

บทที่ 2

ตรวจเอกสาร

การจำแนกพืชสกุล *Oryza*

พืชสกุล *Oryza* มีอยู่ 22 ชนิด (ตาราง 1) โดย 20 ชนิดเป็นข้าวป่า (wild rice) ที่เหลืออีก 2 ชนิดเป็นข้าวปลูก ได้แก่ชนิด *Oryza sativa* ที่ใช้บริโภคกันทั่วไป และอีกชนิดหนึ่งคือ *Oryza glaberrima* ข้าวชนิดนี้นิยมบริโภคกันในแถบทวีปแอฟริกา (Vaughan, 2003) จากการศึกษาในระดับโครโมโซมพบว่า ข้าวปลูกและบรรพบุรุษมีชุดโครโมโซมพื้นฐานเป็นแบบ diploid ($2n = 24$) เช่น *O. sativa*, *O. rufipogon*, *O. nivara* ซึ่งข้าวป่าทั้ง 2 ชนิดนี้เป็นบรรพบุรุษของข้าวปลูกเอเชีย เรียกว่าข้าวป่าสามัญ (common wild rice) นอกจากนี้ยังมีข้าวป่าชนิด *O. barthii* เป็นบรรพบุรุษของข้าวปลูกแอฟริกา (Morishima, 1998) มีชุดโครโมโซมเหมือนกับข้าวปลูกซึ่งเป็นชนิด AA มีพันธุกรรมใกล้เคียงกับข้าวปลูกมากที่สุด นอกจากนี้ยังพบข้าวป่าบางชนิดที่มีชุดโครโมโซมเป็นแบบ tetraploid ($2n=48$) เช่น *O. minuta*, *O. officinalis* เป็นต้น (Chang, 2003) ข้าวป่าสามัญถูกแบ่งออกตามลักษณะการเจริญเติบโตได้อีก 2 ชนิดคือ ชนิดข้ามปี หรือทางทวีปเอเชียเรียกว่า *O. perennis* (Oka, 1988) หรือ *O. rufipogon* (Chang, 1976) อีกชนิดหนึ่งคือ ชนิดปีเดียว ซึ่งบางครั้งเรียกว่า *O. nivara* (Barbier, 1989) นอกจากนี้มีการศึกษาความใกล้ชิดกันของข้าวที่มีจีโนมชนิด AA ในการทดลองของ Yamanaka *et al.* (2003) โดยศึกษาลำดับเบสที่เป็นส่วนของ shot interspersed nuclear element หรือ SINE ซึ่งจะแทรกอยู่ตรงบริเวณ waxy gene โดยวิธี RAPD พบว่าข้าวปลูกชนิด indica มีวิวัฒนาการมาจากข้าวป่าชนิด annual และข้าวปลูกชนิด japonica มีวิวัฒนาการมาจากข้าวป่าชนิด perennial ซึ่งเป็นข้าวป่าที่มีจีโนมชนิด AA เช่นเดียวกับการทดลองของ Doi *et al.* (2000) ที่ศึกษาความสัมพันธ์ของ จีโนมชนิด AA ใน genus *Oryza* โดยวิธี RFLP พบว่าข้าวในเขตแอฟริกาชนิด *O. glaberrima* และ *O. barthii* ไม่มีความแตกต่างอย่างชัดเจนกับข้าวเอเชีย ซึ่งในข้าวเอเชียชนิด *O. rufipogon* และ *O. nivara* สามารถแยกออกจากกันได้อย่างชัดเจน นอกจากนี้ในการทดลองของ Juliano *et al.* (1998) ศึกษาการจัดกลุ่มของข้าวที่มีชุดโครโมโซม diploid ชนิด *O. glumeapatula* และข้าวป่าที่มีจีโนมชนิด AA ชนิด *O. rufipogon* และ ข้าวป่าชนิด *O. nivara* โดยใช้ลักษณะทางสัณฐานวิทยา 26 ลักษณะ พบว่า ข้าวป่าชนิด *O. glumeapatula* สามารถแยกออกจากข้าวป่า *O. rufipogon* และ *O. nivara* ได้อย่างชัดเจนโดยวิธี Principal Component Analysis (PCA)

