MK-8(H ₄)	66-67	+	
<i>Nocardiopsis</i>	III	none	PIII	MK-10(H ₄)	64-69	+	
<i>Pseudonocardia</i>	IV	ara, gal	PIII	MK-9(H ₄)	79	+	
<i>Saccharopolyspora</i>	IV	ara, gal	PIII	MK-9(H ₄)	77	+	
<i>Saccharothrix</i>	III	rha, gal	PII	MK-9(H ₄)	70-76	+	
<i>Streptomyces</i>	I	none	PII	MK-9(H ₆ ,H ₈)	69-78	-	-

^aCell wall composition classified according to Lechevalier and Lechevalier (1970b).

^bmad, madurose; ara, arabinose; gal, galactose; xyl, xylose; rha, rhamnose.

^cPhospholipid grouping according to Lechevalier et al. (1977).

^dSymbols: +, positive; -, negative; ±, weak.

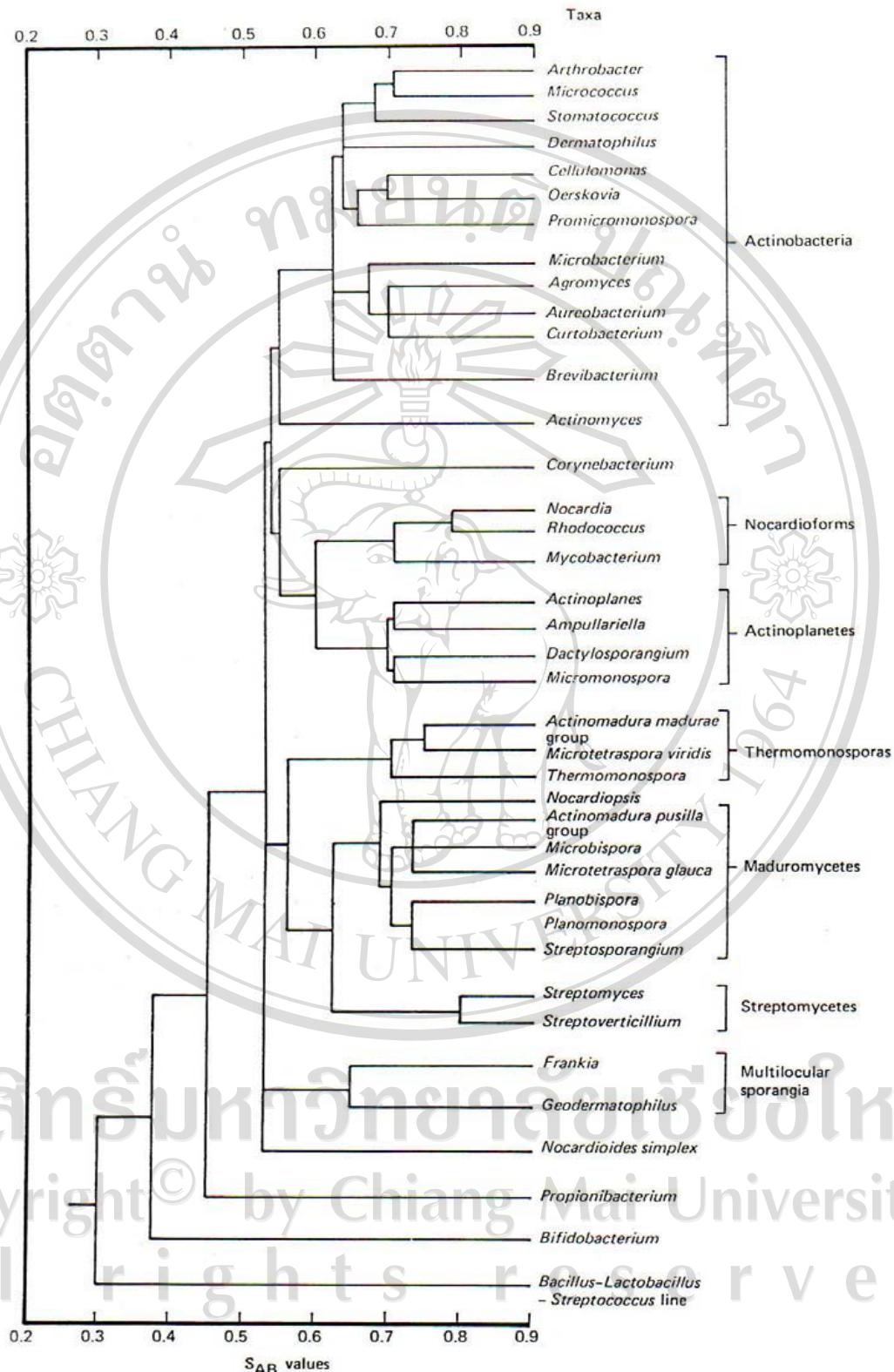
^eSporangium-like structures on aerial hyphae.

^fND, no data available.

^gSpores formed on both aerial and substrate mycelium contain L-diaminopimelic acid and glycine (type I wall).

ที่มา: Williams et al. (1989)

Bergey's Manual of Systematic Bacteriology เล่ม 4 (Williams et al., 1989) ยังได้ศึกษาความสัมพันธ์ของเชื้อแอคติโนมัยซีสโดยอาศัยความคล้ายคลึงของยีน 16S rDNA สามารถจัดกลุ่มแอคติโนมัยซีสได้ 6 กลุ่ม ซึ่งประกอบด้วย Nocardioform, Multilocular sporangia, Actinoplanete, Streptomycete, Madromycete และ Thermomonospora (ภาพที่ 3) นอกจากนี้ Stackebrandt et al. (1997) ได้เสนอการจัดหมวดหมู่แบบใหม่ให้แอคติโนมัยซีสสูกจัดอยู่ในชั้น Actinobacteria อันดับ Actinomycetales ซึ่งมีทั้งหมด 10 วงศ์ (ภาพที่ 4) ซึ่งอาศัยพื้นฐานความสัมพันธ์ของลำดับเบสของยีน 16S rDNA ในการจัดจำแนก



ภาพที่ 3 ความสัมพันธ์เชิงวิวัฒนาการของยีน 16S rDNA จากแอกติโนมัยซีสกุลต่าง ๆ

ที่มา: Williams *et al.* (1989)

