บทที่ 6

สรุปผลการทดลอง

การวิเคราะห์ลำดับเบสในช่วงบริเวณ ITS ของเชื้อรา *Colletotrichum* spp. จำนวน 13 ไอโซเลทที่แยกได้จาก กาแฟ ข้าวฟ่าง บีโกเนีย ลำไย พลับ ส้ม สแตติส บอนสี (สปอร์รูปทรงกระบอก) โกสน กล้วยน้ำว้า บอนสี (สปอร์รูปเคียว) กระเจียว และมะเขือเทศ พบว่าลำดับเบสตรงตำแหน่ง ITS รวมทั้งบางส่วนของยีน 18S และ 28S rDNA มีขนาดประมาณ 639-645 คู่เบส และความผันแปรในตำแหน่ง ITS1 มีมากกว่าในตำแหน่ง ITS2 และ 5.8S (27.07%, 11.73% และ 0.65% ตามลำดับ) เมื่อพิจารณา phylogenetic tree ที่ได้ พบว่า เชื้อรา 9 ไอโซเลท ที่แยกได้จาก กาแฟ โกสน ข้าวฟ่าง บอนสี (สปอร์รูปทรงกระบอก) บีโกเนีย พลับ ลำไย สแตติส และส้ม จัดอยู่ในกลุ่มเดียวกันกับเชื้อรา *C. gloeosporioides* สอดคล้องกับการศึกษาทางสัณฐานวิทยา ซึ่งอ้างอิงการจัดจำแนกโดย Sutton ในปี 1980 และไอโซเลทที่แยกได้จากกล้วยน้ำว้าถูกจัดอยู่ในกลุ่มเดียวกับเชื้อรา *C. musae* แต่ลักษณะทางสัณฐานวิทยาที่ศึกษาได้จัดจำแนกเชื้อราไอโซเลทดังกล่าวอยู่ในเชื้อรา *C. gloeosporioides* สำหรับเชื้อราไอโซเลทที่แยกได้จากบอนสี และกระเจียว ซึ่งมีลักษณะสปอร์คล้ายเคียว ถูกจัดอยู่ในกลุ่มเดียวกับเชื้อรา *C. capsici* สอดคล้องกับการจัดจำแนกทางสัณฐานวิทยาที่ได้ นอกจากนี้เชื้อไอโซเลทที่แยกได้จากมะเขือเทศจากประเทศญี่ปุ่น พบว่าผลการจัดจำแนกสอดคล้องกับการวิเคราะห์ลำดับเบสคือ จัดอยู่ในเชื้อรา *C. coccodes*