ตาราง 1 จำนวนโครโมโซม สัญลักษณ์จีโนม และชื่อที่เรียกตามทั่วไปของพืชชนิด *Oryza*

| Section, Species | Other Name Commonly Found in the Literature | Chromosome Number | Genome Group |
|--|--|-------------------|--------------|
| <i>Oryza</i> | | | |
| <i>Oryza sativa</i> complex | | | |
| <i>Oryza sativa</i> L. | | 24 | AA |
| <i>O. rufipogon</i> sensu lato | <i>O. nivara</i> for the annual form, <i>O. rufipogon</i> sensu stricto for the perennial form | 24 | AA |
| <i>O. glaberrima</i> Steud. | | 24 | AA |
| <i>O. barthii</i> A. Chev. | <i>O. breviligulata</i> | 24 | AA |
| <i>O. longistaminata</i> Chev. Et Roehrer | <i>O. barthii</i> | 24 | AA |
| <i>O. meridionalis</i> Ng | | 24 | AA |
| <i>O. glumaepatula</i> Steud. | <i>O. rufipogon</i> | 24 | AA |
| <i>O. officinalis</i> complex | | | |
| <i>O. officinalis</i> Wall ex Watt | <i>O. minuta</i> | 24 | CC |
| <i>O. minuta</i> J. S. Presl ex C. B. Presl. | <i>O. officinalis</i> | 24 | BBCC |
| <i>O. rhizomatis</i> D. A. Vaughan | | 24 | CC |
| <i>O. eichingeri</i> Peter | <i>O. collina</i> for the Sri Lankan form | 24 | CC |
| <i>O. punctata</i> Kotschy ex. Steud. | <i>O. schweinfurthiana</i> | 24, 48 | BB, BBCC |
| <i>O. latifolia</i> Desv. | | 48 | CCDD |
| <i>O. alta</i> Swallen | | 48 | CCDD |
| <i>O. grandiglumis</i> (Doell.) Proehr. | | 48 | CCDD |
| <i>O. australiensis</i> Domin | | 24 | EE |
| <i>Ridleyanae</i> Tateoka | | | |
| <i>O. brachyantha</i> Chev. et Roehr. | | 24 | FF |
| <i>O. schlechteri</i> Pilger | | 48 | Unknown |
| <i>O. ridleyi</i> complex | | | |

| | | |
|--|----|------|
| <i>O. ridleyi</i> Hook. | 48 | HHJJ |
| <i>O. longiglumis</i> Jansen | 48 | HHJJ |
| Granulata Roschev. | | |
| <i>O. granulata</i> complex | | |
| <i>O. granulata</i> Nees et Arn ex Watt | 24 | GG |
| <i>O. meyeriana</i> (Zoll. et Mor. ex Steud.) Baill. | 24 | GG |

ที่มา: คัดแปลงจาก Vaughan (2003)

โครงสร้างทางพันธุกรรมของประชากรข้าวป่าสามัญ

โครงสร้างทางพันธุกรรมของข้าวป่าสามัญมีการเปลี่ยนแปลงเนื่องจากระบบการสืบพันธุ์ของข้าวป่าเอง โดยการผสมข้ามหรือการผสมตัวเอง ข้าวป่าชนิดข้ามปีมีอัตราการผสมข้ามสูงกว่าข้าวป่าชนิดปีเดียว (Barbier, 1989) นอกจากนี้ ยังมีปัจจัยอื่นๆ ที่เกี่ยวข้องทำให้เกิดการเปลี่ยนแปลงโครงสร้างทางพันธุกรรมของข้าวป่า เช่น จำนวนชั่วของการผสม และการกระจายตัวทางพันธุกรรม การคัดเลือกตามธรรมชาติ รูปแบบของการแพร่กระจาย การแลกเปลี่ยนยีน (gene flow) จากประชากรข้างเคียง การปลิวของละอองเกสรหรือการแพร่กระจายของเมล็ด นอกจากนี้ยังมีปัจจัยสภาพแวดล้อมที่มีความแตกต่างกันตามสภาพพื้นที่และนิเวศน์ที่มีผลต่อโครงสร้างทางพันธุกรรมของข้าวป่าได้เช่นเดียวกัน ข้าวป่าสามัญชนิดข้ามปีหากมีการรักษาความสามารถในการสืบพันธุ์แบบอาศัยเพศ (sexual reproductive) ได้จะทำให้ภายในประชากรข้าวป่ามีความหลากหลายทางพันธุกรรมสูง แต่หากข้าวป่าสามัญมีการขยายพันธุ์แบบไม่อาศัยเพศ ในส่วนของลำต้น หรือการแตกหน่อ จะมีความหลากหลายของประชากรคงที่ (Xie *et al.*, 2001) ข้าวป่าสามัญมีความหลากหลายทางพันธุกรรมและ heterozygosity สูงกว่าข้าวปลูก เนื่องจากเกิดวิวัฒนาการจากข้าวป่ามาเป็นข้าวปลูกทำให้หลาย allele หายไปโดยการคัดเลือกตามธรรมชาติหรือการคัดเลือกโดยมนุษย์ จึงทำให้ heterozygosity และ genetic diversity ในข้าวปลูกมีค่าต่ำ (Sun *et al.*, 2001) ดังเช่นการศึกษาโครงสร้างทางพันธุกรรมของ Morishima (1985) ได้ประเมินความหลากหลายทั้งภายในและระหว่างประชากร โดยใช้ isozymes และลักษณะทางสัณฐาน จากเมล็ดข้าวป่าที่เก็บมาจากสภาพธรรมชาติ พบว่าประชากรข้าวป่าชนิดข้ามปีมีความหลากหลาย (polymorphism) มากกว่าประชากรข้าวป่าชนิดปีเดียว ทั้งแบบ isozymes และลักษณะทางสัณฐาน และในการทดลองของ Kuroda (2004) ศึกษาโครงสร้างทางพันธุกรรมของประชากรข้าวป่าสามัญชนิด *O. rufipogon* และชนิด *O. nivara* จากเอเชียตะวันออกเฉียงใต้ โดยใช้เครื่องหมายโมเลกุล microsatellite พบว่า