Class Actinobacteria

Subclass Acidimicrobidae	Order Acidimicrobiales	Family Acidimicrobiaceae		
Subclass Rubrobacteridae	Order Rubrobacterales	Family Rubrobacteriaceae		
Subclass Coriobacteridae	Order Coriobacterales	Family Coriobacteriaceae		
Subclass Sphaerobacteridae	Order Sphaerobacterales	Family Sphaerobacteriaceae		
Subclass Actionobacteridae	Order Actionobacterales	Family Actionobacteriaceae		
Suborder Actinomycineae	Suborder Micrococcineae	Suborder Corynebacterineae	Suborder Micromonosporineae	Suborder Propionibacterineae
Family Actinomycetaceae	Family Micrococcaceae	Family Corynebacteriaceae	Family Micromonosporaceae	Family Propionibacteriaceae
Brevibacteriaceae	Brevibacteriaceae	Dieiziacae		Nocardioidaceae
Cellulomonadaceae	Cellulomonadaceae	Gordoniaceae		
Dermatophilaceae	Dermatophilaceae	Mycobacteriaceae		
Intrasporangiaceae	Intrasporangiaceae	Nocardiaceae		
Jonesiaceae	Jonesiaceae	Tsukamurellaceae		
Microbacteriaceae				
Promicromonosporaceae				
Suborder Pseudonocardineae	Suborder Streptomycineae	Suborder Streptosporangineae	Suborder Frankineae	Suborder Glycomycineae
Family Pseudonocardiaceae	Family Streptomycetaceae	Family Streptosporangiaceae	Family Frankiaceae	Family Glycomycetaceae
		Nocardiopsaceae	Acidothermaceae	
		Thermomonosporaceae	Geodermatophilaceae	
			Microsphaeraceae	
			Sporichthyaceae	

Order Bifidobacterales

Family Bifidobacteriaceae

ภาพที่ 4 การจัดประเภทแบคทีเรียในมหัสsettแบบใหม่ โดยอาศัยลำดับเบสของยีน 16S rDNA

ที่มา: Stachebrandt *et al.* (1997)

**Copyright © by Chiang Mai University
All rights reserved**

หน้าที่และความสำคัญของเชื้อแบคทีโรมัยชีส

เชื้อแบคทีโรมัยชีสจัดเป็นจุลินทรีย์ที่มีบทบาทสำคัญต่อมนุษย์มากชนิดหนึ่ง โดยเฉพาะในสกุล *Streptomyces* เนื่องจากเป็นกลุ่มที่พบมากในธรรมชาติ ที่สามารถเจริญเติบโตได้รวดเร็ว ซึ่งหน้าที่สำคัญของเชื้อแบคทีโรมัยชีส ได้แก่

1. การย่อยสลายอินทรีย์ตั้งต้น

เชื้อแบคทีโรมัยชีสในธรรมชาติส่วนใหญ่เจริญอยู่ในดิน มีความสามารถในการย่อยสลายองค์ประกอบของอินทรีย์ตั้งต้น โดยเฉพาะอย่างยิ่งส่วนประกอบของพืช และสัตว์ที่ทนทานต่อการย่อยสลายโดยจุลินทรีย์อื่น ๆ กล่าวคือ ในช่วงที่มีอินทรีย์ตั้งต้นในดินมากจะมีพากเบกทีเรีย และเชื้อราเจริญอยู่มาก ส่วนแบคทีโรมัยชีสจะเจริญตามมาในภายหลัง เพราะเชื้อแบคทีโรมัยชีสเจริญเติบโตได้ช้าจะเจริญได้ดีต่อเมื่อจุลินทรีย์ที่เป็นคู่แข่งได้ลดปริมาณลงแล้ว โดยช่วยย่อยสลายกรดอินทรีย์นำพาลงน้ำต่าง ๆ เป็น ไนโตร และ โปรตีน สำหรับแบคทีโรมัยชีสที่สามารถย่อยสลาย cellulose และ hemicellulose ได้ดี พบว่าเป็นเชื้อในสกุล *Streptomyces* มากที่สุด รองลงมาได้แก่ เชื้อแบคทีโรมัยชีสสกุล *Micromonospora*, *Streptosporangium*, *Nocardia* และ *Microbispora* (Alexander, 1977) นอกจากนี้ยังมีแบคทีโรมัยชีสที่สามารถย่อยสลาย cellulose ได้ดีที่อุณหภูมิสูง คือแบคทีโรมัยชีสในสกุล *Thermomonospora* และ *Streptomyces* เนื่องจากสามารถเจริญได้ดีที่อุณหภูมิสูง (Czoch and Mordarski, 1988)

สำหรับการย่อยสลาย lignin ในธรรมชาติส่วนใหญ่จะเป็นกิจกรรมของเชื้อราก โดยเฉพาะเห็ดชนิดต่าง ๆ อย่างไรก็ตาม มีรายงานว่าแบคทีโรมัยชีสบางชนิดที่สามารถย่อยสลาย lignin ได้ เช่น สกุล *Streptomyces* และ *Micromonospora* เป็นต้น ส่วนกรณีของไคตินน้ำหนักกว่า 90 เปอร์เซ็นต์ของ chitin จะถูกย่อยสลายโดยแบคทีโรมัยชีสในสกุล *Streptomyces* และ *Micromonospora* เช่นกัน แบคทีโรมัยชีสส่วนใหญ่สามารถใช้เปลี่ยนแปลงการรับอน และ โปรตีนเป็นแหล่งไนโตรเจนได้ โดยแบคทีโรมัยชีสที่พบว่าสามารถย่อยสลายแป้ง และ โปรตีนได้ดี เช่น *Streptomyces*, *Nocardia* และ *Micromonospora* เป็นต้น ส่วนการย่อยสลายสารอินทรีย์ชนิดอื่น ๆ ได้แก่ paraffin, phenol, steroid และ pyrimidine พบว่าเป็นกิจกรรมของแบคทีโรมัยชีสในสกุล *Nocardia* มากกว่าสกุลอื่น ส่วนเชื้อในสกุล *Micromonospora* มีบทบาทในการย่อยสลาย chitin, cellulose, glucoside, pentosane และ lignin (Alexander, 1977)

