

มหาวิทยาลัยเชียงใหม่
Chiang Mai University

ภาคผนวก

ภาคผนวก ก
อาหารเลี้ยงเชื้อและวิธีการเตรียม

Potato Dextrose Agar (PDA) ประกอบด้วย

มันฝรั่ง	200	g
dextrose	20	g
agar	15	g
น้ำกลั่น	1000	ml

ต้มชิ้นมันฝรั่งที่หั่นเป็นรูปสี่เหลี่ยมเล็กๆ ในน้ำกลั่น 500 ml เพื่อเดือดแล้วให้ต้มด้วยไฟอ่อนต่ออีกประมาณ 15 นาที จากนั้นกรองเอาแต่น้ำ ส่วนวุ้นและ dextrose นำมาต้มรวมกันในน้ำกลั่นอีก ส่วนจนละลายหมด นำส่วนผสมทั้งสองมารวมกันแล้วปรับปริมาตรให้ครบ 1000 ml เทใส่ขวดอาหารขวดละประมาณ 150 ml ปิดฝาขวดให้สนิท นำไปนึ่งฆ่าเชื้อที่ความดัน 15 ปอนด์ต่อตารางนิ้ว อุณหภูมิ 121 องศาเซลเซียส เป็นเวลานาน 15 นาที

Rose Bengal Agar (RBA) ประกอบด้วย

malt extract	20	g
agar	15	g
rose bengal	0.033	g
chloramphenical	0.05	g
น้ำกลั่น	1000	ml

ละลายส่วนผสมทั้งหมดในน้ำกลั่น 100 ml ต้มจนวุ้นละลาย เทใส่ขวดอาหาร นำไปนึ่งฆ่าเชื้อที่ความดัน 15 ปอนด์ต่อตารางนิ้ว อุณหภูมิ 121 องศาเซลเซียส เป็นเวลานาน 15 นาที

Corn Meal Agar (CMA) ประกอบด้วย

ข้าวโพดป่น	30	g
agar	15	g
น้ำกลั่น	1000	ml

ต้มข้าวโพดป่นในน้ำกลั่น 500 ml เมื่อเดือดให้ต้มต่อด้วยไฟอ่อนต่ออีก 15 นาที กรองเอาแต่น้ำด้วยผ้าขาวบาง ส่วนวุ้นนำมาต้มรวมกันในน้ำกลั่นอีกส่วนจนละลายหมด นำส่วนผสมทั้งสองมารวมกันแล้วปรับปริมาตรให้ครบ 1000 ml เทใส่ขวดอาหารขวดละประมาณ 150 ml ปิดฝาขวดให้สนิท นำไปนึ่งฆ่าเชื้อที่ความดัน 15 ปอนด์ต่อตารางนิ้ว อุณหภูมิ 121 องศาเซลเซียส เป็นเวลานาน 15 นาที

ภาคผนวก ข

การทำ slide culture และสไลด์กึ่งถาวร

การทำ slide culture

1. เตรียมอาหาร PDA ในจานอาหารโดยเทอาหารให้หนาประมาณ 2 มิลลิเมตร
2. เมื่ออาหารแข็งตัวดีแล้ว ใช้มีดปลอดเชื้อตัดชิ้นให้เป็นสี่เหลี่ยมจัตุรัสขนาด 0.5 x 0.5 mm
3. นำชิ้นวัฒนธรรมมาวางบนสไลด์ที่วางอยู่บนแท่งแก้วรูปตัววีในจานอาหารที่ฆ่าเชื้อแล้ว
4. ใช้เข็มเขี่ยเชื้อรามาตะบับบริเวณด้านข้างทั้งสี่ด้านของชิ้นวัฒนธรรม
5. คีบแผ่นแก้วปิดสไลด์ที่เตรียมไว้ในจานอาหารซึ่งผ่านการฆ่าเชื้อแล้วมาปิดบนชิ้นวัฒนธรรม โดยให้ชิ้นวัฒนธรรมอยู่ตรงกลางพอดี
6. ใส่ก้อนสำลีที่ชุบน้ำพอชื้นและฆ่าเชื้อแล้วในแต่ละจานๆ ละ 1 ก้อน เพื่อช่วยให้อาหารเลี้ยงเชื้อไม่แข็งและแห้งจนเกินไป บ่มไว้ที่อุณหภูมิห้องเป็นเวลา 3-5 วัน หรือนานกว่านี้ขึ้นอยู่กับการเจริญของเชื้อแต่ละชนิด นำมาตรวจสอบลักษณะของเชื้อราที่ต้องการศึกษา และนำไปทำเป็นสไลด์กึ่งถาวรต่อไป

การทำสไลด์กึ่งถาวร

1. ใช้ปากคีบจับแผ่นแก้วปิดสไลด์ออกมาจากชิ้นวัฒนธรรม และค่อยๆ หยิบชิ้นวัฒนธรรมทิ้งไป จะได้ตัวอย่างเชื้อรา 2 ตัวอย่าง คือ ตัวอย่างที่เจริญอยู่บนแผ่นแก้วปิดสไลด์ และตัวอย่างที่เจริญบนแผ่นสไลด์
2. หยดเอทานอล 95% เพื่อกำจัดสปอร์ที่มากเกินไปออกไปบ้าง และเพื่อไล่ฟองอากาศออกจากเส้นใย แล้วเอียงทิ้งไป ชับเบาๆ ด้วยกระดาษทิชชูตรงมุมที่เอทานอลไหลออกมา ระมัดระวังอย่าให้เส้นใยเสียหาย
3. หยด lactophenol หรือ lactophenol cotton blue 1 หยดลงบนบริเวณที่มีเชื้ออยู่ ปิดทับด้วยแผ่นปิดสไลด์อันใหม่ ส่วนแผ่นแก้วปิดสไลด์ที่มีเชื้ออยู่อีกอันก็ทำเช่นเดียวกัน เพียงแต่หยดน้ำยาลงบนสไลด์แผ่นใหม่แล้วคว่ำด้านที่มีเชื้ออยู่ลงบนน้ำยา ระมัดระวังอย่าให้มีฟองอากาศ เช็ดน้ำยาส่วนเกินให้แห้งโดยใช้กระดาษทิชชูซับเบาๆ
4. ใช้เข็มเขี่ยแผ่นแก้วปิดสไลด์ให้ตรง แล้วทาขอบรอบๆ แผ่นแก้วปิดสไลด์ด้วยน้ำยาทาเล็บ ทิ้งให้แห้ง แล้วทาซ้ำอีกรอบ จะได้สไลด์กึ่งถาวรตามต้องการ

ภาคผนวก ก
ผลวิเคราะห์ทางสถิติ

ผลการวิเคราะห์ประสิทธิภาพของเชื้อราเอนโดไฟต์ในการยับยั้งการเจริญของเชื้อราสาเหตุโรคยอดผักตบชวาของข้าว

ตารางที่ 1 การวิเคราะห์ประสิทธิภาพของเชื้อราเอนโดไฟต์ในการยับยั้งการเจริญของเชื้อรา *Fusarium moniliforme* ในวันที่ 3

Test of Homogeneity of Variances

Inhibition at 3rd date

Levene Statistic	df1	df2	Sig.
0.715	49	150	0.913

ANOVA

Inhibition at 3rd date

Source	Sum of Squares	df	Mean Square	F	Sig.
Between Groups	1560.501	49	31.847	0.444	0.999
Within Groups	10756.982	150	71.713		
Total	12317.483	199			

Homogeneous Subsets

Inhibition at 3rd date

Treatment	N	Subset for alpha = 0.05	
		I	
Duncan ^a <i>Aspergillus</i> 0035	4		-0.4175
<i>Aspergillus</i> 0115	4		-0.4175
<i>Eupenicillium</i> 0005	4		-0.4175
<i>Drechslera</i> 0106	4		-0.4175
Ascomycetes 2 0063	4		-0.4175
Ascomycetes 2 0101	4		-0.4175
<i>Nodulosporium</i> 0020	4		-0.1900
<i>Talaromyces</i> 0001	4		1.6675
<i>Xylaria</i> 0096	4		1.6675
<i>Mycelia Sterilia</i> 0047	4		1.6675
<i>Aspergillus</i> 0116	4		1.8550
Coelomycetes 1 0065	4		1.8550
Ascomycetes 3 0125	4		1.8550
<i>Nodulosporium</i> 0019	4		1.8950
<i>Xylaria</i> 0103	4		2.0825
Ascomycetes 1 0104	4		2.0825
<i>Neosartorya</i> 0025	4		3.9400
<i>Drechslera</i> 0110	4		3.9400
Coelomycetes 1 0117	4		3.9400
Ascomycetes 2 0062	4		3.9400
<i>Mycelia Sterilia</i> 0100	4		3.9400
Hyphomycetes 1 0126	4		3.9400
<i>Talaromyces</i> 0002	4		4.1275
Ascomycetes 4 0084	4		4.1275
<i>Xylaria</i> 0048	4		4.1675
<i>Nodulosporium</i> 0021	4		4.1675
<i>Mycelia Sterilia</i> 0107	4		4.1675
<i>Talaromyces</i> 0003	4		4.3550
<i>Neosartorya</i> 0027	4		4.3550

Inhibition at 3rd date (ต่อ)

Treatment	N	Subset for alpha = 0.05
		I
Duncan ^a Coelomycetes 1 0046	4	4.3550
<i>Acremonium</i> 0119	4	4.3550
Hyphomycetes 2 0127	4	4.3550
Coelomycetes 2 0080	4	4.3550
<i>Neosartorya</i> 0026	4	6.2125
Coelomycetes 1 0040	4	6.2125
Coelomycetes 1 0042	4	6.2125
<i>Drechslera</i> 0024	4	6.2125
<i>Fusarium</i> 0029	4	6.4400
<i>Fusarium</i> 0085	4	6.4400
<i>Aspergillus</i> 0036	4	6.6275
Coelomycetes 1 0041	4	6.6275
<i>Eupenicillium</i> 0006	4	6.6275
Coelomycetes 1 0071	4	6.6275
<i>Fusarium</i> 0076	4	8.7125
<i>Fusarium</i> 0108	4	8.7125
<i>Aspergillus</i> 0033	4	8.7125
<i>Eupenicillium</i> 0007	4	8.7125
Ascomycetes 1 0064	4	8.7125
Ascomycetes 1 0102	4	8.7125
Coelomycetes 2 0069	4	8.7125
Sig.		0.257

Means for groups in homogenous subsets are displayed.

a. Uses Harmonic Mean Sample Size = 4.000.

Descriptives

Inhibition at 3rd date

Treatment	N	Mean	Std. Deviation	Std. Error	95% Confidence Interval		Minimum	Maximum
					for Mean			
					Lower Bound	Upper Bound		
<i>Talaromyces</i> 0001	4	1.6675	11.0569	5.5285	-15.9265	19.2615	-10.00	16.67
<i>Talaromyces</i> 0002	4	4.1275	9.4251	4.7126	-10.8700	19.1250	-10.00	9.09
<i>Talaromyces</i> 0003	4	4.3550	5.0383	2.5191	-3.6620	12.3720	0.00	9.09
<i>Fusarium</i> 0029	4	6.4400	8.0545	4.0272	-6.3764	19.2564	0.00	16.67
<i>Fusarium</i> 0079	4	8.7125	6.8194	3.4097	-2.1388	19.5638	0.00	16.67
<i>Fusarium</i> 0108	4	8.7125	6.8194	3.4097	-2.1388	19.5638	0.00	16.67
<i>Xylaria</i> 0048	4	4.1675	8.3350	4.1675	-9.0953	17.4303	0.00	16.67
<i>Xylaria</i> 0096	4	1.6675	11.0569	5.5285	-15.9265	19.2615	-10.00	16.67
<i>Xylaria</i> 0103	4	2.0825	4.1650	2.0825	-4.5449	8.7099	0.00	8.33
<i>Neosartorya</i> 0025	4	3.9400	11.5242	5.7621	-14.3976	22.2776	-10.00	16.67
<i>Neosartorya</i> 0026	4	6.2125	11.3837	5.6918	-11.9015	24.3265	-10.00	16.67
<i>Neosartorya</i> 0027	4	4.3550	5.0383	2.5191	-3.6620	12.3720	0.00	9.09
<i>Aspergillus</i> 0033	4	8.7125	6.8194	3.4097	-2.1388	19.5638	0.00	16.67
<i>Aspergillus</i> 0035	4	-0.4175	7.4987	3.7494	-12.3496	11.5146	-10.00	8.33
<i>Aspergillus</i> 0036	4	6.6275	4.4328	2.2164	-0.4261	13.6811	0.00	9.09
<i>Aspergillus</i> 0115	4	-0.4175	7.4987	3.7494	-12.3496	11.5146	-10.00	8.33
<i>Aspergillus</i> 0116	4	1.8550	8.9117	4.4558	-12.3254	16.0354	-10.00	9.09
Coelomycetes 1 0040	4	6.2125	11.3837	5.6918	-11.9015	24.3265	-10.00	16.67
Coelomycetes 1 0041	4	6.6275	4.4328	2.2164	-0.4261	13.6811	0.00	9.09
Coelomycetes 1 0042	4	6.2125	11.3837	5.6918	-11.9015	24.3265	-10.00	16.67
<i>Eupenicillium</i> 0005	4	-0.4175	7.4987	3.7494	-12.3469	11.5146	-10.00	8.33
<i>Eupenicillium</i> 0006	4	6.6275	4.4328	2.2164	-0.4261	13.6811	0.00	9.09
<i>Eupenicillium</i> 0007	4	8.7125	6.8194	3.4097	-2.1388	19.5638	0.00	16.67
<i>Drechslera</i> 0024	4	6.2125	11.3837	5.6918	-11.9015	24.3265	-10.00	16.67
<i>Drechslera</i> 0106	4	-0.4175	7.4987	3.7494	-12.3496	11.5146	-10.00	8.33
<i>Drechslera</i> 0110	4	3.9400	11.5242	5.7621	-14.3976	22.2776	-10.00	16.67
Ascomycetes 1 0064	4	8.7125	6.8194	3.4097	-2.1388	19.5638	0.00	16.67
Ascomycetes 1 0065	4	1.8550	8.9117	4.4558	-12.3254	16.0354	-10.00	9.09