ประชากรข้าวป่าชนิด *O. rufipogon* มีความผันแปรภายในประชากรสูงกว่าความผันแปรระหว่างประชากร สำหรับประชากรข้าวป่าชนิด *O. nivara* มีความผันแปรภายในประชากรต่ำกว่าความผันแปรระหว่างประชากร นอกจากนี้ Gao and Hong (2000) ได้ศึกษาโครงสร้างทางพันธุกรรมของข้าวป่าสามัญในเขตทางตอนเหนือของประเทศจีน โดยใช้ allozyme จำนวน 22 ตำแหน่ง พบว่าประชากรมีค่า F (fixation index) เพิ่มขึ้นจากปี 1980, 1985 และ 1995 โดยเท่ากับ 0.143, 0.837 และ 1.00 ตามลำดับ ซึ่งค่า F เท่ากับ 1 แสดงว่าประชากรนั้นเป็นไปตามกฎของ Hardy – Weinberg ทำให้โครงสร้างของประชากรมี heterozygotes ลดลง จากปี 1980 – 1994 หากค่า F มีค่าเป็นลบแสดงว่าประชากรนั้นมี heterozygosity สูง

สภาพถิ่นอาศัยตามธรรมชาติของข้าวป่า

การแพร่กระจายตัวของข้าวป่าพบว่าอยู่ในภูมิภาคเขตร้อนชื้น (humid) ในเขตแอฟริกา อเมริกา และเอเชีย ในทวีปเอเชียพบการแพร่กระจายตัวของข้าวป่าอยู่ตามแถบ tropical ถึงเขต subtropical และสามารถพบข้าวป่าในเขตที่มีความสูงจากระดับน้ำทะเลต่ำกว่า 1,000 เมตร และสามารถเจริญเติบโตได้ในอุณหภูมิต่ำสุด 10 องศาเซลเซียส (Oka, 1988)

Sato *et al.* (1994) สำรวจพื้นที่แถบเอเชียใต้และเอเชียตะวันออกเฉียงใต้ พบว่ามีประชากรข้าวป่าบริเวณปากอ่าวแม่น้ำโขงและใกล้เมืองโฮจิมินห์ ประเทศเวียดนาม นอกจากนี้ยังพบประชากรข้าวป่าที่เมืองพนมเปญของประเทศกัมพูชาส่วนในประเทศอินโดนีเซียพบข้าวป่าทั้งหมด 8 ชนิดได้แก่ *O. officinalis*, *O. meyeriana*, *O. longiglumis*, *O. rufipogon*, *O. meridionalis*, *O. ridleyi*, *O. spontanea* และ *O. schlechteri* (Somantri, 2001) ส่วนในประเทศไทย Chitrakon (1995) สำรวจพบข้าวป่า 6 ชนิด โดยข้าวป่าชนิด *O. rufipogon* พบทุกภาคของประเทศไทยบริเวณที่มีน้ำขังถึงลึกมาก *O. nivara* สามารถพบได้ บริเวณที่โล่งแจ้งเป็นแอ่งน้ำไม่ลึกในทุกภาคของประเทศไทย โดยเฉพาะภาคตะวันออกเฉียงเหนือ ซึ่งมีสภาพอากาศร้อนและแห้งแล้ง สำหรับข้าวป่า *O. officinalis*, *O. ridleyi* และ *O. granulata* พบอยู่ตามภูมิภาคเป็นเนินเขา มีต้นไม้นานาชนิด มีร่มเงา และมีความชื้นมากหรือพบตามบริเวณน้ำตก ส่วนข้าวป่าชนิด *spontanea* form สามารถพบได้ บริเวณข้างแปลงข้าวปลูกหรือในแปลงข้าวปลูก และพบได้มากบริเวณเขตภาคกลางของประเทศไทยซึ่งมีลักษณะภูมิประเทศเป็นที่ราบลุ่มมีการปลูกข้าวนาหว่านจำนวนมาก

ลักษณะทางภูมิศาสตร์ และสังคม

ภาคเหนือ

พื้นที่ส่วนใหญ่มีลักษณะเป็นเทือกเขาสูงสลับกับที่ราบหุบเขา ภูเขาที่สำคัญคือภูเขาแดนลาวภูเขาหลวงพระบาง ภูเขาถนนธงชัย ภูเขาเพชรบูรณ์ ภูเขาขุนตาล และภูเขาฝิ่ปันน้ำเป็นต้นกำเนิดของแม่น้ำลำธารหลายสาย เช่นแม่น้ำ ปิง วัง ยม น่าน แม่น้ำป่าสัก เป็นที่ตั้งของเมืองสำคัญ เช่นเชียงใหม่ ลำปาง เชียงราย เป็นต้น แม่น้ำปิง วัง ยม น่าน ปริมาณอุณหภูมิตั้งปีอยู่ระหว่าง 24 – 28 องศาเซลเซียส และมีปริมาณน้ำฝนอยู่ระหว่าง 642 – 2160 มิลลิเมตร เนื่องจากทางภาคเหนือเป็นภาคที่มีป่า ภูเขา และลุ่มน้ำต่างๆ มากมาย ประชากรเข้าไปอาศัย อยู่ในทุกพื้นที่ ทำให้ภาคเหนือได้รับอิทธิพลวัฒนธรรมผสมผสานระหว่างไทยใหญ่ พม่า หรือพวกเขาเผ่าต่างๆ