2. ความสามารถในการผลิตเอนไซม์ที่มีความสำคัญในอุตสาหกรรม

แบคทีโรมัยชีสบางชนิดสามารถผลิตเอนไซม์ที่ย่อยสลายสารอินทรีย์ ที่มีไมเลกุลขนาดใหญ่ ที่มีความสำคัญทางอุตสาหกรรม เชื้อแบคทีโรมัยชีสที่สร้างเอนไซม์ย่อยสลาย cellulose และ xylan ที่ใช้ในอุตสาหกรรมที่สำคัญ คือ *Thermomonospora* และ *Streptomyces* ส่วนเชื้อแบคทีโร-

มัชีสที่สร้างเอนไซม์ย่อยสลาย chitin ที่สำคัญ ได้แก่ *S. griseus*, *S. antibioticus* และ *Amycolatopsis orientalis* (Czoch and Mordarski, 1988) เช่น *S. rubiginosus*, *S. bambergensis*, *S. violaceoniger* และเชื้อในกลุ่ม *Ampullariella* sp. ใช้ผลิตเอนไซม์ glucose-isomerase (Backe, 1983) นอกจากนี้ยังมีการผลิต thermostable glucoamylase โดยเชื้อ *Streptosporangium* sp. (Stamford *et al.*, 2002) และผลิต thermostable α -amylase โดยเชื้อ *Nocardiopsis* sp. (Stamford *et al.*, 2001) เพื่อนำไปใช้ในการย่อยแป้งในอุตสาหกรรม เอนไซม์ที่ได้สามารถทำงานได้ 100 เปอร์เซ็นต์ ที่อุณหภูมิ 70 องศาเซลเซียส นอกจากความสามารถในการผลิตเอนไซม์ที่ใช้ใน อุตสาหกรรมแล้ว ยังมีความสามารถในการย่อยสลายสารพิษชนิดต่าง ๆ เช่น การย่อยสลาย aliphatic-aromatic copolyester โดยเชื้อ *Thermomonospora fusca* (Witt *et al.*, 2001) และการย่อย สลาย 1, 4-dioxane โดยเชื้อ *Amycolata* sp. CB1190 (Kelley *et al.*, 2001) เป็นต้น

3. ความสามารถในการตรึงในโครงสร้างและละลายฟอสเฟตในรูปที่พื้นนำไปใช้ได้ เชื้อแบคทีโนมมัชีสบางชนิดสามารถตรึงในโครงสร้างในอากาศได้ เช่น เชื้อในสกุล *Nocardia* และยังมีเชื้อแบคทีโนมมัชีสที่อาศัยอยู่ร่วมกับพืชแล้วสามารถตรึงในโครงสร้างในอากาศได้ คือ *Frankia* (Alexander, 1977) นอกจากนี้ยังมีรายงานถึงความสามารถของเชื้อ *Streptosporangium* ที่ แยกได้จากเดิมที่เป็นกรด โดยเชื้อกลุ่มนี้มีความสามารถผลิตกรดที่ช่วยละลายหินฟอสเฟตให้อยู่ใน รูปที่พื้นสามารถนำไปใช้ได้ ในกลุ่มนี้สามารถผลิตกรดโดยการย่อยสลายเซลลูโลสซึ่งสามารถ ละลายหินฟอสเฟตได้ (Caroline, 1997)

4. ความสามารถในการนำไปควบคุมศัตรูพืช

มีรายงานการใช้เชื้อแบคทีโนมมัชีสในการควบคุมเชื้อรากที่ทำให้เกิดโรคกับพืช เช่น เชื้อ *Streptomyces lydicus* WYE108 ซึ่งสามารถผลิตเอนไซม์ไคตินส์ที่มีสมบัติในการต่อต้านเชื้อ ราจึงมีการนำมาใช้ควบคุมเชื้อรากพืชอย่างกว้างขวาง นอกจากเอนไซม์ไคตินสแล้ว เชื้อชนิดนี้ ยังสามารถสร้างสารต่อต้านเชื้อราก และสารต่อต้านเชื้อแบคทีเรียชนิดอื่น ๆ ได้ ดังนั้นจึงมีการใช้เชื้อ ชนิดนี้ในการควบคุมเชื้อรากที่เป็นสาเหตุของโรคพืชชนิดที่ทำให้เกิดโรคกับพืช (Mahadevan and Crawford, 1997) จากการศึกษาเชื้อ *Streptomyces* sp. ที่อาศัยอยู่กับรากพืชในกลุ่ม อัลฟิลฟ้า พบว่า เชื้อ *Streptomyces* sp. สามารถผลิตสารปฏิชีวนะที่ป้องกันการเกิดโรคใบจุดของพืช ในกลุ่มนี้ ดังนั้นจึงได้นำไปใช้ในการควบคุมเชื้อรากพืชอื่น ๆ ที่เกี่ยวกับระบบบราก (Samac *et al.*, 2003) นอกจากนี้ยังมีการศึกษาเชื้อ *Streptoverticillium albireticulii* ซึ่งมีสมบัติในการต่อต้านเชื้อราก ก่อโรคที่อยู่ในเดิน เช่น *Rhizoctonia solani*, *Phytophthora cinnamomi* และ *Fusarium oxysporum* (Park *et al.*, 2002) เป็นต้น นอกจากนี้ยังมีรายงานโดยวิชร (2544) ที่คัดแยก *Streptomyces* 9 สายพันธุ์ ที่สามารถสร้างสารต่อต้านเชื้อ *Colletotrichum* sp. สาเหตุโรคแอนแทรกโนสในพืชได้

ส่วนรายงานการใช้สาร fungichomin ที่ผลิตโดย *Streptomyces padanus* ในการควบคุมโรคเน่าคอดินในกะหล่ำปลีซึ่งมีสาเหตุมาจากการเชื้อรา *Rhizoctonia solani* (Shih et al., 2003)