Inhibition at 3rd date (ต่อ)

Treatment	N	Mean	Std. Deviation	Std. Error	95% Confidence Interval for Mean		Minimum	Maximum
					Lower	Upper		
					Bound	Bound		
<i>Coelomycetes</i> 1 0046	4	4.3550	5.0383	2.5181	-3.6620	12.3720	0.00	9.09
<i>Coelomycetes</i> 1 0071	4	6.6275	4.4328	2.2164	-0.4261	13.6811	0.00	9.09
<i>Coelomycetes</i> 1 0117	4	3.9400	11.5242	5.7621	-14.3976	22.2776	-10.00	16.67
<i>Nodulosporium</i> 0019	4	1.8950	10.7417	5.3709	-15.1975	18.9875	-9.09	16.67
<i>Nodulosporium</i> 0020	4	-0.1900	7.1151	3.5575	-11.5117	11.1317	-9.09	8.33
<i>Nodulosporium</i> 0021	4	4.1675	11.1605	5.5803	-13.5914	21.9264	-9.09	16.67
<i>Ascomycetes</i> 2 0062	4	3.9400	11.5242	5.7621	-14.3976	22.2776	-10.00	16.67
<i>Ascomycetes</i> 2 0063	4	-0.4175	7.4987	3.7494	-12.3496	11.5146	-10.00	8.33
<i>Ascomycetes</i> 2 0101	4	-0.4175	7.4987	3.7494	-12.3496	11.5146	-10.00	8.33
<i>Mycelia Sterilia</i> 0047	4	1.6675	11.0569	5.5285	-15.9265	19.2615	-10.00	16.67
<i>Mycelia Sterilia</i> 0100	4	3.9400	11.5242	5.7621	-14.3976	22.2776	-10.00	16.67
<i>Mycelia Sterilia</i> 0107	4	4.1675	8.3350	4.1675	-9.0953	17.4303	0.00	16.67
<i>Ascomycetes</i> 3 0125	4	1.8550	8.9117	4.4558	-12.3254	16.0354	-10.00	9.09
<i>Hyphomycetes</i> 1 0126	4	3.9400	11.5242	5.7621	-14.3976	22.2776	-10.00	16.67
<i>Acremonium</i> 0119	4	4.3550	5.0383	2.5191	-3.6620	12.3720	0.00	9.09
<i>Ascomycetes</i> 4 0084	4	4.1275	9.4251	4.7126	-10.8700	19.1250	-10.00	9.09
<i>Fusarium</i> 0085	4	6.4400	8.0545	4.0272	-6.3764	19.2564	0.00	16.67
<i>Hyphomycetes</i> 2 0127	4	4.3550	5.0383	2.5191	-3.6620	12.3720	0.00	9.09
<i>Ascomycetes</i> 1 0104	4	2.0825	4.1650	2.0825	-4.5449	8.7099	0.00	8.33
<i>Ascomycetes</i> 1 0102	4	8.1725	6.8194	3.4097	-2.1388	19.5638	0.00	16.67
<i>Coelomycetes</i> 1 0069	4	8.1725	6.8194	3.4097	-2.1388	19.5638	0.00	16.67
<i>Coelomycetes</i> 1 0080	4	4.3550	5.0383	2.5191	-3.6620	12.3720	0.00	9.09
Total	200	4.1938	7.8675	0.5563	3.0967	5.2908	-10.00	16.67

ตารางที่ 2 การวิเคราะห์ประสิทธิภาพของเชื้อราเอนโดไฟต์ในการยับยั้งการเจริญของเชื้อรา *Fusarium moniliforme* ในวันที่ 5

Test of Homogeneity of Variances

Inhibition at 5th date

Levene Statistic	df1	df2	Sig.
1.532	49	150	0.027

ANOVA

Inhibition at 5th date

Source	Sum of Squares	df	Mean Square	F	Sig.
Between Groups	1267.026	49	25.858	0.639	0.965
Within Groups	6074.596	150	40.497		
Total	7341.622	199			

Homogeneous Subsets

Inhibition at 5th date

Treatment	N	Subset for alpha = 0.05	
		1	
Duncan ^a Coelomycetes 1 0040	4		-2.8450
<i>Aspergillus</i> 0115	4		-1.5300
Ascomycetes 2 0063	4		-1.5300
Coelomycetes 1 0080	4		-1.5300
Ascomycetes 1 0065	4		-1.4550
Hyphomycetes 1 0126	4		-0.2800
Coelomycetes 1 0042	4		-0.2150
<i>Aspergillus</i> 0033	4		-0.1400
<i>Nodulosporium</i> 0021	4		0.9650
<i>Eupenicillium</i> 0005	4		0.9700
Coelomycetes 1 0046	4		0.9700
<i>Eupenicillium</i> 0006	4		1.0350
<i>Xylaria</i> 0103	4		1.1100
<i>Acremonium</i> 0119	4		1.1100
Coelomycetes 2 0069	4		1.1750
<i>Neosartorya</i> 0026	4		1.2500
<i>Drechslera</i> 0024	4		1.2500
<i>Nodulosporium</i> 0020	4		1.2500
<i>Eupenicillium</i> 0007	4		2.3600
Ascomycetes 2 0062	4		2.4250
Coelomycetes 1 0071	4		2.5000
Ascomycetes 3 0125	4		2.5650
Ascomycetes 4 0084	4		2.5650
<i>Talaromyces</i> 0001	4		2.5650
<i>Aspergillus</i> 0036	4		2.5650
<i>Fusarium</i> 0029	4		2.6400
Ascomycetes 1 0064	4		3.6750
Mycelia Sterilia 0047	4		3.6750
<i>Fusarium</i> 0079	4		3.7425

Inhibition at 5th date (ต่อ)

Treatment	N	Subset for alpha = 0.05
		1
Duncan ^a <i>Talaromyces</i> 0002	4	3.7500
<i>Mycelia Sterilia</i> 0100	4	3.8150
<i>Nodulosporium</i> 0019	4	3.8150
<i>Coelomyces</i> 1 0041	4	3.8900
<i>Neosartorya</i> 0027	4	3.9550
<i>Fusarium</i> 0108	4	4.9925
<i>Neosartorya</i> 0025	4	5.0650
<i>Aspergillus</i> 0035	4	5.0650
<i>Ascomycetes</i> 1 0104	4	5.1325
<i>Aspergillus</i> 0116	4	5.2050
<i>Drechslera</i> 0110	4	5.2050
<i>Ascomycetes</i> 2 0101	4	5.2050
<i>Ascomycetes</i> 1 0102	4	5.2050
<i>Xylaria</i> 0048	4	5.2725
<i>Hyphomycetes</i> 2 0127	4	5.4350
<i>Mycelia Sterilia</i> 0107	4	6.2500
<i>Xylaria</i> 0096	4	6.3825
<i>Coelomyces</i> 1 0117	4	6.3825
<i>Fusarium</i> 0085	4	6.3825
<i>Talaromyces</i> 0003	4	6.6625
<i>Drechslera</i> 0106	4	7.7700
Sig.		0.074

Means for groups in homogenous subsets are displayed.

a. Uses Harmonic Mean Sample Size = 4.000.

Descriptives

Inhibition at 5th date

Treatment	N	Mean	Std. Deviation	Std. Error	95% Confidence Interval for Mean		Minimum	Maximum
					Lower	Upper		
					Bound	Bound		
<i>Talaromyces</i> 0001	4	2.5650	5.4215	2.7107	-6.0618	11.1918	-5.56	5.56
<i>Talaromyces</i> 0002	4	3.7500	7.5000	3.7500	-8.1842	15.6842	0.00	15.00
<i>Talaromyces</i> 0003	4	6.6250	2.5918	1.2959	2.5383	10.7867	5.00	10.53
<i>Fusarium</i> 0029	4	2.6400	3.0570	1.5285	-2.2243	7.5043	0.00	5.56
<i>Fusarium</i> 0079	4	3.7425	7.8691	3.9346	-8.7790	16.2640	-5.56	10.53
<i>Fusarium</i> 0108	4	4.9925	9.4356	4.7178	-10.0217	20.0067	-5.56	15.00
<i>Xylaria</i> 0048	4	5.2725	4.3049	2.1525	-1.5776	12.1226	0.00	10.53
<i>Xylaria</i> 0096	4	6.3825	7.5924	3.7962	-5.6988	18.4638	0.00	15.00
<i>Xylaria</i> 0103	4	1.1100	6.4804	3.2402	-9.2017	11.4217	-5.56	10.00
<i>Neosartorya</i> 0025	4	5.0650	7.0723	3.5361	-6.1885	16.3185	0.00	15.00
<i>Neosartorya</i> 0026	4	1.2500	6.2915	3.1458	-8.7612	11.2612	-5.56	10.00
<i>Neosartorya</i> 0027	4	3.9550	2.6466	1.3233	-0.2563	8.1663	0.00	5.56
<i>Aspergillus</i> 0033	4	-0.1400	4.3141	2.1571	-7.0047	6.7247	-5.56	5.00
<i>Aspergillus</i> 0035	4	5.0650	7.0723	3.5361	-6.1885	16.3185	0.00	15.00
<i>Aspergillus</i> 0036	4	2.5650	5.4215	2.7107	-6.0618	11.1918	-5.56	5.56
<i>Aspergillus</i> 0115	4	-1.5300	5.0815	2.5407	-9.6157	6.5557	-5.56	5.00
<i>Aspergillus</i> 0116	4	5.2050	4.0912	2.0456	-1.3050	11.7150	0.00	10.00
<i>Coelomycetes</i> 1 0040	4	-2.8450	5.2319	2.6160	-11.1707	5.4801	-5.56	5.00
<i>Coelomycetes</i> 1 0041	4	3.8900	4.8437	2.4219	-3.8175	11.5975	0.00	10.00
<i>Coelomycetes</i> 1 0042	4	-0.2150	6.1728	3.0864	-10.0373	9.6073	-5.56	5.26
<i>Eupenicillium</i> 0005	4	0.9700	9.7136	4.8568	-14.4865	16.4265	-5.56	15.00
<i>Eupenicillium</i> 0006	4	1.0350	7.8573	3.9286	-11.4677	13.5377	-5.56	10.00
<i>Eupenicillium</i> 0007	4	2.3600	8.8249	4.4124	-11.6823	16.4023	-5.56	15.00
<i>Drechslera</i> 0024	4	1.2500	5.1826	2.5913	-6.9966	9.4966	-5.56	5.56
<i>Drechslera</i> 0106	4	7.7700	9.1056	4.5528	-6.7190	22.2590	-5.56	15.00
<i>Drechslera</i> 0110	4	5.2050	4.0912	2.0456	-1.3050	11.7150	0.00	10.00
<i>Ascomycetes</i> 1 0064	4	3.6750	8.7475	4.3738	-10.2443	17.5943	-5.56	15.00
<i>Ascomycetes</i> 1 0065	4	-1.4550	5.0038	2.5019	-9.4171	6.5071	-5.56	5.00

Inhibition at 5th date (ต่อ)