ภาคตะวันออกเฉียงเหนือ

เป็นบริเวณที่มีพื้นที่กว้างขวางมากประมาณ 1 ใน 3 ของพื้นที่ทั้ง ประเทศพื้นที่ทางด้านตะวันตกเป็นเทือกเขาเพชรบูรณ์ทอดเชื่อมกับเทือกเขาแดงพญาเย็น ทางทิศใต้มีเทือกเขาสันกำแพง และเทือกเขาพนมดงรัก เป็นต้นกำเนิดของแม่น้ำลำธารสำคัญของภาคอีสานหลายสายได้แก่ แม่น้ำมูล แม่น้ำชี ลำตะคอง ลำพระเพลิง ลำโดมน้อย ลำโดมใหญ่ เป็นต้น พื้นที่ตอนกลางของภาคมีลักษณะคล้ายเกาะ มีที่ราบกระจายอยู่ทั่วไป ลักษณะดินเป็นดินปนทรายไม่อุ้มน้ำ น้ำซึมผ่านได้รวดเร็วทำให้ภาคตะวันออกเฉียงเหนือแห้งแล้งมากในฤดูแล้ง ดังนั้นการประกอบอาชีพและการดำรงชีวิตต้องสู้กับสภาพทางภูมิศาสตร์ที่แห้งแล้ง ซึ่งมีอุณหภูมิตั้งปีอยู่ระหว่าง 25 – 28 องศาเซลเซียส และมีปริมาณน้ำฝนตั้งปีอยู่ระหว่าง 760 – 2975 มิลลิเมตร

ภาคกลาง

เป็นที่ราบลุ่มที่เกิดจากการทับถมของดินตะกอนซึ่งแม่น้ำเจ้าพระยา และแม่น้ำสาขาต่างๆ พัดพามา ดินจึงมีความอุดมสมบูรณ์สูงมีการปลูกข้าวมากที่สุดของประเทศเรียกได้ว่าเป็นอู่ข้าวอู่น้ำของไทย ซึ่งอุณหภูมิตั้งปีอยู่ระหว่าง 26 – 30 องศาเซลเซียส และมีปริมาณน้ำฝนตั้งปีระหว่าง 799 – 2109 มิลลิเมตร และภาคกลางเป็นเขตที่มีประชากรอาศัยอยู่หนาแน่นมากที่สุด ประชาชนส่วนใหญ่ประกอบอาชีพเกษตรกรรม และได้รับอิทธิพลทางด้านวัฒนธรรมจากเมืองหลวงโดยตรง

ลักษณะการเจริญเติบโตที่สำคัญของข้าวป่า

การพักตัว (Seed dormancy)

เมล็ดข้าวป่าเริ่มมีการพักตัวเมื่อเมล็ดสุกแก่และร่วงหล่นลงมาฝังใต้ดิน เมล็ดข้าวป่าที่ร่วงลงมาถึงดินแม้จะได้รับความชื้นที่เหมาะสมแต่ไม่สามารถงอกได้จนกว่าจะผ่านการพักตัว และเมล็ดข้าวป่าที่งอกนั้นจะงอกไม่พร้อมกัน จะทยอยงอกแตกต่างกันไป ความงอกของเมล็ดข้าวป่าชนิดปีเดียวมีความงอกสูงกว่าเมล็ดข้าวป่าชนิดข้ามปี (Morishima, 1995) นอกจากนี้ Veasey *et al.* (2004) ได้ศึกษาถึงการพักตัวของข้าวป่า ชนิด diploid ชนิด tetraploid และข้าวปลูก ภายระยะเวลาหลังจากเก็บเกี่ยว มีการทดสอบความงอก ทุกๆ 2 เดือน หลังจากมีการเก็บเกี่ยว รวมทั้งหมด 7 ครั้ง พบว่าการทดสอบความงอกหลังจากเก็บเกี่ยวครั้งที่ 1 ประชากรข้าวป่าทุกประชากรมีการพักตัว และยังพบประชากรข้าวป่าชนิด *O. rufipogon* มีการพักตัวนานถึง 120 วันหลังจากเก็บเกี่ยว และเมื่อทดสอบที่ 180 วันหลังจากเก็บเกี่ยวพบมีความงอก 54 – 70 %

การตอบสนองต่อช่วงแสง (Photoperiodic response)

