

เอกสารอ้างอิง

- คทาวุธ ชัยเลิศ. 2545. การจัดจำแนกรากแป้งที่เข้าทำลายพืชตระกูล Solanaceae โดยใช้ลักษณะทาง
สัณฐานวิทยาของการสืบพันธุ์แบบไม่อาศัยเพศ. ปัญหาพิเศษ วิทยาศาสตร์บัณฑิต
ภาควิชาโรคพืช คณะเกษตรศาสตร์. มหาวิทยาลัยเชียงใหม่.
- ชัยวัฒน์ โตอนันต์. 2546. เอกสารคำสอนวิชาเชื้อราแป้ง. ภาควิชาโรคพืช คณะเกษตรศาสตร์.
มหาวิทยาลัยเชียงใหม่. 117 หน้า.
- ชัยวัฒน์ โตอนันต์. 2548. เอกสารคำสอนวิชาเชื้อราแป้ง. ภาควิชาโรคพืช คณะเกษตรศาสตร์.
มหาวิทยาลัยเชียงใหม่. 117 หน้า.
- พงษ์เทพ บางทัพ. 2545. การจัดจำแนกรากแป้งที่เข้าทำลายพืชตระกูล Leguminosae โดยใช้ลักษณะทาง
สัณฐานวิทยาของการสืบพันธุ์แบบไม่อาศัยเพศ. ปัญหาพิเศษ วิทยาศาสตร์บัณฑิต
ภาควิชาโรคพืช คณะเกษตรศาสตร์. มหาวิทยาลัยเชียงใหม่.
- พิชิต ด้านสุขณรงค์. 2545. การจัดจำแนกรากแป้งที่เข้าทำลายวัชพืช โดยใช้ลักษณะทางสัณฐานวิทยาของ
การสืบพันธุ์แบบไม่อาศัยเพศ. ปัญหาพิเศษ วิทยาศาสตร์บัณฑิต ภาควิชาโรคพืช
คณะเกษตรศาสตร์. มหาวิทยาลัยเชียงใหม่.
- วนิดดา วัฒนวรวิทย์. 2546. การเก็บรวบรวม และศึกษาลักษณะทางสัณฐานวิทยาของเชื้อราแป้งใน
Subfamily Phyllactinoideae ในเขตจังหวัดเชียงใหม่. ปัญหาพิเศษ วิทยาศาสตร์บัณฑิต
ภาควิชาโรคพืช คณะเกษตรศาสตร์. มหาวิทยาลัยเชียงใหม่.
- สุชิน ปิตดาระเต. 2545. การจัดจำแนกรากแป้งที่เข้าทำลายพืชตระกูลแตง โดยใช้ลักษณะทาง
สัณฐานวิทยาของการสืบพันธุ์แบบไม่อาศัยเพศ. ปัญหาพิเศษ วิทยาศาสตร์บัณฑิต
ภาควิชาโรคพืช คณะเกษตรศาสตร์. มหาวิทยาลัยเชียงใหม่.
- Agrios, G. N. 1988. Plant Pathology. 3rd ed. Academic Press, Inc., London. 565 p.
- Braun, U. 1987. A monograph of the Erysiphales (powdery mildew). Beiheft Zur Nova Hedwigia.
89: 760 p.
- Braun, U. 1995. The Powdery Mildews (Erysiphales) of Europe. Gustav Fisher, Jena, New York.
337 p.
- Braun, U. and Takamatsu, S. 2000. Phylogeny of *Erysiphe*, *Microsphaera*, *Uncinula* (Erysiphaceae) and
Cystotheca, *Podosphaera*, *Sphaerotheca* (Cystothecaceae) inferred from rDNA ITS sequences-
some taxonomic consequences. Schlechtendalia. 4: 1-33.