Treatment	N	Mean	Std. Deviation	Std. Error	95% Confidence Interval for Mean		Minimum	Maximum
					Lower Bound	Upper Bound		
Coelomycetes 1 0046	4	0.9700	9.7136	4.8568	-14.4865	16.4265	-5.56	15.00
Coelomycetes 1 0071	4	2.5000	5.0000	2.5000	-5.4561	10.4561	0.00	10.00
Coelomycetes 1 0117	4	6.3825	7.5924	3.7962	-5.6988	18.4638	0.00	15.00
<i>Nodulosporium</i> 0019	4	3.8150	4.8115	2.4057	-3.8411	11.4711	0.00	10.00
<i>Nodulosporium</i> 0020	4	1.2500	2.5000	1.2500	-2.7281	5.2281	0.00	5.00
<i>Nodulosporium</i> 0021	4	0.9650	10.9773	5.4886	-16.5023	18.4323	-11.11	10.53
Ascomycetes 2 0062	4	2.4250	6.7097	3.3548	-8.2516	13.1016	-5.56	10.00
Ascomycetes 2 0063	4	-1.5300	5.0815	2.5407	-9.6157	6.5557	-5.56	5.00
Ascomycetes 2 0101	4	5.2050	4.0912	2.0456	-1.0350	11.7150	0.00	10.00
Mycelia Sterilia 0047	4	3.6750	8.7475	4.3738	-10.2443	17.5943	-5.56	15.00
Mycelia Sterilia 0100	4	3.8150	6.6151	3.3075	-6.7111	14.3411	-5.56	10.00
Mycelia Sterilia 0107	4	6.2500	7.5000	3.7500	-5.6842	18.1842	0.00	15.00
Ascomycetes 3 0125	4	2.5650	2.9637	1.4819	-2.1509	7.2809	0.00	5.26
Hyphomycetes 1 0126	4	-0.2800	7.3374	3.6687	-11.9555	11.3955	-5.56	10.00
<i>Acremonium</i> 0119	4	1.1100	6.4804	3.2402	-9.2017	11.4217	-5.56	10.00
Ascomycetes 4 0084	4	2.5650	2.9637	1.4818	-2.1509	7.2809	0.00	5.26
<i>Fusarium</i> 0085	4	6.3825	7.5924	3.7962	-5.6988	18.4638	0.00	15.00
Hyphomycetes 2 0127	4	5.3450	0.2700	0.1350	4.9154	5.7746	5.00	5.56
Ascomycetes 1 0104	4	5.1325	5.9304	2.9652	-4.3042	14.5692	0.00	10.53
Ascomycetes 1 0102	4	5.2050	4.0912	2.0456	-1.3050	11.7150	0.00	10.00
Coelomycetes 2 0069	4	1.1750	5.1009	2.5505	-6.9417	9.2917	-5.56	5.26
Coelomycetes 2 0080	4	-1.5300	5.0815	2.5407	-9.6157	6.5557	-5.56	5.00
Total	200	2.8717	6.0739	0.4295	2.0248	3.7186	-11.11	15.00

ตารางที่ 3 การวิเคราะห์ประสิทธิภาพของเชื้อราเอนโดไฟต์ในการยับยั้งการเจริญของเชื้อรา *Fusarium moniliforme* ในวันที่ 7

Test of Homogeneity of Variances

Inhibition at 7th date

Levence Statistic	df1	df2	Sig.
1.865	49	150	0.002

ANOVA

Inhibition at 7th date

Source	Sum of Squares	df	Mean Square	F	Sig.
Between Groups	6668.728	49	136.096	14.835	0.000
Within Groups	1376.108	150	9.174		
Total	8044.836	199			

Inhibition at 7th date (ต่อ)

Treatment	N	Subset for alpha = 0.05																
		1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	
Duncan ^a <i>Neosartorya</i> 0025	4				20.4900	20.4900	20.4900	20.4900	20.4900	20.4900	22.0275	22.0275	22.0275	22.0275				
<i>Eupenicillium</i> 0005	4				22.0275	22.0275	22.0275	22.0275	22.0275	22.0275	22.0275	22.8075	22.8075	22.8075				
<i>Mycelia Sterilia</i> 0107	4				22.0275	22.0275	22.0275	22.0275	22.0275	22.0275	22.8075	22.8075	22.8075	22.8075				
Coelomyces 1 0046	4										22.8075	22.8075	22.8075	22.8075				
Coelomyces 2 0069	4				22.8350	22.8350	22.8350	22.8350	22.8350	22.8350	22.8350	22.8350	22.8350	22.8350				
Hyphomyces2 0127	4										23.6150	23.6150	23.6150	23.6150				
Coelomyces 1 0041	4										24.3950	24.3950	24.3950	24.3950				
<i>Neosartorya</i> 0027	4										24.3975	24.3975	24.3975	24.3975				
<i>Neosartorya</i> 0026	4										25.1775	25.1775	25.1775	25.1775	25.1775			
<i>Mycelia Sterilia</i> 0100	4										25.1775	25.1775	25.1775	25.1775	25.1775			
Ascomycetes 1 0102	4										25.1775	25.1775	25.1775	25.1775	25.1775			
Ascomycetes 3 0125	4										25.2050	25.2050	25.2050	25.2050	25.2050			
<i>Acremonium</i> 0119	4										25.9875	25.9875	25.9875	25.9875	25.9875			
<i>Aspergillus</i> 0035	4										26.7425	26.7425	26.7425	26.7425	26.7425	26.7425		
Coelomyces 1 0042	4										26.7425	26.7425	26.7425	26.7425	26.7425	26.7425	26.7425	
Coelomyces 1 0040	4										26.7675	26.7675	26.7675	26.7675	26.7675	26.7675	26.7675	
<i>Talaromyces</i> 0003	4										27.5225	27.5225	27.5225	27.5225	27.5225	27.5225	27.5225	
Ascomycetes 1 0104	4										27.5475	27.5475	27.5475	27.5475	27.5475	27.5475	27.5475	
Coelomyces 1 0117	4										27.5500	27.5500	27.5500	27.5500	27.5500	27.5500	27.5500	
Hyphomyces1 0126	4										27.5500	27.5500	27.5500	27.5500	27.5500	27.5500	27.5500	
Coelomyces 1 0071	4										28.3525	28.3525	28.3525	28.3525	28.3525	28.3525	28.3525	
<i>Aspergillus</i> 0036	4										29.0825	29.0825	29.0825	29.0825	29.0825	29.0825	29.0825	
<i>Nodulisporium</i> 0021	4										29.9175	29.9175	29.9175	29.9175	29.9175	29.9175	29.9175	
<i>Nodulisporium</i> 0020	4										30.6950	30.6950	30.6950	30.6950	30.6950	30.6950	30.6950	
<i>Nodulisporium</i> 0019	4										30.6975	30.6975	30.6975	30.6975	30.6975	30.6975	30.6975	
<i>Eupenicillium</i> 0007	4										31.4775	31.4775	31.4775	31.4775	31.4775	31.4775	31.4775	
Sig.		0.058	0.070	0.076	0.076	0.072	0.072	0.072	0.072	0.072	0.073	0.076	0.075	0.078	0.073	0.072	0.070	

Means for groups in homogeneous subsets are displayed.

a. Use Harmonic Mean Sample Size = 4.000.

Descriptives

Inhibition at 7th date

Treatment	N	Mean	Std. Deviation	Std. Error	95% Confidence Interval		Minimum	Maximum
					for Mean			
					Lower Bound	Upper Bound		
<i>Talaromyces</i> 0001	4	20.4650	1.6522	0.8261	17.8360	23.0940	18.75	21.88
<i>Talaromyces</i> 0002	4	18.9000	0.3000	0.1500	18.4226	19.3774	18.75	19.35
<i>Talaromyces</i> 0003	4	27.5225	3.6084	1.8042	21.7808	33.2642	22.58	31.25
<i>Fusarium</i> 0029	4	10.2075	2.9049	1.4524	5.5852	14.8298	6.45	12.50
<i>Fusarium</i> 0079	4	19.6600	2.7776	1.3888	15.2402	24.0798	16.13	21.88
<i>Fusarium</i> 0108	4	10.2350	1.5166	0.7583	7.8217	12.6483	9.38	12.50
<i>Xylaria</i> 0048	4	16.5350	1.4954	0.7477	14.1555	18.9145	15.63	18.75
<i>Xylaria</i> 0096	4	14.1400	5.3285	2.6642	5.6612	22.6188	9.68	21.88
<i>Xylaria</i> 0103	4	19.6825	6.4273	3.2136	9.4553	29.9097	12.50	28.13
<i>Neosartorya</i> 0025	4	20.4900	2.0294	1.0147	17.2608	23.7192	18.75	22.58
<i>Neosartorya</i> 0026	4	25.1775	4.2633	2.1317	18.3936	31.9614	21.88	31.25
<i>Neosartorya</i> 0027	4	24.3975	2.8246	1.4123	19.9029	28.8921	21.88	28.13
<i>Aspergillus</i> 0033	4	17.3150	1.6695	0.8348	14.6584	19.9716	15.63	18.75
<i>Aspergillus</i> 0035	4	26.7425	2.7750	1.3875	22.3269	31.1581	22.58	28.13
<i>Aspergillus</i> 0036	4	29.0825	4.3350	2.1675	22.1845	35.9805	22.58	31.25
<i>Aspergillus</i> 0115	4	17.2650	9.6348	4.8174	1.9338	32.5962	9.68	31.25
<i>Aspergillus</i> 0116	4	19.6600	2.7776	1.3888	15.2402	24.0798	16.13	21.88
Coelomycetes 1 0040	4	26.7675	1.6077	0.8038	24.2094	29.3256	25.00	28.13
Coelomycetes 1 0041	4	24.3950	1.2100	0.6050	22.4696	26.3204	22.58	25.00
Coelomycetes 1 0042	4	26.7425	2.7750	1.3875	22.3269	31.1581	22.58	25.13
<i>Eupenicillium</i> 0005	4	22.0275	2.3129	1.1564	18.4372	25.7078	19.35	25.00
<i>Eupenicillium</i> 0006	4	18.0975	2.8690	1.4345	13.5324	22.6625	15.63	21.88
<i>Eupenicillium</i> 0007	4	31.4775	2.1999	1.0999	27.9770	34.9780	29.03	34.38
<i>Drechslera</i> 0024	4	10.8800	2.6132	1.3066	6.2218	14.5382	7.14	12.50
<i>Drechslera</i> 0106	4	9.6000	2.2029	1.1015	6.0947	13.1053	7.14	12.50
<i>Drechslera</i> 0110	4	14.9725	1.6651	0.8326	13.3230	17.6220	12.50	16.13
Ascomycetes 1 0064	4	19.6600	2.7776	1.3888	15.2402	24.0798	16.13	21.88
Ascomycetes 1 0065	4	16.5075	2.8191	1.4095	12.0217	20.9933	12.90	18.75

Inhibition at 7th date (ต่อ)

Treatment	N	Mean	Std. Deviation	Std. Error	95% Confidence Interval for Mean		Minimum	Maximum
					Lower Bound	Upper Bound		
Coelomycetes 1 0046	4	22.8075	2.7343	1.3671	18.4567	27.1583	19.35	25.00
Coelomycetes 1 0071	4	28.3525	2.5912	1.2956	24.2293	32.4757	25.00	31.25
Coelomycetes 1 0117	4	27.5500	1.1600	0.5800	25.7042	29.3958	25.81	28.13
<i>Nodulosporium</i> 0019	4	30.6975	2.7832	1.3916	26.2688	35.1262	28.13	34.38
<i>Nodulosporium</i> 0020	4	30.6950	1.1100	0.5550	28.9287	32.4613	29.03	31.25
<i>Nodulosporium</i> 0021	4	29.9275	3.0051	1.5025	25.1357	34.6993	08.13	34.38
Ascomycetes 2 0062	4	15.7550	0.2500	0.1250	15.3572	16.1528	15.63	16.13
Ascomycetes 2 0063	4	17.3150	1.6695	0.8348	14.6548	19.9716	15.63	18.75
Ascomycetes 2 0101	4	15.7275	2.3909	1.1955	11.9230	19.5320	12.90	18.75
Mycelia Sterilia 0047	4	14.9450	2.8929	1.4465	10.3417	19.5483	12.50	18.75
Mycelia Sterilia 0100	4	25.1775	4.2633	2.1317	18.3936	31.9614	21.88	31.25
Mycelia Sterilia 0107	4	22.0275	2.3129	1.1564	18.4372	25.7078	19.35	25.00
Ascomycetes 3 0125	4	25.2050	2.5832	1.2916	21.0945	29.3155	21.88	28.13
Hyphomycetes 1 0126	4	27.5500	1.1600	0.5800	25.7042	29.3958	25.84	28.13
<i>Acremonium</i> 0119	4	25.9875	2.9487	1.4743	21.2955	30.6795	21.88	28.13
Ascomycetes 4 0084	4	18.8800	3.4701	1.7351	13.3583	24.4017	15.63	21.88
<i>Fusarium</i> 0085	4	16.5350	1.4954	0.7477	14.1555	18.9145	15.63	18.75
Hyphomycetes 2 0127	4	23.6150	1.6246	0.8123	21.0299	26.2001	21.88	25.00
Ascomycetes 1 0104	4	27.5475	2.8022	1.4011	23.0886	32.0064	25.00	31.25
Ascomycetes 1 0102	4	25.1775	2.2750	1.1375	21.5574	28.7976	22.58	28.13
Coelomycetes 2 0069	4	22.8350	1.4806	0.7403	20.4791	25.1909	21.88	25.00
Coelomycetes 2 0080	4	20.4625	3.0382	1.5191	15.5281	25.2969	18.75	25.00
Total	200	21.4574	6.3582	0.4496	20.5708	22.3439	6.45	34.38

ตารางที่ 4 การวิเคราะห์ประสิทธิภาพของเชื้อราเอนโดไฟต์ในการยับยั้งการเจริญของเชื้อรา *Fusarium moniliforme* ในวันที่ 9

Test of Homogeneity of Variances

Inhibition at 9th date

Levene Statistic	df1	df2	Sig.
2.950	49	150	0.000

ANOVA

Inhibition at 9th date

Source	Sum of Squares	df	Mean Square	F	Sig.
Between Groups	3632.993	49	74.143	9.020	0.000
Within Groups	1233.031	150	8.220		
Total	4866.023	199			

Inhibition at 9th date (µg)