ปัจจัยหลักที่ส่งผลกระทบต่อวันและเวลาที่ออกดอกของข้าวได้แก่ ความไวต่อช่วงแสง ความยาววัน และมีการควบคุมโดยพันธุกรรม อุณหภูมิ และสภาพแวดล้อมต่างๆ ซึ่งในข้าวป่าจะตอบสนองต่อช่วงแสง (photoperiod sensitive) แต่ข้าวปลูกจะมีทั้งชนิดตอบสนองและไม่ตอบสนองต่อช่วงแสง (sensitive and insensitive group) สงกรานต์ และคณะ (2538) พบว่า ตัวอย่างข้าวป่าจากประชากรที่ศึกษาทั้งหมด ข้าวป่า *O. rufipogon* ชนิดข้ามปี มีความไวต่อช่วงแสง 72% ข้าวป่า *O. nivara* ชนิดปีเดียว พบ 68% มีความไวต่อช่วงแสง สำหรับตัวอย่างชนิด *spontanea form* มี 60% ที่ไวต่อช่วงแสง นอกจากนี้ในกลุ่มที่จำแนกไม่ได้ 55 % เป็นชนิดข้ามปี และ 74 % มีความไวต่อช่วงแสง นอกจากนี้ในประเทศจีนประชากรข้าวป่าที่ขึ้นตามสภาพธรรมชาติจะออกดอกในช่วงปลายเดือนกันยายน ไปจนถึงช่วงปลายเดือนพฤศจิกายน (Song *et al.*, 2003)

การผสมพันธุ์ (Hybridization)

ข้าวปลูกมักมีการผสมพันธุ์แบบผสมตัวเองเป็นส่วนใหญ่ แต่ในข้าวป่ามีอัตราการผสมข้ามสูงกว่าข้าวปลูก ข้าวป่าสามัญชนิดข้ามปีในทวีปเอเชียมีอัตราการผสมข้าม 7 % (ในชนิดปีเดียว) ถึง 56 % (ในชนิดข้ามปี) และมีอัตราการผสมข้ามสูงกว่าข้าวป่าชนิดปีเดียว ส่วนข้าวปลูกมีอัตราการผสมข้ามน้อย อยู่ระหว่าง 0 – 6.8 % (Oka, 1988) มีรายงานของ Barbier (1989b) ว่าอัตราการผสมข้ามของข้าวป่าสามัญในประเทศไทยชนิดข้ามปีมีอัตราการผสมข้ามสูงกว่าข้าวป่าชนิดปีเดียว โดยมีค่าระหว่าง 7.9 % ถึง 44 % การศึกษาอัตราการแลกเปลี่ยนยีน (gene flow) ของ Song *et al.*

(2003) มีรูปแบบการปลูกแบบต่างๆ และมีการตรวจสอบอัตราการแลกเปลี่ยนยีนโดยวิธี SSR (Simple Sequence Repeat) พบว่าความถี่ของอัตราการแลกเปลี่ยนยีนจากข้าวปลูกไปสู่ข้าวป่า เท่ากับ 2.9% ระยะทางที่ห่างที่สุดที่ไม่เกิดการแลกเปลี่ยนยีนระหว่างข้าวปลูกและข้าวป่า คือ 72 เมตร

การร่วงของเมล็ด (Seed shattering)

เมล็ดข้าวป่าเมื่อมีการสุกแก่จะร่วงจากรวงทั้งหมด เช่นในงานทดลองของ Tang *et al.* (1989) วัดอัตราการร่วงของเมล็ดข้าวป่า ข้าวปลูก และข้าววัชพืช พบว่าข้าวปลูกมียีนที่ยับยั้งการร่วงของเมล็ดโดยพบว่ามียีนจำนวนหลายตำแหน่งที่ควบคุมการร่วงของเมล็ด และยีนเหล่านี้จะแสดงออกแบบข่มสมบูรณ์ (ธีรศักดิ์, 2547)

ลักษณะอื่นๆ

Chitrakon (1995) ศึกษาความผันแปรด้านลักษณะ (character) ของข้าวป่าชนิด *O. rufipogon* พบว่ามีลักษณะทรงกอแผ่ มีลำต้นสูง ช่อดอกมีลักษณะแตกแผ่ เกสรตัวผู้มีขนาดยาว เมล็ดมีอัตราการเป็นหมันสูง มีหางยาว และเมื่อสุกแก่จะมีอัตราการร่วงของเมล็ดสูง เมล็ดแก่จะมีเปลือกสีดำ มีความสามารถในการผสมกับข้าวปลูกและได้ลูกที่ไม่เป็นหมัน มีความสามารถในการขยายพันธุ์ได้ทั้งแบบอาศัยเพศ และไม่อาศัยเพศ