5. ความสามารถในการผลิตสารปฎิชีวนะ

แอคติโนมัยซีสเป็นจุลินทรีย์กลุ่มสำคัญ ที่สามารถสร้างสารออกฤทธิ์ทางชีวภาพหลายชนิด ได้แก่ สารปฎิชีวนะต่อต้านเชื้อแบคทีเรีย เชื้อรา ไวรัส ที่มีความสำคัญทางการแพทย์ และ เกสัชกรรม นอกจากนี้ยังผลิตสารกำจัดแมลง สารปรบวนวัชพืช รวมไปถึงสารต้านมะเร็ง และสารกดระบบภูมิคุ้มกัน (Waksman and Lechevalier, 1962; Goodfellow et al., 1988; Lazzarini et al., 2000) จากข้อมูลของ Antibiotic Literature Database (ABL) รายงานว่าสารออกฤทธิ์ทางชีวภาพที่สร้างโดยจุลินทรีย์ทั้งหมด 23,000 ชนิด พบร่วมมาจากเชื้อรา 42 เปอร์เซ็นต์ *Streptomyces* 32.1 เปอร์เซ็นต์ แบคทีเรียอื่น ๆ 10.8 เปอร์เซ็นต์ และแอคติโนมัยซีสที่หายาก 15.1 เปอร์เซ็นต์ ถ้าพิจารณาเฉพาะสารต่อต้านจุลชีพที่มีอยู่ประมาณ 8,000 ชนิด พบร่วมผลิตจาก *Streptomyces* 45.6 เปอร์เซ็นต์ เชื้อรา 21.5 เปอร์เซ็นต์ แบคทีเรีย 16.9 เปอร์เซ็นต์ และแอคติโนมัยซีสที่หายาก 16 เปอร์เซ็นต์ ซึ่งแบ่งเป็น *Micromonosporaceae* 38.1 เปอร์เซ็นต์ *Pseudonocardiaceae* 15 เปอร์เซ็นต์ *Thermomonosporaceae* 14 เปอร์เซ็นต์ *Nocardia* 11 เปอร์เซ็นต์ *Streptosporangiaceae* 6 เปอร์เซ็นต์ *Nocardioides* 2.6 เปอร์เซ็นต์ และอื่น ๆ อีก 13.3 เปอร์เซ็นต์ (Lazzarini et al., 2000)

สารปฎิชีวนะส่วนใหญ่ถูกสร้างขึ้น โดยเชื้อแอคติโนมัยซีสสกุล *Streptomyces* หลายชนิด ได้แก่ สารปฎิชีวนะต่อต้านแบคทีเรีย เช่น ampicillin และ penicillin-N ซึ่งมีโครงสร้างเป็นวง β -lactam ที่มีสมบัติยับยั้งการสร้างเพปติโดไกลแคนที่ผนังเซลล์ของแบคทีเรีย นอกจากนั้นยังพบว่า *S. clavuligerus* สามารถผลิต clavams (Muller et al., 1983) ไปยังการทำงานของเอนไซม์ β -lactamase ที่ผลิตโดย *Staphylococci* และแบคทีเรียแกรมลบ ส่วน streptomycin ที่ผลิตโดย *S. griseus* (Herzog, 1964) และ neomycin ที่ผลิตโดย *S. fradiae* (Sasarman et al., 1964) ออกฤทธิ์ต้านแบคทีเรียแกรมลบรูปแท่ง และรูปกลมบางชนิด รวมถึงแบคทีเรียแกรมบวกชนิดกลมบางประเภท และยังมีผลต่อเชื้อแบคทีเรีย *Mycobacterium tuberculosis* ด้วย สารที่มีสมบัติต่อต้านเชื้อรา ได้แก่ nystatin, polyoxin และ anthracycline สำหรับ anthracycline นอกจากเป็นสารต่อต้านเชื้อราแล้วยังเป็นสารต่อต้านมะเร็งได้ด้วย โดยไปยับยั้งเอนไซม์ topoisomerase II ทำให้ไม่สามารถเกิดการจำลองดีเอ็นเอได้ (Goodfellow et al., 1988) สารต่อต้านเชื้อรา และยีสต์ที่พบใน *Streptomyces* ส่วนใหญ่เป็นสารกลุ่ม polyene (Ball et al., 1957) มีสมบัติต่อต้านเชื้อรา และยีสต์ แต่มักไม่มีผลยับยั้งการเจริญของแบคทีเรีย (Norman et al., 1972) โดยมีกลไกในการเข้าทำลายเชื้อรา และยีสต์ได้ด้วยการเข้าไปจับกับ sterol ที่อยู่บนเยื่อหุ้มเซลล์ ทำให้โครงสร้างของเยื่อหุ้มเซลล์เปลี่ยนแปลงไปส่งผลให้เซลล์สูญเสียความสามารถในการควบคุมการผ่านเข้าออกของสารต่าง ๆ ดังนั้นเซลล์จึงไม่

สามารถดำรงชีพอยู่ได้ (Hamilton-Miller, 1973) สารต่อต้านเชื้อราที่พบใน *Streptomyces* มีหลายชนิด เช่น blasticidin S ผลิตโดย *S. griseochromogens* (Takeuchi *et al.*, 1958) kasugamycin ผลิตโดย *S. kasugaensis* (Sato, 1983) และ polyoxin D ผลิตโดย *S. cacaoi var. asoensis* (Isono and Suzuki, 1979) เป็นต้น

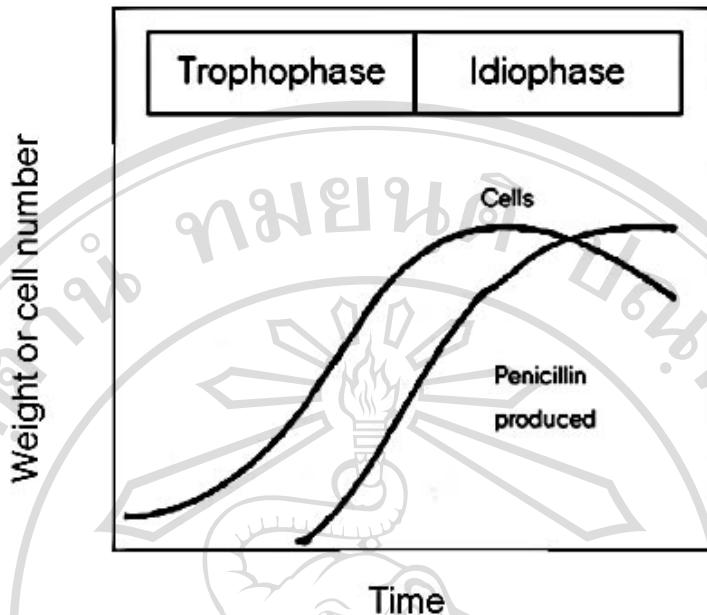
สารปฏิชีวนะ

สารปฏิชีวนะ หมายถึง สารประกอบที่ผลิตหรือสร้างขึ้นโดยจุลินทรีย์ชนิดใดชนิดหนึ่งอาจเป็นแบคทีเรีย เชื้อรา หรือแบคทีโนมัชีส สารที่ผลิตได้นี้สามารถยับยั้งหรือช่วยการเจริญเติบโตของจุลชีพกลุ่มใดกลุ่มนหนึ่งหรือมีฤทธิ์ไปทำลายจุลชีพกลุ่มนั้น ๆ ได้ (มาลิน, 2540)