Treatment	N	Subset for alpha = 0.05															
		1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14		
Duncan*	4																
Ascomycetes 3 0125	4				39.9650	39.9650	39.9650	39.9650	39.9650	39.9650	39.9650	39.9650	39.9650				
Fusarium 0079	4				39.9800	39.9800	39.9800	39.9800	39.9800	39.9800	39.9800	39.9800	39.9800				
Aspergillus-0116	4				39.9925	39.9925	39.9925	39.9925	39.9925	39.9925	39.9925	39.9925	39.9925				
Neosartorya 0025	4				40.0075	40.0075	40.0075	40.0075	40.0075	40.0075	40.0075	40.0075	40.0075				
Talaromyces 0001	4				40.5875	40.5875	40.5875	40.5875	40.5875	40.5875	40.5875	40.5875	40.5875				
Ascomycetes 1 0102	4				41.1250	41.1250	41.1250	41.1250	41.1250	41.1250	41.1250	41.1250	41.1250				
Coelomycetes 1 0046	4				41.1700	41.1700	41.1700	41.1700	41.1700	41.1700	41.1700	41.1700	41.1700				
Hypomycetes2 0127	4				41.1700	41.1700	41.1700	41.1700	41.1700	41.1700	41.1700	41.1700	41.1700				
Coelomycetes 1 0042	4				41.7650	41.7650	41.7650	41.7650	41.7650	41.7650	41.7650	41.7650	41.7650	41.7650			
Eupenicillium 0005	4				41.7650	41.7650	41.7650	41.7650	41.7650	41.7650	41.7650	41.7650	41.7650	41.7650			
Mycelia Sterilia 0107	4				41.7650	41.7650	41.7650	41.7650	41.7650	41.7650	41.7650	41.7650	41.7650	41.7650			
Aspergillus 0036	4				42.2575	42.2575	42.2575	42.2575	42.2575	42.2575	42.2575	42.2575	42.2575	42.2575			
Neosartorya 0026	4				42.3325	42.3325	42.3325	42.3325	42.3325	42.3325	42.3325	42.3325	42.3325	42.3325			
Ascomycetes 1 0104	4				42.3450	42.3450	42.3450	42.3450	42.3450	42.3450	42.3450	42.3450	42.3450	42.3450			
Coelomycetes 1 0040	4				42.3575	42.3575	42.3575	42.3575	42.3575	42.3575	42.3575	42.3575	42.3575	42.3575			
Neosartorya 0027	4				43.5225	43.5225	43.5225	43.5225	43.5225	43.5225	43.5225	43.5225	43.5225	43.5225	43.5225		
Acremonium 0119	4				43.6175	43.6175	43.6175	43.6175	43.6175	43.6175	43.6175	43.6175	43.6175	43.6175	43.6175		
Mycelia Sterilia 0100	4				44.1050	44.1050	44.1050	44.1050	44.1050	44.1050	44.1050	44.1050	44.1050	44.1050	44.1050		
Coelomycetes 1 0117	4				45.2050	45.2050	45.2050	45.2050	45.2050	45.2050	45.2050	45.2050	45.2050	45.2050	45.2050		
Aspergillus 0035	4				45.2800	45.2800	45.2800	45.2800	45.2800	45.2800	45.2800	45.2800	45.2800	45.2800	45.2800		
Coelomycetes 1 0071	4				45.3075	45.3075	45.3075	45.3075	45.3075	45.3075	45.3075	45.3075	45.3075	45.3075	45.3075		
Talaromyces 0003	4				46.4450	46.4450	46.4450	46.4450	46.4450	46.4450	46.4450	46.4450	46.4450	46.4450	46.4450		
Nodulisporium 0020	4				47.9250	47.9250	47.9250	47.9250	47.9250	47.9250	47.9250	47.9250	47.9250	47.9250	47.9250		
Nodulisporium 0021	4				47.9375	47.9375	47.9375	47.9375	47.9375	47.9375	47.9375	47.9375	47.9375	47.9375	47.9375		
Nodulisporium 0019	4				48.2275	48.2275	48.2275	48.2275	48.2275	48.2275	48.2275	48.2275	48.2275	48.2275	48.2275		
Eupenicillium 0007	4				48.8100	48.8100	48.8100	48.8100	48.8100	48.8100	48.8100	48.8100	48.8100	48.8100	48.8100		
Sig.		0.218	0.058	0.057	0.058	0.067	0.069	0.068	0.059	0.065	0.061	0.059	0.059	0.051			

Means for groups in homogeneous subsets are displayed.

a. Use Harmonic Mean Sample Size = 4.000.

Descriptives

Inhibition at 9th date

Treatment	N	Mean	Std. Deviation	Std. Error	95% Confidence Interval		Minimum	Maximum
					for Mean			
					Lower Bound	Upper Bound		
<i>Talaromyces</i> 0001	4	40.5875	0.9593	0.4796	39.0611	42.1139	39.53	41.86
<i>Talaromyces</i> 0002	4	39.4100	0.9815	0.4907	37.8483	40.9717	38.10	40.48
<i>Talaromyces</i> 0003	4	46.4450	2.9312	1.4656	41.7808	51.1092	42.86	48.84
<i>Fusarium</i> 0029	4	32.9300	1.6350	0.8175	30.3283	35.5317	30.95	34.88
<i>Fusarium</i> 0079	4	39.9800	2.1708	1.0854	36.5257	43.4343	38.10	41.86
<i>Fusarium</i> 0108	4	32.9450	0.4446	0.2223	32.2376	33.6524	32.56	33.33
<i>Xylaria</i> 0048	4	37.6375	1.6014	0.8007	35.0893	40.1857	35.71	39.53
<i>Xylaria</i> 0096	4	35.8500	4.0727	2.0364	29.3694	42.3306	33.33	41.86
<i>Xylaria</i> 0103	4	38.2775	5.2389	2.6194	29.9413	46.6137	32.56	45.24
<i>Neosartorya</i> 0025	4	40.0075	2.7729	1.3854	35.5984	44.4166	37.21	42.86
<i>Neosartorya</i> 0026	4	42.3325	2.8600	1.4300	37.7817	46.8833	40.48	46.51
<i>Neosartorya</i> 0027	4	43.5225	2.0467	1.0233	40.2658	46.7792	41.86	46.51
<i>Aspergillus</i> 0033	4	38.2350	0.9599	0.4799	36.7076	39.7624	37.21	39.53
<i>Aspergillus</i> 0035	4	45.2800	1.7208	0.8604	42.5418	48.0182	42.86	46.51
<i>Aspergillus</i> 0036	4	42.2575	3.4457	1.7228	36.7747	47.7403	38.10	46.51
<i>Aspergillus</i> 0115	4	38.1775	7.3399	3.6699	26.4981	49.8569	33.33	48.84
<i>Aspergillus</i> 0116	4	39.9925	1.5833	0.7917	37.4731	42.5119	38.10	41.86
Coelomycetes 1 0040	4	42.3575	1.9851	0.9925	39.1988	45.5162	39.53	44.18
Coelomycetes 1 0041	4	38.8300	1.4571	0.7286	36.5114	41.1486	37.21	40.48
Coelomycetes 1 0042	4	41.7650	3.9206	1.9603	35.5265	48.0035	37.21	46.51
<i>Eupenicillium</i> 0005	4	41.7650	0.9778	0.4889	10.2091	43.3209	40.48	42.86
<i>Eupenicillium</i> 0006	4	38.8000	2.5778	1.2889	34.6982	42.9018	35.71	41.86
<i>Eupenicillium</i> 0007	4	48.8100	1.6689	0.8344	46.1544	51.4656	47.62	51.16
<i>Drechslera</i> 0024	4	33.5100	1.8565	0.9283	30.5559	36.4641	30.95	34.88
<i>Drechslera</i> 0106	4	32.9450	0.4446	0.2223	32.2376	33.6524	32.56	33.33
<i>Drechslera</i> 0110	4	36.4750	1.4503	0.7251	34.1673	38.7827	34.88	38.10
Ascomycetes 1 0064	4	34.0650	5.1528	2.5764	25.8657	42.2643	28.57	39.53
Ascomycetes 1 0065	4	37.6200	2.2055	1.1027	34.1106	41.1294	35.71	39.53

Inhibition at 9th date (ต่อ)

Treatment	N	Mean	Std. Deviation	Std. Error	95% Confidence Interval for Mean		Minimum	Maximum
					Lower	Upper		
					Bound	Bound		
Coelomycetes 1 0046	4	41.1700	0.7967	0.3984	39.9022	42.4378	40.48	41.86
Coelomycetes 1 0071	4	45.3075	2.4956	1.2478	41.3365	49.2785	41.86	47.62
Coelomycetes 1 0117	4	45.2050	1.8622	0.9311	42.2418	48.1682	42.56	46.51
<i>Nodulosporium</i> 0019	4	48.2275	2.0238	1.0119	45.0072	51.4478	46.51	51.16
<i>Nodulosporium</i> 0020	4	47.9250	0.6100	0.3050	46.9544	48.8956	47.62	48.84
<i>Nodulosporium</i> 0021	4	47.9375	1.4712	0.7356	45.5965	50.2785	46.51	50.00
Ascomycetes 2 0062	4	37.0575	0.9915	0.4957	35.4798	38.6352	35.71	38.10
Ascomycetes 2 0063	4	38.2175	1.8025	0.9012	35.3494	41.0856	35.71	39.53
Ascomycetes 2 0101	4	37.0575	0.9915	0.4957	35.4798	38.6352	35.71	38.10
Mycelia Sterilia 0047	4	36.4450	2.6042	1.3021	32.3011	40.5889	33.33	39.53
Mycelia Sterilia 0100	4	44.1050	3.1917	1.5958	39.0263	49.1837	41.86	48.84
Mycelia Sterilia 0107	4	41.7650	0.9778	0.4889	40.2091	43.3209	40.48	42.86
Ascomycetes 3 0125	4	39.9650	3.7870	1.8935	33.9390	45.9910	35.71	44.19
Hyphomycetes 1 0126	4	38.2500	4.0989	2.0495	31.7277	44.7723	32.56	41.86
<i>Acremonium</i> 0119	4	43.6175	2.6890	1.3445	39.3387	47.8963	40.86	46.51
Ascomycetes 4 0084	4	39.5075	2.2078	1.1039	35.9944	43.0206	37.21	41.86
<i>Fusarium</i> 0085	4	37.6375	1.6014	0.8007	35.0893	40.1875	35.71	39.53
Hyphomycetes 2 0127	4	41.1700	2.8338	1.4169	36.6608	45.6792	38.10	44.19
Ascomycetes 1 0104	4	42.3450	3.1614	1.5807	37.3146	47.3754	38.10	45.23
Ascomycetes 1 0102	4	41.1250	6.9498	3.4749	30.0663	52.1837	30.95	46.51
Coelomycetes 2 0069	4	34.1225	5.6549	2.8274	25.1244	43.1206	28.57	40.48
Coelomycetes 2 0080	4	31.1725	0.9853	0.4927	29.6047	32.7403	30.23	32.56
Total	200	40.0028	4.9449	0.3497	39.3133	40.6924	28.57	51.16

ตารางที่ 5 การวิเคราะห์ประสิทธิภาพของเชื้อราเอนโดไฟต์ในการยับยั้งการเจริญของเชื้อรา *Fusarium moniliforme* ในวันที่ 12

Test of Homogeneity of Variances

Inhibition at 12th date

Levene Statistic	df1	df2	Sig.
2.912	49	150	0.000

ANOVA

Inhibition at 12th date

Source	Sum of Squares	df	Mean Square	F	Sig.
Between Groups	2629.793	49	53.699	11.885	0.000
Within Groups	677.370	150	4.516		
Total	3307.163	199			

Inhibition at 12th date (µg)

Treatment	N	Subset for alpha = 0.05															
		1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	
Duncan*	4					51.1850	51.1850	51.1850	51.1850	51.1850							
<i>Talaromyces</i> 0002	4				51.6500	51.6500	51.6500	51.6500	51.6500	51.6500							
<i>Fusarium</i> 0079	4				51.6500	51.6500	51.6500	51.6500	51.6500	51.6500							
<i>Aspergillus</i> 0116	4				51.6500	51.6500	51.6500	51.6500	51.6500	51.6500							
<i>Xylaria</i> 0103	4				51.6575	51.6575	51.6575	51.6575	51.6575	51.6575							
<i>Neosartorya</i> 0026	4				52.1225	52.1225	52.1225	52.1225	52.1225	52.1225							
<i>Talaromyces</i> 0001	4				52.1300	52.1300	52.1300	52.1300	52.1300	52.1300							
<i>Neosartorya</i> 0025	4				52.1400	52.1400	52.1400	52.1400	52.1400	52.1400							
<i>Hypophomyces</i> 0127	4				52.5950	52.5950	52.5950	52.5950	52.5950	52.5950							
<i>Aspergillus</i> 0036	4				52.6000	52.6000	52.6000	52.6000	52.6000	52.6000							
<i>Coelomyces</i> 1 0046	4				52.6025	52.6025	52.6025	52.6025	52.6025	52.6025							
<i>Coelomyces</i> 1 0042	4				52.6125	52.6125	52.6125	52.6125	52.6125	52.6125							
<i>Mycelia Sterilia</i> 0107	4				53.0750	53.0750	53.0750	53.0750	53.0750	53.0750							
<i>Eupenicillium</i> 0005	4				53.0775	53.0775	53.0775	53.0775	53.0775	53.0775							
<i>Neosartorya</i> 0027	4				53.5550	53.5550	53.5550	53.5550	53.5550	53.5550							
<i>Coelomyces</i> 1 0040	4				53.5575	53.5575	53.5575	53.5575	53.5575	53.5575							
<i>Ascomyces</i> 1 0104	4				53.5650	53.5650	53.5650	53.5650	53.5650	53.5650							
<i>Mycelia Sterilia</i> 0100	4				54.9725	54.9725	54.9725	54.9725	54.9725	54.9725							
<i>Acremonium</i> 0119	4				55.4475	55.4475	55.4475	55.4475	55.4475	55.4475							
<i>Aspergillus</i> 0035	4				55.9125	55.9125	55.9125	55.9125	55.9125	55.9125							
<i>Coelomyces</i> 1 0117	4				55.9125	55.9125	55.9125	55.9125	55.9125	55.9125							
<i>Coelomyces</i> 1 0071	4				55.9300	55.9300	55.9300	55.9300	55.9300	55.9300							
<i>Talaromyces</i> 0003	4				56.8575	56.8575	56.8575	56.8575	56.8575	56.8575							
<i>Nodulisporium</i> 0019	4				58.2900	58.2900	58.2900	58.2900	58.2900	58.2900							
<i>Nodulisporium</i> 0021	4				58.2900	58.2900	58.2900	58.2900	58.2900	58.2900							
<i>Nodulisporium</i> 0020	4				58.4900	58.4900	58.4900	58.4900	58.4900	58.4900							
<i>Eupenicillium</i> 0007	4				58.7625	58.7625	58.7625	58.7625	58.7625	58.7625							
Sig.		0.181	0.068	0.068	0.077	0.079	0.083	0.083	0.079	0.075	0.072	0.071	0.063	0.059	0.062		

Means for groups in homogeneous subsets are displayed.

a. Use Harmonic Mean Sample Size = 4.000.