ความหลากหลายทางพันธุกรรมของข้าวป่า

ความหลากหลายทางพันธุกรรม (genetic diversity) คือความแตกต่างทางพันธุกรรมของประชากรทั้งพืชและสัตว์ที่มีอยู่เป็นจำนวนมากซึ่งสิ่งมีชีวิตแต่ละชนิดจะมียีนจำนวนมากที่ควบคุมลักษณะทางพันธุกรรมต่างๆ ของสายพันธุ์นั้น นอกจากนี้ความหลากหลายยังเกิดจากความแตกต่างของท้องถิ่น ตามสภาพธรรมชาติ หรือตามสภาพทางภูมิศาสตร์ที่ประชากรนั้นสามารถเจริญเติบโตและปรับตัวเข้ากับสภาพแวดล้อมนั้นๆ ได้ (Frankel *et al.*, 1995) การศึกษาความหลากหลายทางพันธุกรรมสามารถวัดได้หลายทางเช่น ด้านสัณฐานวิทยา (morphology) ด้านเอนไซม์ (allozyme) และในระดับโมเลกุล ข้าวป่ามีความหลากหลายทางพันธุกรรมมากกว่าข้าวปลูกเมื่อศึกษาโดย isozyme และ DNA แต่ในลักษณะขนาดของเมล็ด และลักษณะทางสัณฐานวิทยาข้าวป่ามีความหลากหลายทางพันธุกรรมต่ำ (Morishima, 1998) ดังนั้นการศึกษาความหลากหลายทางพันธุกรรมจะเป็นประโยชน์และสะดวกรวดเร็วในการค้นหาแหล่งพันธุกรรมเพื่อใช้ในการปรับปรุงพันธุ์พืช และยังเป็นประโยชน์ในการจำแนกความหลากหลายของพืชปลูกที่เราสนใจได้อีกด้วย

เทอดศักดิ์ (2547) ศึกษาความหลากหลายลักษณะทางสัณฐานของข้าวป่า พบว่าข้าวป่า No. 5503 จากธนาคารข้าวมีลักษณะทางคุณภาพที่ไม่มีความหลากหลายภายในประชากร ข้าวป่าทุกต้นมีลักษณะเหมือนกันทั้งหมด แต่พบความหลากหลายในลักษณะความสูงต้น และอายุออกดอก และพบความหลากหลายภายในตัวอย่างข้าวป่าจากลำพูน และเชียงใหม่ ในลักษณะสีเกสรตัวเมีย ($H' = 0.3145$ และ 0.6931 ตามลำดับ) สียอดดอก ($H' = 0.6365$ และ 0.6931 ตามลำดับ) และอายุออกดอก Majumder *et al.* (1997) ศึกษาความหลากหลายของข้าวป่า *O. rufipogon* ในประเทศอินเดีย พบว่ามีความสูงของลำต้นระหว่าง 126 – 134 เซนติเมตร สีเมล็ดสีแดง สีเปลือกหุ้มเมล็ดสีน้ำตาลอ่อน ความยาวหาง 5 เซนติเมตร ส่วนข้าวป่าชนิด hybrid swarms (ลูกที่ได้จากการผสมระหว่างข้าวป่าในสภาพธรรมชาติกับข้าวปลูก) พบว่ามีความสูงของลำต้นระหว่าง 131 – 143 เซนติเมตร สีเมล็ดสีขาว น้ำตาลอ่อน และสีแดง เปลือกหุ้มเมล็ดมีสีฟาง น้ำตาลอ่อน น้ำตาลแดง และสีดำ ความยาวหางพบทั้งหางสั้นและหางยาว นอกจากนี้ยังมีรายงานการศึกษาความหลากหลายทางพันธุกรรมในระดับ isozyme และ DNA เช่น Gao *et al.* (2002) ศึกษาความหลากหลายทางพันธุกรรมของประชากรข้าวป่า *O. rufipogon* ที่เก็บรวบรวมมาจาก 7 มณฑลของประเทศจีน โดยศึกษา allozyme 22 loci จากประชากรทั้งหมด 21 ประชากร ผลการทดลอง พบค่าเฉลี่ยของ alleles ต่อ locus (A) อยู่ระหว่าง 1.1 – 1.6 มีค่าเปอร์เซ็นต์ของ polymorphic loci อยู่ระหว่าง 9.1% - 37.8% ค่า observed heterozygosity (H_o) อยู่ระหว่าง 0 – 0.060 และค่า expected heterozygosity (H_e) อยู่ระหว่าง 0.020 – 0.108 ในการศึกษาของ Zhou *et al.* (2003) วัดความหลากหลายของประชากรข้าวป่า *O. rufipogon* จำนวน 12 ประชากรในพื้นที่ 4 มณฑลของประเทศจีน ได้แก่ Hainan, Jiangxi, Guangdong และ Guangxi โดยใช้ microsatellite markers ศึกษาประชากรข้าวป่า ใช้ primer 134 primers พบว่ามีค่า expected heterozygosity อยู่ระหว่าง 0.164 – 0.648 ค่า observed heterozygosity อยู่ระหว่าง 0.163 – 0.550 ความแตกต่างระหว่างประชากรพบมีค่าอยู่ระหว่าง 0 – 0.865 และเมื่อนำมาทำ dendrogram โดยใช้ UPGMA clustering method based on Nei's พบว่าสามารถแบ่งกลุ่มหลักๆ ได้ 2 กลุ่มคือ กลุ่มแรกได้แก่ประชากรจาก Hainan และกลุ่มที่สอง คือประชากร Jiangxi, Guangdong และ Guangxi จากกลุ่มที่จัดได้จะมีความสัมพันธ์กันในลักษณะความแตกต่างของสภาพพื้นที่ (geographical distance) เช่นเดียวกับการศึกษาของ Song *et al.* (2003) ที่ได้ประเมินความหลากหลายทางพันธุกรรมโดยใช้เทคนิค SSR ของข้าวป่าชนิด *O. rufipogon* ทั้งหมด 6 ประชากรที่เก็บมาจากทางตอนเหนือของประเทศจีน โดยใช้ primer จำนวน 23 primer ผลการทดลองพบว่าความหลากหลายทางพันธุกรรมรวมทั้ง 6 ประชากร เท่ากับ 0.919 ประชากรจากมณฑล Jiangxi มีความหลากหลายทางพันธุกรรมสูงกว่าประชากรจากมณฑล Hunan ตำแหน่งที่มีจำนวน allele สูงที่สุดคือตำแหน่ง RM44 และตำแหน่งที่มีจำนวน allele น้อยที่สุดคือตำแหน่ง