- Braun, U., Cook, R. T. A., Inman, A. J. and Shin, H. D. 2002. The taxonomy of the powdery mildew fungi. *In: The Powdery Mildews: A comprehensive treatise*. Richard, R. B., William, R. B., Aleid, J. D. and Timothy, L. W. C. (eds). Mycol. Res. 2: 13-55.
- Burk, C. 1997. Molecular biology databases. pp. 1-30. *In: DNA and protein sequences analysis*. Rickwood, D. and Hames, B. D. (eds.). Oxford University Press, Oxford.
- Chunwongse, J., Bunn, T. B., Crossman, C., Jiang, J. and Tanksley, S. D. 1994. Chromosomal localization and molecular-marker tagging of the powdery mildew resistance gene (*Lv.*) in tomato. TAG Theoretical and Applied Genetics (Historical Archive). 89:1. 76-79.
- Cook, R. T. A., Inman, A. J. and Billings, C. 1997. Identification and classification of powdery mildew anamorphs using light and scanning electron microscopy and host range data. Mycol. Res. 101(8): 975-1002.
- Duncan, J. M., Cooke, D., Bireh, P. and Toth, R. 1998. Molecular variability in sexually reproducing fungal plant pathogens. pp. 19-39. *In: Molecular variability of fungal plant pathogens*. Bridge, P., Couteaudier, Y. and Clarkson, J. (eds.). CAB International, Wallingford.
- Felsenstein, J. 1985. Confidence limits on phylogenies: An approach using the bootstrap. Evolution 39: 783-791.
- Giatgong, P. 1980. Host Index of Plant Disease in Thailand. Mycology Branch, Plant Pathology and Microbiology Division, Department of Agriculture. Bangkok, Thailand. 118 p. (in Thai)
- Guadet, H., Julien, J., Lafay, J. F. and Brygoo, Y. 1989. Phylogeny of some *Fusarium* species, as determined by large-subunit rRNA sequence comparison. Mol. Biol. Evol. 6: 227-242.
- Hirata, K. 1942. On the shape of the germ tubes of Erysiphaceae. Bull. Chiba Coll. Hort. 5: 34-49.
- Hirata, T. and Takamatsu, S. 1996. Nucleotide sequence diversity of rDNA internal transcribed spacers extracted from conidia and cleistothecia of several powdery mildew fungi. Mycoscience. 37: 283-288.
- Jones, H. E., Whipps, J. M., Thomas, B. J., Carver, T. L. W. and Gurr, S. J. 2000. Initial events in the colonisation of tomatoes by *Oidium lycopersici*, a distinct powdery mildew fungus of *Lycopersicon* species. Can. J. Bot./ Rev. Can. Bot. 78(10): 1361-1366.
- Khodaparast, S. A., Takamatsu, S. and Hedjaroude, G. A. 2001. Phylogenetic structure of the genus *Leveillula* (Erysiphales: Erysiphaceae) inferred from the nucleotide sequences of the rDNA ITS region with special reference to the *L. taurica* species complex. Mycol. Res. 105(8): 909-918.

- Kishino, H. and Hasegawa, M. 1989. Evaluation of the maximum likelihood estimate of the evolutionary tree topologies from DNA sequence data, and the branching order in Hominoidea. *J. Mol. Evol.* 29: 170-179.
- Kiss, L. 2002. Advances in the identification of emerging powdery mildew fungi using morphological and molecular data. *Acta Microbiol Immunol Hung.* 49(2-3): 245-248.
- Kom-un, S. 2003. Powdery mildew fungi of Thailand: Integrated analyses of morphological and molecular characteristics. M. S. Thesis, Faculty of Bioresources, Mie University. Japan. 210 p.
- Kusaba, M. and Tsuge, T. 1995. Phylogeny of *Alternaria* fungi known to produce host-specific toxins on the basis of variation in internal transcribed spacers of ribosomal DNA. *Curr. Genet.* 28: 491-498.
- Liberato, J. R., Barreto, R. W. and Louro, R. P. 2004. *Streptopodium caricae* sp. Nov., with a discussion of powdery mildews on papaya and emended descriptions of the genus *Streptopodium* and *Oidium caricae*. *Mycol. Res.* 108: 1185-1194.
- Mills, P. R., Sreenivasaprasad, S. and Brown, A. E. 1992. Detection and differentiation of *Colletotrichum gloeosporioides* isolates using PCR. *FEMS Microbiol. Lett.* 98: 137-144.
- Mabaga, M. T., Klopfenstein, N. B., Kim, M. S. and Mmbaga, G. C. 2004. PCR-based identification of *Erysiphe pulchra* and *Phyllactinia guttata* from *Cornus florida* using ITS-specific primers. *For. Path.* 34: 321-328.
- Mori, Y., Sato, Y. and Takamutsu, S. 2000a. Evolutionary analysis of the powdery mildew fungi (Erysiphales) using nucleotide sequences of the nuclear ribosomal DNA. *Mycologia.* 92: 74-93.
- Mori, Y., Sato, Y. and Takamutsu, S. 2000b. Molecular phylogeny and radiation time of Erysiphales inferred from the nuclear ribosomal DNA sequences. *Mycoscience.* 41: 437-447.
- Page, R. D. M. and Holmes, E. C. 1996. *Molecular evolution: A Phylogenetic Approach*. Blackwell Science Ltd., London. 346 p.
- Posada, D. and Coandall, K. A. 1998. Model test: Testing the model of DNA substitution. *Bioinformatics.* 14: 817-818.
- Saitou, N. and Nei, M. 1987. The neighbor-joining method; A new method for reconstructing phylogenetic trees. *Mol. Biol. Evol.* 4: 406-425.
- Shin, H. D. 2000. *Erysiphaceae of Korea*. Department of Agricultural Biology, Korea University, Seoul. 320 p.