Descriptives

Inhibition at 12th date

Treatment	N	Mean	Std. Deviation	Std. Error	95% Confidence Interval for Mean		Minimum	Maximum
					Lower	Upper		
					Bound	Bound		
<i>Talaromyces</i> 0001	4	52.1300	0.9019	0.4509	50.6949	53.5651	50.94	52.83
<i>Talaromyces</i> 0002	4	51.1850	0.4900	0.2450	50.4053	51.9647	50.94	51.92
<i>Talaromyces</i> 0003	4	56.8575	2.1940	1.0970	53.3663	60.3487	53.85	58.49
<i>Fusarium</i> 0029	4	45.9625	1.4587	0.7294	43.6414	48.2836	44.23	47.17
<i>Fusarium</i> 0079	4	51.6500	1.4156	0.7078	49.3975	53.9025	50.00	52.83
<i>Fusarium</i> 0108	4	45.9700	0.8990	0.4495	44.5396	47.4005	45.28	47.17
<i>Xylaria</i> 0048	4	49.7650	0.9000	0.4500	48.3329	51.1971	49.06	50.94
<i>Xylaria</i> 0096	4	48.3300	3.0383	1.5191	43.4954	53.1646	46.15	52.83
<i>Xylaria</i> 0103	4	51.6575	3.8794	1.9397	45.4845	57.8305	47.17	56.60
<i>Neosartorya</i> 0025	4	52.1400	1.4469	0.7234	49.8377	54.4423	50.94	53.85
<i>Neosartorya</i> 0026	4	52.1225	2.0937	1.0469	48.7909	55.4541	50.00	54.72
<i>Neosartorya</i> 0027	4	53.5550	2.3610	1.1805	49.7981	57.3119	50.94	56.60
<i>Aspergillus</i> 0033	4	50.2350	0.9000	0.4500	48.8029	51.6671	49.06	50.94
<i>Aspergillus</i> 0035	4	55.9125	1.3750	0.6875	53.7246	58.1007	53.85	56.60
<i>Aspergillus</i> 0036	4	52.6000	1.6045	0.8022	50.0469	55.1531	50.94	54.71
<i>Aspergillus</i> 0115	4	50.2175	5.6452	2.8226	41.2347	59.2003	46.15	58.49
<i>Aspergillus</i> 0116	4	51.6500	1.4156	0.7078	49.3975	53.9025	50.00	52.83
<i>Coelomycetes</i> 1 0040	4	53.5575	1.7925	0.8963	50.7052	56.4098	50.94	54.72
<i>Coelomycetes</i> 1 0041	4	50.7075	1.6097	0.8049	48.1460	53.2690	49.06	52.83
<i>Coelomycetes</i> 1 0042	4	52.6125	3.3090	1.6545	47.3471	57.8779	49.06	56.60
<i>Eupenicillium</i> 0005	4	53.0775	1.1743	0.5872	51.2089	54.9461	51.93	54.72
<i>Eupenicillium</i> 0006	4	50.2350	0.9000	0.4500	48.8029	51.6671	49.06	50.94
<i>Eupenicillium</i> 0007	4	58.7625	1.1424	0.5712	56.9447	60.5803	57.69	60.38
<i>Drechslera</i> 0024	4	46.4425	0.9120	0.4560	44.9912	47.8938	45.28	47.17
<i>Drechslera</i> 0106	4	45.9700	0.8990	0.4495	44.5395	47.4005	45.28	47.17
<i>Drechslera</i> 0110	4	48.8225	1.1874	0.5937	46.9330	50.7120	47.17	50.00
<i>Ascomycetes</i> 1 0064	4	44.5500	1.7900	0.8950	41.7018	47.3982	43.40	47.17
<i>Ascomycetes</i> 1 0065	4	49.7550	1.4256	0.7128	47.4865	52.0235	48.08	50.94

Inhibition at 12th date (අව)

Treatment	N	Mean	Std. Deviation	Std. Error	95% Confidence Interval for Mean		Minimum	Maximum
					Lower Bound	Upper Bound		
Coelomycetes 1 0046	4	52.6025	0.4550	0.2275	51.8785	53.3265	51.92	52.83
Coelomycetes 1 0071	4	55.9300	2.1296	1.0648	52.5414	59.3186	52.83	57.69
Coelomycetes 1 0117	4	55.9125	1.3750	0.6875	53.7246	58.1004	53.85	56.60
<i>Nodulosporium</i> 0019	4	58.2900	1.5942	0.7971	55.7533	60.8267	56.60	60.38
<i>Nodulosporium</i> 0020	4	58.4900	1.185E-15	5.924E-16	58.4900	58.4900	58.49	58.49
<i>Nodulosporium</i> 0021	4	58.2900	1.5942	0.7971	55.7533	60.8267	56.60	60.38
Ascomycetes 2 0062	4	49.2950	0.4700	0.2350	48.5471	50.0492	49.06	50.00
Ascomycetes 2 0063	4	50.2350	0.9000	0.4500	48.8029	51.6671	49.06	50.94
Ascomycetes 2 0101	4	49.2850	1.1961	0.5981	47.3817	51.1883	48.08	50.94
Mycelia Sterilia 0047	4	48.5575	1.9960	0.9980	45.3813	51.7337	46.15	50.94
Mycelia Sterilia 0100	4	54.9725	2.4689	1.2345	51.0439	58.9011	52.83	58.49
Mycelia Sterilia 0107	4	53.0750	1.1776	0.5888	51.2012	54.9488	51.92	54.72
Ascomycetes 3 0125	4	45.9650	2.6217	1.3109	41.7932	50.1368	43.40	49.06
Hyphomycetes 1 0126	4	49.2850	4.5173	2.2587	42.0969	56.4731	43.40	52.83
<i>Acremonium</i> 0119	4	55.4475	1.7894	0.8947	52.6002	58.2948	52.83	56.60
Ascomycetes 4 0084	4	51.1800	1.9435	0.9718	48.0874	54.2726	49.06	52.83
<i>Fusarium</i> 0085	4	49.7650	0.9000	0.4500	48.3329	51.1971	49.06	50.94
Hyphomycetes 2 0127	4	52.5950	2.4836	1.2418	48.6431	56.5469	50.00	54.72
Ascomycetes 1 0104	4	53.5650	2.1313	1.0656	50.1737	56.9563	50.94	55.77
Ascomycetes 1 0102	4	49.7650	4.4481	2.2241	42.6871	56.8429	43.40	52.83
Coelomycetes 2 0069	4	46.9450	4.2567	2.1283	40.1717	53.7183	43.40	51.92
Coelomycetes 2 0080	4	44.5475	0.9112	0.4556	43.0976	45.9974	43.40	45.28
Total	200	51.4086	4.0766	2.8830	50.8401	51.9770	43.40	60.38

ผลการวิเคราะห์ผลของเชื้อราเอนโดไฟต์ต่อการงอกของเมล็ดข้าว

ตารางที่ 6 การวิเคราะห์ผลของเชื้อราเอนโดไฟต์ต่อการงอกของเมล็ดข้าว

Test of Homogeneity of Variances

Germination

Levence Statistic	df1	df2	Sig.
3.365	5	18	0.025

ANOVA

Germination

Source	Sum of Squares	Df	Mean Square	F	Sig.
Between Groups	314.000	5	62.800	6.893	0.001
Within Groups	164.000	18	9.111		
Total	478.000	23			

Homogeneous Subsets

Germination

Duncan^a

Treatment	N	Subset for alpha = 0.05		
		1	2	3
Coelomycetes 1 0117	4	86.7500		
Nodulosporium 0020	4	88.2500		
Aspergillus 0036	4	88.5000		
Neosartorya 0026	4	89.0000	89.0000	
Acremonium 0119	4		93.2500	93.2500
Control	4			97.2500
Sig.		0.346	0.062	0.077

Means for groups in homogeneous subsets are displayed.

a. Use Harmonic Mean Sample Size = 4.000.

Descriptives

Germination

Treatment	N	Mean	Std. Deviation	Std. Error	95% Confidence Interval for Mean		Minimum	Maximum
					Lower Bound	Upper Bound		
<i>Nodulosporium</i> 0020	4	88.2500	2.7538	1.3769	83.8681	92.6319	85.00	91.00
<i>Neosartorya</i> 0026	4	89.0000	5.2915	2.6458	80.5800	97.4200	82.00	94.00
<i>Aspergillus</i> 0036	4	88.5000	2.3805	1.1902	84.7121	92.2879	85.00	90.00
<i>Coelomycetes</i> 1 0117	4	86.7500	3.2016	1.6008	81.6556	91.8444	84.00	90.00
<i>Acremonium</i> 0119	4	93.2500	1.5000	0.7500	90.8632	95.6368	92.00	95.00
Control	4	97.2500	0.9574	0.4787	95.7265	98.7735	96.00	98.00
Total	24	90.5000	4.5588	0.9306	88.5750	92.4250	82.00	98.00

ผลการวิเคราะห์ผลของเชื้อราแอนโตไฟต์ต่อการเจริญของกล้าข้าวในโรงเรือน

ตารางที่ 7 การวิเคราะห์ผลของเชื้อราแอนโตไฟต์ต่อการเจริญของกล้าข้าวในโรงเรือน โดย
วัดจากน้ำหนักสดของกล้าข้าวที่อายุ 14 วัน

Test of Homogeneity of Variances

Fresh weight at 14th date

Levene Statistic	df1	df2	Sig.
1.531	5	18	0.230

ANOVA

Fresh weight at 14th date

Source	Sum of Squares	Df	Mean Square	F	Sig.
Between Groups	35.230	5	7.046	31.298	0.000
Within Groups	4.052	18	0.225		
Total	39.282	23			

Homogeneous Subsets

Fresh weight at 14th date

Duncan^a

Treatment	N	Subset for alpha = 0.05			
		1	2	3	4
<i>Neosartorya</i> 0026	4	10.9175			
<i>Coelomycetes</i> 1 0117	4		11.7625		
<i>Nodulosporium</i> 0020	4			13.2600	
Control	4			13.3575	
<i>Aspergillus</i> 0036	4				14.1050
<i>Acremonium</i> 0119	4				14.2425
Sig.		1.000	1.000	0.775	0.687

Means for groups in homogeneous subsets are displayed.

a. Use Harmonic Mean Sample Size = 4.000.

Descriptives

Fresh weight at 14th date

Treatment	N	Mean	Std. Deviation	Std. Error	95% Confidence Interval for Mean		Minimum	Maximum
					Lower Bound	Upper Bound		
					<i>Nodulosporium</i> 0020	4		
<i>Neosartorya</i> 0026	4	10.9175	0.2517	0.1259	10.5170	11.3180	10.68	11.14
<i>Aspergillus</i> 0036	4	14.1050	0.6202	0.3101	13.1181	11.0919	13.33	14.79
<i>Coelomycetes</i> 1 0117	4	11.7625	0.6325	0.3163	10.7560	12.7690	10.83	12.23
<i>Acremonium</i> 0119	4	14.2425	0.3742	0.1871	13.6471	14.8379	13.74	14.64
Control	4	13.3575	0.1190	5.949E-02	13.1682	13.5468	13.18	13.43
Total		12.9408	1.3069	0.2668	12.3890	13.4927	10.68	14.79

ตารางที่ 8 การวิเคราะห์ผลของเชื้อราเอนโดไฟต์ต่อการเจริญของกล้าข้าวในโรงเรือนโดย
วัดจากน้ำหนักสดของกล้าข้าวที่อายุ 21 วัน

Test of Homogeneity of Variances

Fresh weight at 21st date

Levene Statistic	df1	df2	Sig.
0.637	5	18	0.675

ANOVA

Fresh weight at 21st date

Source	Sum of Squares	df	Mean Square	F	Sig.
Between Groups	10.800	5	2.160	2.418	0.076
Within Groups	16.078	18	0.893		
Total	26.878	23			

Homogeneous Subsets

Fresh weight at 21st date

Duncan^a

Treatment	N	Subset for alpha = 0.05		
		1	2	3
<i>Nodulosporium</i> 0020	4	18.2150		
<i>Neosartorya</i> 0026	4	18.4975	18.4975	
<i>Acremonium</i> 0119	4	19.1175	19.1175	19.1175
<i>Coelomycetes</i> 1 0117	4	19.1675	19.1675	19.1675
<i>Aspergillus</i> 0036	4		19.8375	19.8375
Control	4			20.1125
Sig.		0.207	0.081	0.188

Means for groups in homogeneous subsets are displayed.

a. Use Harmonic Mean Sample Size = 4.000.