RM19 นอกจากนี้ค่าเฉลี่ยของ number of allele (A_e), expected heterozygosity (H_e) และ Shannon's index (I) มีค่าเท่ากับ $A_e = 2.269$ $H_e = 0.480$ และ $I = 0.919$ ตามลำดับ ในส่วนของความแตกต่างระหว่างประชากรพบระหว่าง 0.066 – 0.276

การใช้ประโยชน์ของทรัพยากรข้าวป่าในงานปรับปรุงพันธุ์

ข้าวป่าเป็นแหล่งพันธุกรรมและเป็นบรรพบุรุษของข้าวปลูก มีพันธุกรรมใกล้เคียงกับข้าวปลูก สามารถนำมาใช้เป็นแหล่งพันธุกรรมในการปรับปรุงพันธุ์ข้าวปลูกได้ ในประเทศศรีลังกาใช้ข้าวป่าชนิด *O. rufipogon* เป็นแหล่งพันธุกรรมในการปรับปรุงพันธุ์ข้าวทนดินเค็มในระยะต้นกล้า (Greorio *et al.*, 2002) นอกจากนี้ การศึกษาของ Eizenga *et al.* (2002) โดยคัดเลือก *Oryza species* ที่มีความต้านทานต่อโรคกาบใบแห้ง (sheath blight) โดยใช้ *Oryza species* จำนวน 21 ชนิด F_1 จากการผสมระหว่าง ข้าวปลูกและข้าวป่า 17 ชนิด และ ข้าวปลูกอีก 9 สายพันธุ์ จากนั้นถ่ายเชื้อ *Rhizoctonia solani* ซึ่งเป็นเชื้อสาเหตุของโรคกาบใบแห้งให้กับต้นข้าวที่ทดลองใน glass house ที่อุณหภูมิ $30\text{ }^{\circ}\text{C}$ หลังจากปลูกเชื้อ 7 วันจากนั้นให้คะแนนการเกิดโรค พบว่า ข้าวป่าชนิด *O. rufipogon* มีคะแนนเฉลี่ยน้อยที่สุด คือ 2.3 คะแนน และข้าวปลูกมีคะแนนเฉลี่ยอยู่ในช่วง 3.4 – 6.9 คะแนน ในการผลิตข้าวลูกผสม (hybrid rice) ของสถาบันวิจัยข้าวนานาชาติ (IRRI) ใช้ยีนทำให้ตัวผู้เป็นหมัน (Cytoplasmic male sterility; CMS) จากข้าวป่า *O. rufipogon* (Virmani, 1994) และนอกจากนี้ทางสถาบันวิจัยข้าวนานาชาติยังใช้ข้าวป่าชนิด *O. rufipogon* และ *O. nivara* เป็นแหล่งพันธุกรรมในการปรับปรุงพันธุ์ข้าวในลักษณะการต้านทานต่อการเข้าทำลายของเพลี้ยกระโดดสีน้ำตาล (Brown Plant Hopper; BPH) *O. nivara* บางสายพันธุ์มียีนที่ต้านทานต่อการเข้าทำลายของโรคไหม้ (Blast disease) และโรคเหี่ยวเฉาที่เกิดจากไวรัส (Rice Grassy Stunt Virus)

การอนุรักษ์พันธุกรรมข้าวป่า

การสูญเสียความหลากหลายทางพันธุกรรมเป็นสาเหตุทำให้ลักษณะที่สำคัญต่อการปรับปรุงพันธุ์ข้าวสูญหายไป เราควรศึกษาแนวทางในการอนุรักษ์ ซึ่งรูปแบบการอนุรักษ์แบ่งออกได้ 2 รูปแบบ ได้แก่

1. การอนุรักษ์นอกสภาพธรรมชาติ (*ex situ* conservation)

การอนุรักษ์ในธนาคารเชื้อพันธุ์ (gene bank) การอนุรักษ์ในแปลงรวบรวมพันธุ์ (field conservation, field collection, field gene bank) ในรูปของประชากรในหลอดแก้ว (*in vitro*) และในสภาพแช่แข็ง โดยการเก็บเมล็ด เรณู หรืออวัยวะส่วนต่างๆ ออกมาจากสภาพธรรมชาติเดิมที่ขึ้นอยู่

หรือในสภาพแวดล้อมเดิมที่ขึ้นอยู่กับอยู่ ในการเก็บรวบรวมพันธุ์ข้าวป่าเพื่อจะนำมาเก็บนอกสภาพธรรมชาตินั้นควรเก็บห่างกันอย่างน้อย 12 เมตร (Xie *et al.*, 2000)