สารปฏิชีวนะเป็นสารประกอบอินทรีย์ที่สร้างโดยจุลินทรีย์ มีคุณสมบัติในการออกฤทธิ์ยับยั้งการเจริญเติบโต หรือฆ่าทำลายเชื้อจุลินทรีย์ชนิดอื่นได้ สารปฏิชีวนะส่วนใหญ่ผลิตจากเชื้อเชื้อรา และแบคทีเรีย เช่น *Penicillium notatum* ผลิต penicillin, *Cephalosporium acremonium* ผลิต cephalosporin และ *Streptomyces griseus* ผลิต streptomycin การเจริญเติบโตของจุลินทรีย์จะสังเคราะห์สารชนิดต่าง ๆ ขึ้น สามารถแบ่งได้เป็น 2 ประเภท คือ primary metabolite และ secondary metabolite สาร primary metabolite ถูกสร้างขึ้นในช่วง primary metabolism เป็นช่วงที่มีการสังเคราะห์สารที่มีความจำเป็นต่อการเจริญเติบโต เช่น deoxyribonucleic acid, ribonucleic acid, protein, lipid และ polysaccharides ปฏิกิริยาต่าง ๆ ของ primary metabolism มีความสมดุลและไม่มีการสะสม สำหรับสาร secondary metabolite เป็นสารที่ไม่มีความจำเป็นต่อการเจริญ ส่วนใหญ่จะสร้างในช่วง late log phase จนถึงช่วง stationary phase ของการเจริญ (ภาพที่ 5) ระยะที่มีแต่การเจริญของเซลล์ซึ่งยังไม่สร้างสาร secondary metabolite เรียกอีกอย่างว่า tropophase และเรียกระยะที่มีการสร้างสาร secondary metabolite ว่า idiophase โดยสารที่สร้างขึ้นนี้ไม่มีบทบาทเกี่ยวข้องกับการเจริญของเซลล์ แต่มีประโยชน์ด้านการยับยั้งการสร้างไมเลกุลขนาดใหญ่บางชนิดในเซลล์ จึงช่วยรักษาพลังงานส่วนหนึ่งไว้ นอกจากนี้ ถ้าอยู่ร่วมกับจุลินทรีย์อื่นในสภาพแวดล้อมที่ต้องแก่กันและกัน เช่นในอาหาร สารที่สร้างขึ้นนี้จะช่วยยับยั้งหรือทำลายจุลินทรีย์ที่อยู่ร่วมข้างบ้างชนิดได้ จึงช่วยให้จุลินทรีย์ที่ผลิตสามารถแพร่ขันเพื่อมีชีวิตครอบคลุมได้ในธรรมชาติ (มาลิน, 2540)

สำหรับในรายงานของมาลิน (2540) ยังได้จัดสารปฏิชีวนะว่าเป็นสารที่มีความจำเพาะต่อเชื้อบางชนิดเท่านั้น ดังนั้นจึงพบว่ามีเชื้อเพียงบางกลุ่มเท่านั้นที่สามารถสร้างสารปฏิชีวนะได้ สารปฏิชีวนะที่จุลินทรีย์สร้างขึ้นมี 2 ชนิด คือ

1. ชนิดที่เป็นพิษเฉพาะต่อเชื้ออื่น (xenotoxic antibiotics) สารปฏิชีวนะพวกนี้จะต้านเชื้อกลุ่มอื่นเท่านั้น เช่น cycloheximide ที่ผลิตจากเชื้อแบคทีเรีย *B. griseus* ไม่มีฤทธิ์ต่อเชื้อแบคทีเรีย



ภาพที่ 5 ระยะที่มีการสร้างสารปฎิชีวนะของเชื้อในสภาวะการเลี้ยงเชื้อแบบ batch culture
(ที่มา: Tortora et al., 1992)

แต่มีฤทธิ์ต่อเซลล์ eukaryotic เช่น เชื้อรา โพรโตซัว และสัตว์เลี้ยงลูกด้วยนม ขณะที่ penicillin G ซึ่งผลิตจากเชื้อรา *P. chrysogenum* ออกฤทธิ์เฉพาะต่อเชื้อเชื้อแบคทีเรีย

2. ชนิดที่เป็นพิษต่อตัวเอง (autotoxic antibiotics) สารปฎิชีวนะพวกนี้จะเป็นพิษต่อจุลินทรีย์ที่ผลิตขึ้น ได้เช่นเดียวกับที่มีต่อเชื้อชนิดอื่น เช่น streptomycin ผลิตจากเชื้อ แอคติโนมัยซีส *Streptomyces griseus* เชื้อที่ผลิตนี้ไวต่อ streptomycin แต่ความไวนี้เกิดขึ้นในช่วงระยะเวลาหนึ่งของการเจริญ ดังนั้น จุลินทรีย์ที่ผลิตสารปฎิชีวนะลักษณะนี้จึงต้องหลีกเลี่ยงการทำลายตัวเองโดยสร้างกลไกการดีดขึ้นในช่วงขณะผลิตสาร