Descriptives

Fresh weight at 21st date

Treatment	N	Mean	Std. Deviation	Std. Error	95% Confidence Interval for Mean		Minimum	Maximum
					Lower	Upper		
					Bound	Bound		
<i>Nodulosporium</i> 0020	4	18.2150	0.9906	0.4953	16.6387	19.7913	16.81	19.13
<i>Neosartorya</i> 0026	4	18.4975	0.6284	0.3142	17.4977	19.4973	17.63	19.10
<i>Aspergillus</i> 0036	4	19.8375	1.0870	0.5435	18.1079	21.5671	18.66	21.25
<i>Coelomycetes</i> 1 0117	4	19.1675	0.9318	0.4659	17.6848	20.6502	18.29	20.47
<i>Acremonium</i> 0119	4	19.1175	0.6315	0.3158	18.1126	20.1224	18.26	19.70
Control	4	20.1125	1.2387	0.6194	18.1414	22.0836	18.51	21.20
Total	24	19.1579	1.0810	0.2207	18.7014	19.6144	16.81	21.25

ตารางที่ 9 การวิเคราะห์ผลของเชื้อราเอนโดไฟต์ต่อการเจริญของกล้าข้าวในโรงเรือนโดย
วัดจากน้ำหนักสดของกล้าข้าวที่อายุ 28 วัน

Test of Homogeneity of Variances

Fresh weight at 28th date

Levence Statistic	df1	df2	Sig.
1.657	5	18	0.196

ANOVA

Fresh weight at 28th date

Source	Sum of Squares	df	Mean Square	F	Sig.
Between Groups	97.195	5	19.439	5.306	0.004
Within Groups	65.943	18	3.664		
Total	163.138	23			

Homogeneous Subsets

Fresh weight at 28th date

Duncan^a

Treatment	N	Subset for alpha = 0.05	
		1	2
<i>Neosartorya</i> 0026	4	24.3425	
<i>Coelomycetes</i> 1 0117	4	24.7650	
<i>Nodulosporium</i> 0020	4	25.4025	
<i>Aspergillus</i> 0036	4	25.5925	
Control	4	27.3225	
<i>Acremonium</i> 0119	4		30.2700
Sig.		0.061	1.000

Means for groups in homogeneous subsets are displayed.

a. Use Harmonic Mean Sample Size = 4.000.

Descriptives

Fresh weight at 28th date

Treatment	N	Mean	Std. Deviation	Std. Error	95% Confidence Interval for Mean		Minimum	Maximum
					Lower Bound	Upper Bound		
<i>Nodulosporium</i> 0020	4	25.4025	3.0577	1.5289	20.5370	30.2680	21.38	28.61
<i>Neosartorya</i> 0026	4	24.3425	1.1335	0.5668	22.5388	26.1462	23.15	25.67
<i>Aspergillus</i> 0036	4	25.5925	1.0615	0.5308	23.9034	27.2816	24.42	26.95
<i>Coelomyces</i> 1 0117	4	24.7650	0.8933	0.4466	23.3436	26.1864	24.00	26.05
<i>Acremonium</i> 0119	4	30.2700	1.6627	0.8313	27.6243	32.9157	28.23	32.29
Control	4	27.3225	2.5802	1.2901	23.2168	31.4282	25.18	30.77
Total	24	26.2825	2.6633	0.5436	25.1579	27.4071	21.38	32.29

ตารางที่ 10 การวิเคราะห์ผลของเชื้อราเอนโคไฟต์ต่อการเจริญของกล้าข้าวในโรงเรือนโดย
วัดจากน้ำหนักสดของกล้าข้าวที่อายุ 35 วัน

Test of Homogeneity of Variances

Fresh weight at 35th date

Levene Statistic	df1	df2	Sig.
1.343	5	18	0.292

ANOVA

Fresh weight at 35th date

Source	Sum of Squares	df	Mean Square	F	Sig.
Between Groups	1396.408	5	279.282	17.562	0.000
Within Groups	286.249	18	15.903		
Total	1682.657	23			

Homogeneous Subsets

Fresh weight at 35th date

Duncan^a

Treatment	N	Subset for alpha = 0.05	
		1	2
Control	4	35.1350	
<i>Aspergillus</i> 0036	4	37.1675	
<i>Nodulosporium</i> 0020	4	39.8400	
<i>Neosartorya</i> 0026	4		51.2200
<i>Coelomycetes</i> 1 0117	4		52.6900
<i>Acremonium</i> 0119	4		53.1300
Sig.		0.131	0.530

Means for groups in homogeneous subsets are displayed.

a. Use Harmonic Mean Sample Size = 4.000.

Descriptives

Fresh weight at 35th date

Treatment	N	Mean	Std. Deviation	Std. Error	95% Confidence Interval for Mean		Minimum	Maximum
					Lower Bound	Upper Bound		
					<i>Nodulosporium</i> 0020	4		
<i>Neosartorya</i> 0026	4	51.2200	1.3981	0.6991	48.9952	53.4448	49.93	52.63
<i>Aspergillus</i> 0036	4	37.1675	3.4463	1.7231	31.6837	42.6513	34.02	41.26
<i>Coelomycetes</i> 1 0117	4	52.6900	5.1340	2.5670	44.5206	60.8594	46.15	57.83
<i>Acremonium</i> 0119	4	53.1300	2.3247	1.1623	49.4309	56.8291	50.49	55.86
Control	4	35.1350	5.2627	2.6313	26.7609	43.5091	27.59	39.71
Total	24	44.8638	8.5533	1.7459	41.2520	48.4755	27.59	57.83

ตารางที่ 11 การวิเคราะห์ผลของเชื้อราเอนโคไฟต์ต่อการเจริญของกล้าข้าวในโรงเรือนโดย
วัดจากน้ำหนักแห้งของกล้าข้าวที่อายุ 14 วัน

Test of Homogeneity of Variances

Dry weight at 14th date

Levene Statistic	df1	df2	Sig.
3.085	5	18	0.035

ANOVA

Dry weight at 14th date

Source	Sum of Squares	df	Mean Square	F	Sig.
Between Groups	8.148E-02	5	1.630E-02	1.897	0.145
Within Groups	0.155	18	8.592E-03		
Total	0.236	23			

Homogeneous Subsets

Dry weight at 14th date

Duncan^a

Treatment	N	Subset for alpha = 0.05	
		1	2
Control	4	2.0700	
<i>Neosartorya</i> 0026	4	2.0725	
<i>Acremonium</i> 0119	4	2.1125	2.1125
<i>Aspergillus</i> 0036	4	2.1500	2.1500
<i>Coelomycetes</i> 1 0117	4	2.1850	2.1850
<i>Nodulosporium</i> 0020	4		2.2300
Sig.		0.130	0.116

Means for groups in homogeneous subsets are displayed.

a. Use Harmonic Mean Sample Size = 4.000.

Descriptives

Dry weight at 14th date

Treatment	N	Mean	Std. Deviation	Std. Error	95% Confidence Interval for Mean		Minimum	Maximum
					Lower	Upper		
					Bound	Bound		
<i>Nodulosporium</i> 0020	4	2.2300	6.976E-02	3.488E-02	2.1190	2.3410	2.14	2.31
<i>Neosartorya</i> 0026	4	2.0725	4.787E-02	2.394E-02	1.9963	2.1487	2.02	2.13
<i>Aspergillus</i> 0036	4	2.1850	8.888E-02	4.444E-02	2.0436	2.3264	2.06	2.27
<i>Coelomycetes</i> 1 0117	4	2.1500	0.1472	7.360E-02	1.9158	2.3842	1.98	2.32
<i>Acremonium</i> 0119	4	2.1125	3.775E-02	1.887E-02	2.0524	2.1726	2.07	2.16
Control	4	2.0700	0.1158	5.788E-02	1.8858	2.2542	1.96	2.17
Total	24	2.1367	0.1013	2.068E-02	2.0939	2.1795	1.96	2.32

ตารางที่ 12 การวิเคราะห์ผลของเชื้อราเอนโคไฟต์ต่อการเจริญของกล้าข้าวในโรงเรือนโดย
วัดจากน้ำหนักแห้งของกล้าข้าวที่อายุ 21 วัน

Test of Homogeneity of Variances

Dry weight at 21st date

Levene Statistic	df1	df2	Sig.
2.230	5	18	0.096

ANOVA

Dry weight at 21st date

Source	Sum of Squares	df	Mean Square	F	Sig.
Between Groups	9.685E-02	5	1.937E-02	0.708	0.625
Within Groups	0.492	18	2.734E-02		
Total	0.589	23			

Homogeneous Subsets

Dry weight at 21st date

Duncan^a

Treatment	N	Subset for alpha =
		0.05
		1
<i>Nodulosporium</i> 0020	4	2.6675
<i>Aspergillus</i> 0036	4	2.6900
<i>Acremonium</i> 0119	4	2.7325
Control	4	2.7325
<i>Neosartorya</i> 0026	4	2.7675
<i>Coelomycetes</i> 1 0117	4	2.8650
Sig.		0.150

Means for groups in homogeneous subsets are displayed.

a. Use Harmonic Mean Sample Size = 4.000.

Descriptives

Dry weight at 21st date

Treatment	N	Mean	Std. Deviation	Std. Error	95% Confidence Interval for Mean		Minimum	Maximum
					Lower	Upper		
					Bound	Bound		
<i>Nodulosporium</i> 0020	4	2.6675	0.1576	7.878E-02	2.4168	2.9182	2.45	2.82
<i>Neosartorya</i> 0026	4	2.7675	8.655E-02	4328E-02	2.6298	2.9052	2.65	2.85
<i>Aspergillus</i> 0036	4	2.6900	7.439E-02	3.719E-02	2.5716	2.8084	2.61	2.79
<i>Coelomycetes</i> 1 0117	4	2.8650	0.3025	0.1512	2.3837	3.3463	2.50	3.21
<i>Acremonium</i> 0119	4	2.7325	0.1109	5.543E-02	2.5561	2.9089	2.59	2.83
Control	4	2.7325	0.1497	7.487E-02	2.4942	2.9708	2.59	2.94
Total	24	2.7425	0.1600	3.267E-02	2.6749	2.8101	2.45	3.21

ตารางที่ 13 การวิเคราะห์ผลของเชื้อราเอนโดไฟต์ต่อการเจริญของกล้าข้าวในโรงเรือนโดย
วัดจากน้ำหนักแห้งของกล้าข้าวที่อายุ 28 วัน

Test of Homogeneity of Variances

Dry weight at 28th date

Levene Statistic	df1	df2	Sig.
1.623	5	18	0.205

ANOVA

Dry weight at 28th date

Source	Sum of Squares	df	Mean Square	F	Sig.
Between Groups	3.820	5	0.764	7.525	0.001
Within Groups	1.827	18	0.102		
Total	5.647	23			

Homogeneous Subsets

Dry weight at 28th date

Duncan^a

Treatment	N	Subset for alpha = 0.05		
		1	2	3
Coelomycetes1 0117	4	3.5900		
<i>Nodulosporium</i> 0020	4		4.0650	
<i>Aspergillus</i> 0036	4		4.1925	
<i>Neosartorya</i> 0026	4		4.2700	
Control	4		4.3350	
<i>Acremonium</i> 1 0119	4			4.9400
Sig.		1.000	0.286	1.000

Means for groups in homogeneous subsets are displayed.

a. Use Harmonic Mean Sample Size = 4.000.