2. การอนุรักษ์ในท้องถิ่นเดิมหรือในสภาพธรรมชาติ (*in situ* conservation)

เป็นวิธีการอนุรักษ์ ที่รักษาความสมบูรณ์ของแหล่งพันธุกรรมโดยการอนุรักษ์ไว้ในสภาพธรรมชาติเพื่อให้มีการพัฒนาการเปลี่ยนแปลงของสภาพนิเวศวิทยา ไว้ภายในสภาพธรรมชาติ หรือสภาพแวดล้อม ในบางพื้นที่ของประเทศไทยได้มีการสร้างกำแพงรอบเขตพื้นที่อนุรักษ์

ในการอนุรักษ์ทรัพยากรเชื้อพันธุกรรมข้าวป่าโดยวิธี *in situ* หรือ *ex situ* ควรจะมีการพิจารณาความหลากหลายทางพันธุกรรมในการประกอบการตัดสินใจในการคัดเลือกพื้นที่ในการอนุรักษ์ด้วยเช่น ต้องพิจารณาความแตกต่างระหว่างประชากรในพื้นที่ใดมีความแตกต่างระหว่างประชากรสูง การอนุรักษ์บางประชากรก็ไม่อาจเป็นตัวแทนของประชากรทั้งหมด แต่หากความแตกต่างระหว่างประชากรมีค่าน้อย การเลือกอนุรักษ์ประชากรใดประชากรหนึ่งอาจเป็นตัวแทนของทุก ประชากรของพื้นที่นั้นๆ ได้ นอกจากนี้พื้นที่ ที่จัดให้เป็นพื้นที่อนุรักษ์ต้องมีระยะห่างระหว่างพื้นที่ ที่มีการปลูกข้าวหรือห่างจากแปลงนาข้าวเพื่อลดอัตราการแลกเปลี่ยนยีนระหว่างข้าวป่ากับข้าวปลูก Song *et al.* (2003) ระยะทางที่ห่างที่สุดที่ไม่เกิดการแลกเปลี่ยนยีนระหว่างข้าวปลูกและข้าวป่า คือ 72 เมตร และถ้าระยะห่างมากเท่าใดยิ่งลดอัตราการแลกเปลี่ยนยีนระหว่างข้าวป่าและข้าวปลูกมากเท่านั้น (Song *et al.*, 2005) และการอนุรักษ์ในบางประชากรที่มีขนาดเล็กหรือมีจำนวนต้นในประชากรน้อยจะทำให้เกิดการผสมพันธุ์กันภายในกลุ่ม ทำให้เกิดปรากฏการณ์ inbreeding depression ยีนที่แสดงลักษณะที่ไม่ดีจะแสดงออกมา และเกิด genetic drift (Schaal and Leverich, 1992)

การศึกษาความหลากหลายโดยใช้เทคนิค *microsatellite*

เทคนิค *microsatellite* มีลักษณะเป็น co – dominant marker ให้ polymorphic สูง และเป็นเครื่องหมายมีการกระจายทั่วทั้ง genome *microsatellite* marker ง่ายต่อการจำแนกโดยวิธีการ PCR และบางครั้งอาจจะคัดเลือก neutral (การเปลี่ยนแปลงของยีนไม่มีผลกระทบต่อการศึกษา) นอกจากนี้ในการประเมินความหลากหลายสามารถจำแนกความหลากหลายถึงระดับภายใน species ได้ เช่นในการทดลองของ Gao *et al.* (2002) ศึกษาความหลากหลายของข้าวป่าชนิด *O. rufipogon* โดยใช้เทคนิค *microsatellite* และ isozyme พบว่าเทคนิค *microsatellite* มีค่าความหลากหลายทางพันธุกรรม (genetic diversity) และค่าความแตกต่างทางพันธุกรรม (genetic differentiation) สูงกว่า isozyme และงานทดลองของ Yu *et al.* (2005) ศึกษาความหลากหลายทางพันธุกรรมของข้าววัชพืช โดยเทคนิค *microsatellite* และ RAPD พบว่าเทคนิค *microsatellite* ให้ polymorphism สูงกว่า

เทคนิค RAPD ซึ่งมีค่าเท่ากับ 47.62 % และ 3.70 % ตามลำดับ เช่นเดียวกับงานทดลองของ Ni *et al.* (2002) ใช้เทคนิค microsatellite ประเมินความหลากหลายของข้าวปลูกชนิด *indica* และ *japonica* พบว่าความหลากหลายทางพันธุกรรมในข้าวชนิด *indica* มีความหลากหลายสูงกว่าข้าวชนิด *japonica* นอกจากนี้ใช้เทคนิค microsatellite ในการประเมินความหลากหลายแล้วยังสามารถใช้หา วิวัฒนาการของข้าวปลูก และอัตราการแลกเปลี่ยนยีน (gene flow) ได้อีกด้วย



ลิขสิทธิ์มหาวิทยาลัยเชียงใหม่
Copyright © by Chiang Mai University
All rights reserved