ชนิกานต์ (2544) รายงานว่าสารปฎิชีวนะที่เชื้อสร้างขึ้นพบว่ามีการสะสมอยู่ที่บริเวณ mycelium หรือสะสมในอาหารเลี้ยงเชื้อหรืออาจพบได้ทั้งในบริเวณ mycelium และในอาหารเลี้ยงสารปฎิชีวนะที่เชื้อสร้างขึ้นมีคุณสมบัติเป็นสารปฎิชีวนะที่สามารถละลายน้ำได้ (water soluble antibiotics) และสารปฎิชีวนะที่ไม่สามารถละลายน้ำได้ (water insoluble antibiotics) เช่นสารปฎิชีวนะในกลุ่ม polyene จัดเป็นสารปฎิชีวนะที่ไม่สามารถละลายน้ำได้ โดยมักพบในรูปของผลึกสะสมที่บริเวณผิวดองเซลล์หรือในอาหารเลี้ยงเชื้อ คุณสมบัติที่ปราฏนักจะขึ้นอยู่กับชนิดของเชื้อ และสภาพแวดล้อมที่เชื้อเจริญ สำหรับบทบาทหน้าที่ที่แท้จริงของสารปฎิชีวนะยังไม่เป็นที่เข้าใจ

อย่างแน่นชัด แต่มีผู้สนใจและมากเกี่ยวกับบทบาทและหน้าที่ของสารปฏิชีวนะที่เชื่อจุลินทรีย์สร้างขึ้นซึ่งได้แก่

1. สารปฏิชีวนะที่เชื่อสร้างขึ้นเป็นวิัฒนาการอันหนึ่งของเชื้อในการดำรงชีพ
2. เป็นของเสียที่เชื่อปล่อยออกมายในกระบวนการ metabolism
3. เป็นแหล่งที่เชื่อใช้สำหรับเก็บอาหารหรือเป็นสารที่เป็นส่วนประกอบของเยื่อหุ้มสปอร์ของเชื้อ
4. เป็นผลิตภัณฑ์ได้จากการแตกย่อยของสารประกอบที่มีโมเลกุลใหญ่ภายในเซลล์
5. สารปฏิชีวนะมีบทบาทในการฆ่า หรือขับยึดการเจริญของจุลินทรีย์อื่น ๆ ในธรรมชาติ อันเป็นการแก้ไขเพื่อความอยู่รอดของเชื้อ
6. การที่เชื่อผลิตสารปฏิชีวนะถือเป็นกลวิธีหนึ่ง ที่จะรักษาภารกิจการทำงานของเซลล์ให้เป็นไปอย่างปกติในระหว่างที่เชื้อไม่สามารถจะเจริญต่อไปได้ เนื่องจากสภาพแวดล้อมไม่เหมาะสม
7. การผลิตสารปฏิชีวนะเป็นวิธีการหนึ่ง ที่จะหลีกเลี่ยงมิให้เซลล์ของเชื่อจุลินทรีย์ตาย อันเนื่องมาจากการไม่สมดุลของการเจริญเติบโต
8. เป็นกลไกในการกำจัดสารพิษของเชื้อ
9. ช่วยในการขนส่งพวากໂโดยเข้าสู่เซลล์
10. ระงับการอักขระของสปอร์ของตัวเชื้อเอง

การจัดจำแนกสารปฏิชีวนะ

สารปฏิชีวนะที่ใช้ในปัจจุบันสามารถจำแนกได้หลายแบบ คือ

1. การจัดจำแนกตามลักษณะโครงสร้าง (Tortora *et al.*, 1992; Alcamo, 1994)

1.1 Penicillin โครงสร้างพื้นฐานประกอบด้วย 2 ส่วน คือ thiazolidine ring และ betalactam ring ทำปฏิกิริยารวมกันเป็น nucleus ของ penicillin เรียกว่า 6-aminopenicillanic acid (6-APA) ชนิดของ penicillin จะแตกต่างกัน ไปขึ้นอยู่กับตำแหน่ง side chain ของ betalactam เช่น ถ้าตำแหน่ง side chain เป็น benzyl group มีชื่อเรียกว่า penicillin G ตัวอย่างสารปฏิชีวนะในกลุ่มนี้ได้แก่ penicillin V และ penicillin F เป็นต้น

1.2 Cephalosporin มีสูตรโครงสร้างพื้นฐานคล้ายกับ penicillin แต่ต่างกันที่ cephalosporin มี dihydrothiazine ring และ thiazolidine ring เมื่อรวมกับ betalactam ได้เป็น nucleus ของ cephalosporin เรียกว่า 7-aminocephalosporinic acid (7-ACA) ตัวอย่างสารปฏิชีวนะกลุ่มนี้ได้แก่ cephalothin, cefamandole และ cefataxime

1.3 Aminoglycoside โครงสร้างพื้นฐานประกอบด้วย amino sugar เชื่อมต่อด้วย glycosidic bond ตัวอย่างสารปฏิชีวนะในกลุ่มนี้ได้แก่ streptomycin, neomycin และ gentamycin

1.4 Tetracycline มีโครงสร้างพื้นฐานที่เกิดจากการเชื่อมต่อกันด้วย benzene ring ทั้งหมด 4 วง เป็น hydronaphthalene nucleus

1.5 Chloramphenicol มีโครงสร้างพื้นฐานแบบ nitrobenzene

1.6 Macrolide โครงสร้างพื้นฐานเป็นแบบ macrocyclic lactone ring มี lactone เชื่อมต่อกับน้ำตาลหรือแอลกอฮอล์ มี carbon atom มากกว่า 20 ตัวขึ้นไป ตัวอย่างสารปฏิชีวนะในกลุ่มนี้ได้แก่ erythromycin, clarithromycin และ azithromycin

1.7 Polypeptide มีโครงสร้างพื้นฐานประกอบด้วย amino acid เชื่อมต่อกันด้วย peptide bond ตัวอย่างสารปฏิชีวนะในกลุ่มนี้ได้แก่ bacitracin และ polymyxin B

1.8 Vancomycin เป็นกลุ่มสารปฏิชีวนะที่มีโมเลกุลใหญ่มาก มีมวลโมเลกุลประมาณ 3,500 ประกอบด้วยน้ำตาลและ amino acid ที่ไม่ทราบสูตร โครงสร้างแน่นอน