- Shin, H. D. and Young, J. C. 2003. *Phyllactinia Pistaciae* sp. Nov. on *Pistacia vera*. Mycotaxon, 87: 213-221.
- Sontirat, P., Pitakpaiwan, P., Khamhangridthirong, T., Choobamroong, W. and Kueprakone, U. 1994. Host Index of Plant Diseases in Thailand. 3rd ed. Plant Pathology and Microbiology Division, Department of Agriculture. Bangkok, Thailand. (in Thai)
- Swofford, D. L. 2001. PAUP*:Phylogenetic Analysis Using Parsimony (and other methods) 4.0b8. Sinauer Associates, Sunderland, Massachusetts.
- Takamatsu, S. 1998. PCR applications in fungal phylogeny. pp. 125-152. *In*: Applications of PCR in Mycology, Bridge, P. D., Arora, D. K. and Elander, R. P. (eds.). CAB International, New York.
- Takamatsu, S., Hirata, T., Sato, Y. and Normura, Y. 1999. Phylogenetic relationships of *Microspheera* and *Erysiphe* section *Erysiphe* (powdery mildews) inferred from the rDNA ITS sequences. Mycoscience. 40: 59-268.
- Takamatsu, S., Kano, Y. 2001. PCR primers useful for nucleotide sequencing of rDNA of the powdery mildew fungi. Mycoscience 42: 135-139.
- Takamatsu, S. 2005. Faculty of Bioresources, Mie University, Japan. Personal communication.
- Thompson, J. D., Gibson, T. J., Plewniak, F., Jeanmougin, F. and Higgins, D. G. 1997. The Clustal X windows interface: Flexible strategies for multiple sequence alignment aided by quality analysis tools. Nucleic Acids Research, 25: 4876-4882.
- To-anun, C., Sunawan, A., Limkaisang, S., Khom-un, S., Sato, Y. and Takamatsu, S. 2002. New Germination Type of Conidia of Powdery Mildews Found on *Phyllanthus* spp. pp. 108-203. *In*: Summary the First International Conference on Tropical and Subtropical Plant Disease. The Imperial Mae Ping Hotel Chiang Mai, Thailand.
- Watson, J. D., Hopkins, N. H., Roberts, J. W., Steitz, J. A. and Weimer, A. M. 1987. Molecular Biology of the Gene. The Benjamin/Cummings Publishing Company, California. 1163 p.
- White, T. J., Bruns, T., Lee, S., and Taylor, J. 1990. Amplification and direct sequencing of fungal ribosomal RNA genes for phylogenetics. *In*: PCR protocols: a guide to methods and applications. Edited by D. H. Gelfand, J. J. Sninsky, and T. J. White. Academic Press, New York. pp. 315-322.
- Yang, Z. 1994. Maximum likelihood phylogenetic estimation from DNA sequences with variable rates over sites: Approximate Methods. J. Mol. Evol. 39: 306-314.

Yawood, C. E. 1978. History and taxonomy of the powdery mildews. pp. 1-37. *In*: The Powdery Mildew. Spencer, D. M. (eds.). Academic Press, London, New York.



ลิขสิทธิ์มหาวิทยาลัยเชียงใหม่
Copyright © by Chiang Mai University
All rights reserved