

บทที่ 6

สรุปผลการทดลอง

การนำเทคนิคอาร์เอพีดีมาวิเคราะห์ความแปรปรวนทางพันธุกรรม และหาเครื่องหมายดีเอ็นเอของกล้วยไม้สกุลช้างใช้ไพรเมอร์ขนาด 10 นิวคลีโอไทด์ จำนวน 24 ไพรเมอร์ สุ่มจับกับดีเอ็นเอต้นแบบในกลุ่มกล้วยไม้เขาแกะ และกลุ่มกล้วยไม้ช้าง แบ่งไพรเมอร์ที่ใช้ได้ 3 กลุ่ม คือ

1) กลุ่มที่แสดงลายพิมพ์ดีเอ็นเอไม่ชัดเจน ในกลุ่มกล้วยไม้เขาแกะ คือ ไพรเมอร์ OPD18 หรือกลุ่มที่ไม่สามารถเกิด PCR product ได้ ในกลุ่มกล้วยไม้ช้าง คือ ไพรเมอร์ OPAK17

2) กลุ่มที่กลุ่มที่แสดงลายพิมพ์ดีเอ็นเอได้ชัดเจน แต่ไม่เหมาะสมต่อการนำมาจัดกลุ่มทางพันธุกรรม ในกลุ่มกล้วยไม้เขาแกะ คือ ไพรเมอร์ OPAK05, OPAK06, OPD17, OPD19, OPD20, OPF03, OPF11 และ OPF17 ในกลุ่มกล้วยไม้ช้าง คือ ไพรเมอร์ OPAK01, OPAK06, OPAK20, OPD11, OPD18, OPD20 และ OPF13

3) กลุ่มที่แสดงลายพิมพ์ดีเอ็นเอได้ชัดเจน สามารถนำมาจัดกลุ่มแสดงความสัมพันธ์ทางพันธุกรรมได้ แบ่งเป็น 2 กลุ่ม คือ

ก. กลุ่มที่ไม่แสดงเครื่องหมายดีเอ็นเอ ในกลุ่มกล้วยไม้เขาแกะ คือ ไพรเมอร์ OPD16 และ OPF16 ในกลุ่มกล้วยไม้ช้าง คือ ไพรเมอร์ OPF10

ข. กลุ่มที่แสดงเครื่องหมายดีเอ็นเอ

ในกลุ่มกล้วยไม้เขาแกะพบเครื่องหมายดีเอ็นเอ OPAK01_{883.85-908.44} เฉพาะในกลุ่มเขาแกะธรรมดา แต่ไม่พบในกลุ่มเขาแกะเผือก ส่วน OPAK11_{615-651.42} เป็นแถบดีเอ็นเอร่วมที่เกิดในทุกตัวอย่าง โดยในกล้วยไม้กลุ่มเขาแกะธรรมดามีลักษณะของแถบดีเอ็นเอที่ใหญ่กว่า และชัดเจนกว่าในกลุ่มเขาแกะเผือก ในขณะที่ OPF10_{911.68-936.08} พบเฉพาะในกลุ่มเขาแกะธรรมดา แต่ไม่พบในกลุ่มเขาแกะเผือก และ OPF12_{1000-1011.22} พบเฉพาะในกลุ่มเขาแกะเผือก แต่ไม่พบในกลุ่มเขาแกะธรรมดา

ส่วนกลุ่มกล้วยไม้ช้าง เครื่องหมายดีเอ็นเอ OPAK10_{730.61-751.76} ใช้สำหรับตรวจสอบข้างกระ และ OPD05_{514.14-517.73} ใช้สำหรับตรวจสอบข้างแดง และข้างประหลาดได้นอกจากนี้ OPD10_{1057.37-1069.23} และ OPF07_{784.12-809.97} ใช้สำหรับตรวจสอบข้างแดงได้