1.9 Polyene เป็นกลุ่มสารปฏิชีวนะที่มี polyene เป็นองค์ประกอบ ตัวอย่างเช่น nystatin และ amphotericin

1.10 Rifamycin มีโครงสร้างพื้นฐานประกอบด้วย aromatic ring เชื่อมต่อกันด้วย aliphatic bridge มีอนุพันธ์ คือ rifampin

1.11 Griseofulvin มีโครงสร้างเป็นแบบ spirocyclic structure

1.12 Lincomycin มีโครงสร้างประกอบด้วย amino acid เชื่อมต่อกับ amino sugar ที่มีชื่อเพอร์วิลลิน

2. การจัดจำแนกสารปฏิชีวนะ ตามขอบเขตในการทำลาย (คงพร, 2530)

การนำสารปฏิชีวนะมาใช้ประโยชน์ จำเป็นต้องทราบถึงฤทธิ์ในการทำลายของจุลินทรีย์ โดยทั่วไปแบ่งออกเป็น 3 พาก คือ

2.1 Broad-spectrum antibiotics คือ สารปฏิชีวนะที่มีฤทธิ์ทำลายแบคทีเรียแกรมบวก รูปร่างกลม แบคทีเรียแกรมลบ เชื้อราและยีสต์ เช่น chloramphenical และ tetracyclines

2.2 Intermediate-spectrum antibiotics คือ สารปฏิชีวนะที่สามารถทำลายแบคทีเรีย แกรมบวกรูปร่างกลม แบคทีเรียแกรมลบ และกลุ่ม mycobacteria เช่น streptomycin, gentamycin, kanamycin และ neomycin

2.3 Narrow-spectrum antibiotics คือ สารปฏิชีวนะที่สามารถทำลายจุลินทรีย์พากได้พากหนึ่ง โดยอาจทำลายเฉพาะแบคทีเรียแกรมบวก หรือแกรมลบ เช่น penicillin G, erythromycin และ lincomycin

3. การจัดจำแนกตามกลไกการออกฤทธิ์ (Tortora *et al.*, 1992)

การออกฤทธิ์ในการทำลายจุลินทรีย์ของสารปฏิชีวนะ สามารถพิจารณาได้ 2 แบบ คือ สารปฏิชีวนะที่มีผลในการการฆ่าเชื้อได้โดยตรง (bactericidal) และที่มีผลในการยับยั้งการเจริญโดยจุลินทรีย์ไม่สามารถแบ่งตัวเพิ่มจำนวนได้ (bacteriostatic) สารปฏิชีวนะแต่ละกลุ่มนี้มีความสามารถในการทำลายเชื้อจุลินทรีย์ได้ต่างกัน ซึ่งกลไกการออกฤทธิ์ของสารปฏิชีวนะในการยับยั้งการเจริญ หรือทำลายจุลินทรีย์สามารถแบ่งออกเป็น 5 กลุ่ม ดังนี้

3.1. ออกฤทธิ์ยับยั้งการสร้างผนังเซลล์ของเชื้อ

penicillin และ cephalosporin จะป้องกันการเกิด crosslink ของ peptidoglycan ในขณะที่ bacitracin และ vancomycin ขับยั้งการทำงานของ peptidoglycan synthetase ซึ่งทำหน้าที่เชื่อมระหว่าง peptidoglycan backbone ของผนังเซลล์ ดังนั้นมีอิทธิพลต่อโครงสร้างของผนังเซลล์มีความอ่อนแอกลืนน้ำ ไม่สมบูรณ์ เซลล์ถูกย่อยสลายได้ในที่สุด

3.2. ออกฤทธิ์ทำลาย plasma membrane

สารปฏิชีวนะในกลุ่ม polypeptide ทำให้คุณสมบัติที่เป็น selective permeability ของ plasma membrane เสียไปหรือทำให้เกิดการรั่วไหลของสารออกจากเซลล์ หรือคุณสมบัติการเป็น osmotic barrier เสียไป

3.3. ออกฤทธิ์ในการยับยั้งการสังเคราะห์โปรตีน

สารปฏิชีวนะชนิด chloramphenicol และ erythromycin ออกฤทธิ์ที่ตำแหน่ง 50S หรือขับยั้งการสร้าง peptide bond ของสาย polypeptide สารปฏิชีวนะกลุ่ม aminoglycoside จะทำให้รูปร่างของ 30S และ 70S ribosome เปลี่ยนแปลง ทำให้การอ่านรหัสของยีนบน mRNA ไม่ถูกต้องมีผลในการสังเคราะห์โปรตีนผิดปกติ

3.4. ออกฤทธิ์ยับยั้งการสร้างสารสังเคราะห์ nucleic acid

สารปฏิชีวนะพาก rifamycin, nalidixic acid และ trimethoprim มีผลต่อกระบวนการ metabolism ของ nucleic acid ในกระบวนการเจริญของจุลินทรีย์ และมีคุณสมบัติในการเลือกออกฤทธิ์ทำลาย โดย nucleic acid เป็นสารอินทรีย์ที่สำคัญสำหรับสิ่งมีชีวิตในการควบคุม metabolism ของเซลล์ การควบคุมนี้อาจเป็นโดยทางตรง หรือ ทางอ้อมก็ได้ ดังนั้น การยับยั้งหน้าที่ของ nucleic acid จะทำให้ metabolism ของเซลล์ผิดปกติไปด้วย

3.5. ออกฤทธิ์ยับยั้งการสร้างสาร metabolite

สารปฏิชีวนะมีกลไกการออกฤทธิ์แบบ competitive inhibition เช่น sulfonamides มีสูตรโครงสร้างคล้ายกับ para-aminobenzoic acid (PABA) ซึ่งเป็นสารที่เชื่อว่าเป็นต้องนำไปใช้ในการสังเคราะห์ folic acid หรือ trimethoprim และ pyrimethamine มีสูตรโครงสร้างคล้ายกับ preridine

portion ของ dihydrofolate ออกฤทธิ์ขัดขวางเอนไซม์ dihydrofolate reductase ซึ่งเป็นเอนไซม์ที่เปลี่ยน dihydrofolic acid เป็น tetrahydrofolic acid

ปัจจัยที่มีอิทธิพลต่อการสร้างสารปฏิชีวนะ ส่วนประกอบของอาหารเดียงเชื้อ (ครุภัติ, 2541)