Descriptives

Dry weight at 28th date

Treatment	N	Mean	Std. Deviation	Std. Error	95% Confidence Interval for Mean		Minimum	Maximum
					Lower Bound	Upper Bound		
<i>Nodulosporium</i> 0020	4	4.0650	0.4277	0.2139	3.3844	4.7456	3.53	4.50
<i>Neosartorya</i> 0026	4	4.2700	0.1322	6.608E-02	4.0597	4.4803	4.12	4.40
<i>Aspergillus</i> 0036	4	4.1925	0.3561	0.1781	3.6258	4.7592	3.87	4.70
<i>Coelomycetes</i> 1 0117	4	3.5900	0.2474	0.1237	3.1964	3.9836	3.24	3.80
<i>Acremonium</i> 0119	4	4.9400	0.2026	0.1013	4.6175	5.2625	4.76	5.20
Control	4	4.3350	0.4238	0.2119	3.6607	5.0093	3.93	4.87
Total	24	4.2321	0.4955	0.1011	4.0229	4.4413	3.24	5.20

ตารางที่ 14 การวิเคราะห์ผลของเชื้อราเอนโคไฟต์ต่อการเจริญของกล้าข้าวในโรงเรือนโดย
วัดจากน้ำหนักแห้งของกล้าข้าวที่อายุ 35 วัน

Test of Homogeneity of Variances

Dry weight at 35th date

Levene Statistic	df1	df2	Sig.
0.891	5	18	0.507

ANOVA

Dry weight at 35th date

Source	Sum of Squares	df	Mean Square	F	Sig.
Between Groups	30.887	5	6.177	9.604	0.000
Within Groups	11.578	18	0.643		
Total	42.464	23			

Homogeneous Subsets

Dry weight at 35th date

Duncan^a

Treatment	N	Subset for alpha = 0.05	
		1	2
<i>Aspergillus</i> 0036	4	6.0325	
<i>Nodulosporium</i> 0020	4	6.3050	
Control	4	6.4325	
<i>Coelomycetes</i> 1 0117	4		8.3625
<i>Neosartorya</i> 0026	4		8.4500
<i>Acremonium</i> 0119	4		8.7000
Sig.		0.514	0.581

Means for groups in homogeneous subsets are displayed.

a. Use Harmonic Mean Sample Size = 4.000.

DescriptivesDry weight at 35th date

Treatment	N	Mean	Std. Deviation	Std. Error	95% Confidence Interval for Mean		Minimum	Maximum
					Lower Bound	Upper Bound		
					<i>Nodulosporium</i> 0020	4		
<i>Neosartorya</i> 0026	4	8.4500	0.5492	0.2746	7.5760	9.3240	7.90	9.20
<i>Aspergillus</i> 0036	4	6.0325	0.8611	0.4305	4.6623	7.4027	5.43	7.30
<i>Coelomycetes</i> 1 0117	4	8.3625	0.3425	0.1712	7.8175	8.9075	7.95	8.75
<i>Acremonium</i> 0119	4	8.7000	1.0563	0.5282	7.0191	10.3809	7.93	10.23
Control	4	6.4325	1.0235	0.5117	4.8039	8.0611	5.00	7.43
Total	24	7.3804	1.3588	0.2774	6.8067	7.9542	5.00	10.23

ผลการวิเคราะห์ประสิทธิภาพของเชื้อราเอนโคไฟต์ต่อการงอกของเมล็ดข้าวที่ถูกปลูกด้วยเชื้อราสาเหตุโรคถดฝักคาบของข้าว

ตารางที่ 15 ผลการวิเคราะห์ประสิทธิภาพของเชื้อราเอนโคไฟต์ต่อการงอกของเมล็ดข้าวที่ถูกปลูกด้วยเชื้อราสาเหตุโรคถดฝักคาบของข้าว

Test of Homogeneity of Variances

Germination

Levence Statistic	df1	df2	Sig.
4.663	6	21	0.004

ANOVA

Germination

Source	Sum of Squares	df	Mean Square	F	Sig.
Between Groups	3968.929	6	661.488	41.373	0.000
Within Groups	335.750	21	15.988		
Total	4304.679	27			

Homogeneous Subsets

Germination

Duncan^a

Treatment	N	Subset for alpha = 0.05			
		1	2	3	4
<i>Fusarium</i>	4	54.2500			
Coelomycetes I 0117	4		71.7500		
<i>Neosartorya</i> 0026	4		77.5000	77.5000	
<i>Acremonium</i> 0119	4			78.7500	
<i>Aspergillus</i> 0036	4			80.5000	
<i>Nodulosporium</i> 0020	4			81.7500	
Control	4				97.2500
Sig.		1.000	0.055	0.182	1.000

Means for groups in homogeneous subsets are displayed.

a. Use Harmonic Mean Sample Size = 4.000.

Descriptives

Germination

Treatment	N	Mean	Std. Deviation	Std. Error	95% Confidence Interval for Mean		Minimum	Maximum
					Lower	Upper		
					Bound	Bound		
<i>Nodulosporium</i> 0020	4	81.7500	2.0616	1.0308	78.4696	85.0304	80.00	84.00
<i>Neosartorya</i> 0026	4	77.5000	0.5774	0.2887	76.5813	78.4187	77.00	78.00
<i>Aspergillus</i> 0036	4	80.5000	3.3166	1.6583	75.2225	85.7775	76.00	84.00
Coelomycetes I 0117	4	71.7500	7.1822	3.5911	60.3216	83.1784	64.00	81.00
<i>Acremonium</i> 0119	4	78.7500	0.9574	0.4787	77.2265	80.2735	78.00	80.00
Control	4	97.2500	0.9574	0.4787	95.7265	98.7735	96.00	98.00
<i>Fusarium</i>	4	54.2500	6.5511	3.2755	43.8258	64.6742	46.00	60.00
Total	24	77.3929	12.6267	2.3862	72.4967	82.2890	46.00	98.00

ผลการวิเคราะห์ประสิทธิภาพของเชื้อราเอนโคไฟต์ในการควบคุมโรคยอดผักตบชวาของข้าวในระยะต้นกล้าในโรงเรือน

ตารางที่ 16 การวิเคราะห์ประสิทธิภาพของเชื้อราเอนโคไฟต์ในการควบคุมโรคยอดผักตบชวาของข้าวในระยะต้นกล้าในโรงเรือน โดยวัดผลจากน้ำหนักสดของกล้าข้าวที่อายุ 14 วัน

Test of Homogeneity of Variances

Fresh weight at 14th date

Levene Statistic	df1	df2	Sig.
1.788	6	21	0.150

ANOVA

Fresh weight at 14th date

Source	Sum of Squares	df	Mean Square	F	Sig.
Between Groups	19.766	6	3.294	10.360	0.000
Within Groups	6.678	21	0.318		
Total	26.444	27			

Homogeneous Subsets

Fresh weight at 14th date

Duncan^a

Treatment	N	Subset for alpha = 0.05		
		1	2	3
<i>Fusarium</i>	4	11.1000		
<i>Aspergillus</i> 0036	4	11.3450		
<i>Neosartorya</i> 0026	4	11.5350		
<i>Acremonium</i> 0119	4	11.9825	11.9825	
<i>Nodulosporium</i> 0020	4		12.5150	12.5150
<i>Coelomyces</i> 1 0117	4			13.2425
Control				13.3575
Sig.		0.054	0.196	0.057

Means for groups in homogeneous subsets are displayed.

a. Use Harmonic Mean Sample Size = 4.000

Descriptives

Fresh weight at 14th date

Treatment	N	Mean	Std. Deviation	Std. Error	95% Confidence Interval for Mean		Minimum	Maximum
					Lower Bound	Upper Bound		
					<i>Nodulosporium</i> 0020	4		
<i>Neosartorya</i> 0026	4	11.5350	0.4156	0.2078	10.8737	12.1963	10.99	11.98
<i>Aspergillus</i> 0036	4	11.3450	0.5629	0.2815	10.4492	12.2408	10.86	11.90
<i>Coelomycetes</i> 1 0117	4	13.2425	0.8290	0.4145	11.9234	14.5616	12.58	14.45
<i>Acremonium</i> 0119	4	11.9825	0.3911	0.1955	11.3602	12.6048	11.46	12.40
Control	4	13.3575	0.1190	5.949E-02	13.1682	13.5468	13.18	13.43
<i>Fusarium</i>	4	11.1000	0.4971	0.2486	10.3090	11.8910	10.67	11.56
Total	24	12.1539	0.9896	0.1870	11.7702	12.5377	10.67	14.45

ตารางที่ 17 การวิเคราะห์ประสิทธิภาพของเชื้อราเอนโดไฟต์ในการควบคุมโรคถดถอยของข้าว
ในระยะต้นกล้าในโรงเรือน โดยวัดผลจากน้ำหนักสดของกล้าข้าวที่อายุ 21 วัน

Test of Homogeneity of Variances

Fresh weight at 21st date

Levence Statistic	df1	df2	Sig.
2.440	6	21	0.060

ANOVA

Fresh weight at 21st date

Source	Sum of Squares	df	Mean Square	F	Sig.
Between Groups	38.651	6	6.442	4.464	0.005
Within Groups	30.305	21	1.443		
Total	68.956	27			

Homogeneous Subsets

Fresh weight at 21st date

Duncan^a

Treatment	N	Subset for alpha = 0.05		
		1	2	3
<i>Fusarium</i>	4	15.8225		
<i>Neosartorya</i> 0026	4		17.6425	
<i>Nodulosporium</i> 0020	4		17.8150	
<i>Coelomycetes</i> 1 0117	4		18.0000	
<i>Aspergillus</i> 0036	4		18.1725	
<i>Acremonium</i> 0119	4		18.5175	18.5175
Control	4			20.1125
Sig.		1.000	0.366	0.074

Means for groups in homogeneous subsets are displayed.

a. Use Harmonic Mean Sample Size = 4.000.

Descriptives

Fresh weight at 21st date

Treatment	N	Mean	Std. Deviation	Std. Error	95% Confidence Interval for Mean		Minimum	Maximum
					Lower Bound	Upper Bound		
<i>Nodulosporium</i> 0020	4	17.8150	1.3560	0.6780	15.6573	19.9727	16.84	19.80
<i>Neosartorya</i> 0026	4	17.6425	0.4888	0.2444	16.8648	18.4202	17.11	18.25
<i>Aspergillus</i> 0036	4	18.1725	1.5609	0.7805	15.6888	20.6562	16.35	19.99
<i>Coelomyces</i> 1 0117	4	18.0000	0.1802	9.009E-02	17.7133	18.2867	17.79	18.23
<i>Acremonium</i> 0119	4	18.5175	0.8228	0.4114	17.2083	19.8267	17.65	19.46
Control	4	20.1125	1.2387	0.6194	18.1414	22.0836	18.51	21.20
<i>Fusarium</i>	4	15.8225	1.8286	0.9143	12.9127	18.7323	13.36	17.49
Total	24	18.0118	1.5981	0.3020	17.3921	18.6315	13.36	21.20

ตารางที่ 18 การวิเคราะห์ประสิทธิภาพของเชื้อราเอนโดไฟต์ในการควบคุมโรคถดถอยของข้าว
ในระยะต้นกล้าในโรงเรือน โดยวัดผลจากน้ำหนักสดของกล้าข้าวที่อายุ 28 วัน

Test of Homogeneity of Variances

Fresh weight at 28th date

Levene Statistic	df1	df2	Sig.
4.261	6	21	0.006

ANOVA

Fresh weight at 28th date

Source	Sum of Squares	df	Mean Square	F	Sig.
Between Groups	278.450	6	46.408	5.274	0.002
Within Groups	184.775	21	8.799		
Total	463.225	27			

Homogeneous Subsets

Fresh weight at 28th date

Duncan^a

Treatment	N	Subset for alpha = 0.05		
		1	2	3
<i>Nodulosporium</i> 0020	4	18.9050		
<i>Fusarium</i>	4	20.4125	20.4125	
<i>Neosartorya</i> 0026	4	21.1300	21.1300	
<i>Coelomycetes</i> 1 0117	4		24.1475	24.1475
<i>Aspergillus</i> 0036	4		24.9625	24.9525
Control	4			27.3225
<i>Acremonium</i> 0119	4			27.5225
Sig.		0.328	0.058	0.154

Means for groups in homogeneous subsets are displayed.

a. Use Harmonic Mean Sample Size = 4,000.

Descriptives

Fresh weight at 28th date

Treatment	N	Mean	Std. Deviation	Std. Error	95% Confidence Interval for Mean		Minimum	Maximum
					Lower	Upper		
					Bound	Bound		
<i>Nodulosporium</i> 0020	4	18.9050	6.7838	3.3919	8.1105	29.6995	8.88	23.27
<i>Neosartorya</i> 0026	4	21.1300	0.2617	0.1308	20.7136	21.5464	20.80	21.35
<i>Aspergillus</i> 0036	4	24.9625	1.1622	0.5811	23.1132	26.8118	23.76	26.45
<i>Coelomycetes</i> 1 0117	4	24.1475	1.4068	0.7034	21.9089	26.3861	22.30	25.50
<i>Acremonium</i> 0119	4	27.5225	1.8070	0.9035	24.6471	30.3979	24.89	28.87
Control	4	27.3225	2.5802	1.2901	23.2168	31.4282	25.18	30.77
<i>Fusarium</i>	4	20.4125	1.5005	0.7502	18.0249	22.8001	19.14	22.38
Total	24	23.4861	4.1420	0.7828	21.8800	25.0922	8.88	30.37

ตารางที่ 19 การวิเคราะห์ประสิทธิภาพของเชื้อราเอนโคไฟต์ในการควบคุมโรคยอดผักดาบของข้าว
ในระยะต้นกล้าในโรงเรือน โดยวัดผลจากน้ำหนักสดของกล้าข้าวที่อายุ 35 วัน

Test of Homogeneity of Variances

Fresh weight at 35th date

Levence Statistic	df1	df2	Sig.
1.603	6	21	0.196

ANOVA

Fresh weight at 35th date

Treatment	Sum of Squares	df	Mean Square	F	Sig.
Between Groups	790.354	6	131.726	8.578	0.000
Within Groups	322.474	21	15.356		
Total	1112.828	27			

Homogeneous Subsets

Fresh weight at 35th date

Duncan^a

Treatment	N	Subset for alpha = 0.05		
		1	2	3
<i>Nodulosporium</i> 0020	4	25.8050		
<i>Fusarium</i>	4		33.9600	
Control	4		35.1350	
<i>Acremonium</i> 0119	4		35.4125	
<i>Aspergillus</i> 0036	4		37.4825	
<i>Coelomycetes</i> 1 0117	4		40.0700	40.0700
<i>Neosartorya</i> 0026				44.3450
Sig.		1.000	0.059	0.138

Means for groups in homogeneous subsets are displayed.

a. Use Harmonic Mean Sample Size = 4.000.