1. แหล่งคาร์บอน

การรับอนเป็นธาตุที่มีความสำคัญต่อเชื้อในการสังเคราะห์เซลล์และพลังงาน อัตราการเมtababolism ของอาหารที่เป็นแหล่งการรับอน มักจะมีอิทธิพลต่อการสร้างมวลเซลล์หรือผลผลิตทั้งสาร primary metabolite และ secondary metabolite ใน การสร้างสารปฏิชีวนะของเชื้อ พบว่าถ้าให้แหล่งการรับอนที่เชื้อสามารถดูดabsorb ได้อย่างรวดเร็วในปริมาณที่สูงจะทำให้เชื้อเจริญได้อย่างรวดเร็ว แต่อัตราการสร้างสารปฏิชีวนะจะต่ำ (สมใจ, 2537) ในการเลือกใช้แหล่งการรับอนเป็นส่วนประกอบในอาหารเดียงเชื้อเพื่อการสร้างสารปฏิชีวนะนั้น ขึ้นอยู่กับชนิดของเชื้อและชนิดของสารปฏิชีวนะที่เชื้อสามารถสร้างได้

2. แหล่งในไตรเจน

เชื้อแต่ละชนิดมีความสามารถในการใช้สารประกอบในไตรเจนได้แตกต่างกัน การใช้แหล่งในไตรเจนในขบวนการหมักเพื่อการสร้างสารปฏิชีวนะ ถ้าใช้สารประกอบในไตรเจนที่เชื้อสามารถดูดabsorb ได้อย่างรวดเร็ว อาจทำให้มีการสร้างสารปฏิชีวนะได้น้อย โดยทั่วไปจึงนิยมใช้แหล่งในไตรเจนที่เชื้อเมtababolism ได้อย่างช้า ๆ เช่น การสร้างสาร polyene นิยมใช้กากถั่วเหลืองเป็นแหล่งในไตรเจน เนื่องจากมีโปรตีนซึ่งเป็นแหล่งในไตรเจนที่เชื้อย่อยสลายและดูดซึมได้ช้า นอกจากนี้ปริมาณของในไตรเจนที่ใช้จะต้องได้ส่วนกับการรับอน คือ ต้องศึกษาหาค่า C/N ที่เหมาะสมสมดุล

3. อนินทรีย์ฟอสเฟต

สารในกลุ่มนินทรีย์ฟอสเฟตถ้ามีปริมาณสูงทำให้เชื้อเจริญดี แต่การสร้างสารปฏิชีวนะจะลดลง จึงจำเป็นต้องหาความเข้มข้นที่เหมาะสมต่อการเจริญและการสร้างสารปฏิชีวนะ

4. เกลืออนินทรีย์

เกลืออนินทรีย์ที่นิยมใช้เพื่อให้เชื้อมีการสร้างสารปฏิชีวนะได้ในปริมาณที่สูง ได้แก่ sodium chloride (NaCl) แต่ก็ต้องขึ้นอยู่กับชนิดของเชื้อและความเข้มข้นที่ใช้ด้วย ถ้าใช้ในปริมาณที่สูงบางครั้งอาจไปมีผลขับยับยั้งการเจริญของเชื้อได้

5. โลหะที่ต้องการในปริมาณน้อย

โลหะมีความจำเป็นเนื่องจากเป็น activator ของเอนไซม์ในการสร้างสารปฏิชีวนะ ได้แก่ ธาตุ Mn, Fe และ Zn

6. สารตั้งต้น

การเติมสารตั้งต้นลงไปในอาหารเลี้ยงเชื้อ จะทำให้เชื้อสร้างสารปฏิชีวนะได้เพิ่มขึ้น

7. ตัวขับยัง

ส่วนใหญ่ของการสังเคราะห์สารปฏิชีวนะ จะถูกขับยังด้วยสารปฏิชีวนะที่เชื้อสร้างขึ้นมาเรียกว่าเป็น feedback ของ end product อาจหลักเลี้ยงได้โดยการทำลายพันธุ์ที่เป็น feedback resistant mutants

8. สารชักนำ

เป็นสารที่ช่วยให้มีการสร้างสารปฏิชีวนะของเชื้อ เช่น การผลิต streptomycin จากเชื้อ *Streptomyces griseus* พบว่าสายพันธุ์ที่ผลิต streptomycin ได้ดี จะผลิต A-factor ที่มีบทบาทในการกระตุ้นการสังเคราะห์สารปฏิชีวนะของเชื้อ

9. ปัจจัยอื่น ๆ

ส่วนประกอบของอาหารเลี้ยงเชื้ออาจมีผลต่อการเปลี่ยนแปลงของ membrane permeability ซึ่งอาจทำให้การผลิตสารปฏิชีวนะเพิ่มหรือลดได้

สภาวะในการเลี้ยงเชื้อ (คงพร, 2537)

สำหรับสภาวะในการเลี้ยงเชื้อที่มีผลต่อการสร้างสารปฏิชีวนะของเชื้อจุลินทรีย์ มีรายงานโดยคงพร (2537) ไว้ดังนี้

1. ความเป็นกรดค่างของอาหารมีผลต่อการเจริญและการสร้างสารปฏิชีวนะของเชื้อ ดังนั้น จะต้องมีการเติมสารที่มีคุณสมบัติเป็นบัฟเฟอร์ เช่น CaCO_3 หรือ NaHCO_3

2. อุณหภูมิ เป็นสิ่งที่มีความจำเป็นที่จะต้องศึกษาถึงอุณหภูมิที่เหมาะสมต่อการเจริญและการสร้างสารปฏิชีวนะของเชื้อ เพราะอุณหภูมิที่เหมาะสมต่อการเจริญของเชื้ออาจจะไม่ใช้อุณหภูมิที่เหมาะสมต่อการสร้างสารปฏิชีวนะ

3. ออกซิเจน การสร้างสารปฏิชีวนะของเชื้อทุกชนิดมีความต้องการออกซิเจน แต่บริมาณออกซิเจนที่ละลายน้ำในน้ำพบว่ามีปริมาณต่ำ จึงจำเป็นต้องมีการให้ออกซิเจนในอาหารเหลวที่ใช้ในการเลี้ยงเชื้อเพื่อการสร้างสารปฏิชีวนะ

4. ปัจจัยอื่น ๆ เช่น ความดันภายในลังหมัก ค่า redox และแสง เป็นต้น