Descriptives

Fresh weight at 35th date

Treatment	N	Mean	Std. Deviation	Std. Error	95% Confidence Interval for Mean		Minimum	Maximum
					Lower	Upper		
					Bound	Bound		
<i>Nodulosporium</i> 0020	4	25.8050	1.1597	0.5798	23.9597	27.6503	24.49	26.95
<i>Neosartorya</i> 0026	4	44.3450	4.8613	2.4307	36.6095	52.0805	37.82	48.86
<i>Aspergillus</i> 0036	4	37.4825	6.0208	3.0104	27.9020	47.0630	32.50	46.06
<i>Coelomycetes</i> 1 0117	4	40.0700	1.4057	0.7028	37.8333	42.3067	38.20	41.43
<i>Acremonium</i> 0119	4	35.4125	3.1629	1.5814	30.3797	40.4453	33.16	40.10
Control	4	35.1350	5.2627	2.6313	26.7609	43.5091	27.59	39.71
<i>Fusarium</i>	4	33.9600	2.5667	1.2834	29.8758	38.0442	30.30	36.21
Total	24	36.0300	6.4200	1.2133	33.5406	38.5194	24.49	48.86

ตารางที่ 20 การวิเคราะห์ประสิทธิภาพของเชื้อราเอนโดไฟต์ในการควบคุมโรคยอดฝักดาบของข้าว
ในระยะต้นกล้าในโรงเรือน โดยวัดผลจากน้ำหนักแห้งของกล้าข้าวที่อายุ 14 วัน

Test of Homogeneity of Variances

Dry weight at 14th date

Levene Statistic	df1	df2	Sig.
4.016	6	21	0.008

ANOVA

Dry weight at 14th date

Source	Sum of Squares	df	Mean Square	F	Sig.
Between Groups	0.757	6	0.126	6.048	0.001
Within Groups	0.438	21	2.085E-02		
Total	1.195	27			

Homogeneous Subsets

Dry weight at 14th date

Duncan^a

Treatment	N	Subset for alpha = 0.05		
		1	2	3
<i>Fusarium</i>	4	1.7925		
<i>Aspergillus</i> 0036	4	1.8000		
<i>Neosartorya</i> 0026	4	1.8300		
<i>Acremonium</i> 0119	4	1.8950	1.8950	
<i>Coelomycetes</i> 1 0117	4	2.0175	2.0175	
Control	4		2.0700	2.0700
<i>Nodulosporium</i> 0020				2.2750
Sig.		0.059	0.119	0.058

Means for groups in homogeneous subsets are displayed.

a. Use Harmonic Mean Sample Size = 4.000.

Descriptives

Dry weight at 14th date

Treatment	N	Mean	Std. Deviation	Std. Error	95% Confidence Interval for Mean		Minimum	Maximum
					Lower	Upper		
					Bound	Bound		
<i>Nodulosporium</i> 0020	4	2.2750	0.2929	0.1464	1.8090	2.7410	1.96	2.63
<i>Neosartorya</i> 0026	4	1.8300	5.657E-02	2.828E-02	1.7400	1.9200	1.79	1.91
<i>Aspergillus</i> 0036	4	1.8000	9.899E-02	4.950E-02	1.6425	1.9575	1.71	1.94
<i>Coelomycetes</i> 1 0117	4	2.0175	0.1417	7.087E-02	1.7920	2.2430	1.83	2.15
<i>Acremonium</i> 0119	4	1.8950	6.952E-02	3.476E-02	1.7844	2.0056	1.81	1.98
Control	4	2.0700	0.1158	5.788E-02	1.8858	2.2542	1.96	2.17
<i>Fusarium</i>	4	1.7925	9.430E-02	4.715E-02	1.6425	1.9425	1.66	1.88
Total	24	1.9543	0.2104	3.975E-02	1.8727	2.0359	1.66	2.63

ตารางที่ 21 การวิเคราะห์ประสิทธิภาพของเชื้อราเอนโดไฟต์ในการควบคุมโรคถดฝักคานของข้าว
ในระยะต้นกล้าในโรงเรือน โดยวัดผลจากน้ำหนักแห้งของกล้าข้าวที่อายุ 21 วัน

Test of Homogeneity of Variances

Dry weight at 21st date

Levene Statistic	df1	df2	Sig.
2.730	6	21	0.040

ANOVA

Dry weight at 21st date

Source	Sum of Squares	df	Mean Square	F	Sig.
Between Groups	0.506	6	8.429E-02	1.752	0.158
Within Groups	1.010	21	4.810E-02		
Total	1.516	27			

Homogeneous Subsets

Dry weight at 21st date

Duncan^a

Treatment	N	Subset for alpha = 0.05	
		1	2
<i>Fusarium</i>	4	2.3450	
<i>Aspergillus</i> 0036	4	2.5300	2.5300
<i>Nodulosporium</i> 0020	4	2.5900	2.5900
<i>Acremonium</i> 0119	4	2.6250	2.6250
<i>Neosartorya</i> 0026	4	2.6400	2.6400
Control	4		2.7325
<i>Coelomycetes</i> 1 0117	4		2.7925
Sig.		0.101	0.148

Means for groups in homogeneous subsets are displayed.

a. Use Harmonic Mean Sample Size = 4.000.

Descriptives

Dry weight at 21st date

Treatment	N	Mean	Std. Deviation	Std. Error	95% Confidence Interval for Mean		Minimum	Maximum
					Lower Bound	Upper Bound		
<i>Nodulosporium</i> 0020	4	2.5900	0.2523	0.1262	2.1885	2.9915	2.37	2.95
<i>Neosartorya</i> 0026	4	2.6400	2.309E-02	1.155E-02	2.6033	2.6767	2.62	2.66
<i>Aspergillus</i> 0036	4	2.5300	0.2083	0.1042	2.1985	2.8615	2.34	2.82
Coelomycete 1 0117	4	2.7925	0.2908	0.1454	2.3298	3.2552	2.49	3.11
<i>Acremonium</i> 0119	4	2.6250	8.583E-02	4.291E-02	2.4884	2.7616	2.50	2.69
Control	4	2.7325	0.1497	7.487E-02	2.4942	2.9708	2.59	2.94
<i>Fusarium</i>	4	2.3450	0.3388	0.1694	1.8059	2.8841	1.95	2.75
Total	24	2.6079	0.2369	4.478E-02	2.5160	2.6997	1.95	3.11

ตารางที่ 22 การวิเคราะห์ประสิทธิภาพของเชื้อราเอนโดไฟต์ในการควบคุมโรคยอดฝักคาบของข้าว
ในระยะต้นกล้าในโรงเรือน โดยวัดผลจากน้ำหนักแห้งของกล้าข้าวที่อายุ 28 วัน

Test of Homogeneity of Variances

Dry weight at 28th date

Levene Statistic	df1	Df2	Sig.
5.945	6	21	0.001

ANOVA

Dry weight at 28th date

Source	Sum of Squares	Df	Mean Square	F	Sig.
Between Groups	2.967	6	0.494	1.089	0.041
Within Groups	9.535	21	0.454		
Total	12.502	27			

Homogeneous Subsets

Dry weight at 28th date

Duncan^a

Treatment	N	Subset for alpha = 0.05
		1
Coelomycetes 1 0117	4	3.3300
<i>Fusarium</i>	4	3.4350
<i>Nodulosporium</i> 0020	4	3.6175
<i>Acremonium</i> 0119	4	3.6900
<i>Neosartorya</i> 0026	4	3.8100
<i>Aspergillus</i> 0036	4	4.0650
Control		4.3350
Sig.		0.077

Means for groups in homogeneous subsets are displayed.

a. Use Harmonic Mean Sample Size = 4.000.

Descriptives

Dry weight at 28th date

Treatment	N	Mean	Std. Deviation	Std. Error	95% Confidence Interval for Mean		Minimum	Maximum
					Lower Bound	Upper Bound		
<i>Nodulosporium</i> 0020	4	3.6175	0.2884	0.1442	3.1586	4.0764	3.23	3.87
<i>Neosartorya</i> 0026	4	3.8100	0.1361	6.807E-02	3.5934	4.0266	3.68	4.00
<i>Aspergillus</i> 0036	4	4.0650	0.2401	0.1200	3.6830	4.4470	3.83	4.40
<i>Coelomycetes</i> 1 0117	4	3.3300	8.869E-02	4.435E-02	3.1889	3.4711	3.20	3.40
<i>Acremonium</i> 0119	4	3.6900	1.6690	0.8345	1.0343	6.3457	1.20	4.68
Control	4	4.3350	0.4238	0.2119	3.6607	5.0093	3.93	4.87
<i>Fusarium</i>	4	3.4350	0.2150	0.1075	3.0929	3.7771	3.17	3.67
Total	24	3.7546	0.6805	0.1286	3.4908	4.0185	1.20	4.87

ตารางที่ 23 การวิเคราะห์ประสิทธิภาพของเชื้อราเอนโคไฟต์ในการควบคุมโรคยอดผักคาบของข้าว
ในระยะต้นกล้าในโรงเรือน โดยวัดผลจากน้ำหนักแห้งของกล้าข้าวที่อายุ 35 วัน

Test of Homogeneity of Variances

Dry weight at 35th date

Levence Statistic	df1	df2	Sig.
2.081	6	21	0.099

ANOVA

Dry weight at 35th date

Source	Sum of Squares	df	Mean Square	F	Sig.
Between Groups	57.536	6	9.589	24.785	0.000
Within Groups	8.125	21	0.387		
Total	65.661	27			

Homogeneous Subsets

Dry weight at 35th date

Duncan^a

Treatment	N	Subset for alpha = 0.05				
		1	2	3	4	5
<i>Nodulosporium</i> 0020	4	4.3825				
<i>Fusarium</i>	4	5.1400	5.1400			
<i>Coelomycetes</i> 1 0117	4		5.7000	5.7000		
<i>Aspergillus</i> 0036	4		5.8925	5.8925		
Control	4			6.4325	6.4325	
<i>Neosartorya</i> 0026	4				7.3250	
<i>Acremonium</i> 0119						9.0875
Sig.		0.100	0.119	0.129	0.055	1.000

Means for groups in homogeneous subsets are displayed.

a. Use Harmonic Mean Sample Size = 4.000.

Descriptives

Dry weight at 35th date

Treatment	N	Mean	Std. Deviation	Std. Error	95% Confidence Interval for Mean		Minimum	Maximum
					Lower Bound	Upper Bound		
<i>Nodulosporium</i> 0020	4	4.3825	0.1384	6.291E-02	4.1263	4.6027	4.20	4.53
<i>Neosartorya</i> 0026	4	7.3250	0.1848	9.242E-02	7.0309	7.6191	7.10	7.50
<i>Aspergillus</i> 0036	4	5.8925	0.5827	0.2913	4.9654	6.8196	5.10	6.47
Coelomycetes 1 0117	4	5.7000	0.2582	0.1291	5.2891	6.1109	5.40	6.00
<i>Acremonium</i> 0119	4	9.0875	1.0144	0.5072	7.4734	10.7016	7.65	9.85
Control	4	6.4325	1.0235	0.5117	4.8039	8.0611	5.00	7.43
<i>Fusarium</i>	4	5.1400	0.4152	0.2076	4.4793	5.8007	4.53	5.43
Total	24	6.2800	1.5595	0.2947	5.6753	6.8847	4.20	9.85

ประวัติผู้เขียน

ชื่อ	นางสาวชนินทร์ คงสะอาด
วัน เดือน ปีเกิด	1 กุมภาพันธ์ 2520
ประวัติการศึกษา	สำเร็จการศึกษาชั้นประถมศึกษา ปีการศึกษา 2532 จากโรงเรียนดาราวิทยาลัย จังหวัดเชียงใหม่ สำเร็จการศึกษาชั้นมัธยมศึกษาตอนต้น ปีการศึกษา 2535 จากโรงเรียนดาราวิทยาลัย จังหวัดเชียงใหม่ สำเร็จการศึกษาชั้นมัธยมศึกษาตอนปลาย(วิทย์-คณิต) ปีการศึกษา 2538 จากโรงเรียนดาราวิทยาลัย จังหวัดเชียงใหม่ สำเร็จการศึกษาระดับปริญญาตรี (วิทยาศาสตร์บัณฑิต สาขาวิชาโรคพืช) ปีการศึกษา 2541 จากภาควิชาโรคพืช คณะเกษตรศาสตร์ มหาวิทยาลัย เชียงใหม่
ที่อยู่	66 หมู่ 7 ตำบลสันผีเสื้อ อำเภอเมือง จังหวัดเชียงใหม่ 50300 โทรศัพท์ 053-244113