

## บทที่ 4

### ผลการทดลองและวิจารณ์

#### 1. การแยกเชื้อแบคทีเรียเอนโดไฟท์จากกล้วยไม้ และการตรวจสอบหาปริมาณเชื้อโดยวิธี Most Probable Number (MPN)

จากการทดสอบเบื้องต้นก่อนการทดลองหาวิธีการฆ่าเชื้อที่ผิว ผลปรากฏว่าการใช้แอลกอฮอล์ร่วมกับคลอโรกซ์เพื่อทำการฆ่าเชื้อที่ผิวลำลูกกล้วยโดยใช้แอลกอฮอล์ 70% ล้างที่ผิวภายนอกเป็นเวลา 3 นาที 3% Clorox 5 นาที ล้างด้วยน้ำแอลกอฮอล์ 70% อีก 3 นาที ล้างน้ำกลั่นฆ่าเชื้ออีก 5 ครั้ง ผลปรากฏว่าเมื่อนำลำลูกกล้วยไปกึ่งบนอาหาร NA แข็งและบ่มไว้เป็นเวลา 3 วัน เพื่อหาเชื้อปนเปื้อนที่ผิวลำลูกกล้วย พบว่าไม่ปรากฏการเจริญของเชื้อเลย จึงนำวิธีการนี้เป็นวิธีการฆ่าเชื้อที่ผิวลำลูกกล้วย

ในการตรวจสอบนับปริมาณเชื้อจุลินทรีย์ที่อาศัยอยู่ในเนื้อเยื่อกล้วยไม้ ภายในลำลูกกล้วย หลังจากบ่มเชื้อไว้เป็นเวลา 5-7 วัน พบว่าการเจริญของเชื้อจุลินทรีย์จากกล้วยไม้ในอาหาร semi-solid modified Rennie ได้แก่ เอื้องตาเหิน เอื้องชะคอบปูย เอื้องปากนกแก้ว เอื้องคำกั่ว เอื้องผาเวียง เอื้องเงินแดง เอื้องคำฝอยพาย เอื้องชะภูกระดิ่ง เอื้องคำปือก เอื้องคำปอน เอื้องผึ้ง เอื้องมอนไข่ เอื้องสายน้ำผึ้ง พวงหยก เอื้องชะหอม เอื้องคำผักปราบ เอื้องสายสามสี และ *Coelogeny* sp. โดยเอื้องผาเวียงพบปริมาณเชื้อจุลินทรีย์น้อยที่สุด คือ 40 เซลล์/กรัม น้ำหนักสดต้นกล้วยไม้ สำหรับในกล้วยไม้ที่พบว่ามีปริมาณจุลินทรีย์สูง ได้แก่ พวงหยก คำผักปราบ เอื้องสายสายน้ำผึ้ง และ *Coelogeny* sp. มีปริมาณจุลินทรีย์  $4.9 \times 10^5$ ,  $1.3 \times 10^7$ ,  $8.9 \times 10^4$  และ  $3.3 \times 10^4$  เซลล์/กรัม น้ำหนักสดต้นกล้วยไม้ ตามลำดับ ส่วนในกล้วยไม้ที่เหลือมีปริมาณจุลินทรีย์อยู่ระหว่าง  $1.1 \times 10^2$  ถึง  $7.8 \times 10^2$  เซลล์/กรัม น้ำหนักสดต้นกล้วยไม้ และไม่พบเชื้อจุลินทรีย์ในกล้วยไม้ตัดดอกเป็นการค้า (Pompadour) (ตารางที่ 1)

ตารางที่ 1 แสดงปริมาณเชื้อจุลินทรีย์ที่อาศัยอยู่ภายในลำลูกกล้วยของกล้วยไม้บางชนิด  
ด้วยเทคนิค Most Probable Number (MPN)

Orchids Species	Amount (cell/gram) <sup>1</sup>
1. <i>Dendrobium</i> sp.( Pompadour )	0
2. <i>D. Infundibulum</i> Lindl.(เอื้องดาเหิน)	$1.4 \times 10^2$
3. <i>D. Bellatulum</i> Rolfe. (เอื้องแฉะคอบุย)	$4.2 \times 10^2$
4. <i>D. cruentum</i> Rchb. f.(เอื้องปากนกแก้ว)	$2.0 \times 10^2$
5. <i>D. signatum</i> Rchb. f.(เอื้องคำกั่ว)	$3.9 \times 10^3$
6. <i>D. albosanguinum</i> Lindl.(เอื้องผาเวียง)	40
7. <i>D. cariniferum</i> Rchb. f.(เอื้องเงินแดง)	$3.3 \times 10^2$
8. <i>D. harveyanum</i> Rchb. f.(เอื้องคำฝอยปาย)	$1.1 \times 10^2$
9. <i>D. christyanum</i> Rchb. f.(เอื้องแฉะภูกระดึง)	$2.3 \times 10^2$
10. <i>D. capillipes</i> Rchb. f.(เอื้องคำปือก)	$1.1 \times 10^2$
11. <i>D. dixanthum</i> Rchb. f.(เอื้องคำปอน)	$3.7 \times 10^2$
12. <i>D. lindleyi</i> Steud.(เอื้องผึ้ง)	$6.5 \times 10^2$
13. <i>D. thyrsiflorum</i> Rchb. f.(เอื้องมอนไข่)	$2.7 \times 10^2$
14. <i>D. primulinum</i> Lindl. (เอื้องสายน้ำผึ้ง)	$8.9 \times 10^4$
15. <i>D. finlayanum</i> Par.& Rchb. f.(ทวงหยก)	$4.9 \times 10^5$
16. <i>D. scabringue</i> Lindl.(เอื้องแฉะหอม)	$1.1 \times 10^2$
17. <i>D. ochreatum</i> Lindl.(เอื้องคำผักปราบ)	$1.3 \times 10^5$
18. <i>D. crystallinum</i> Rchb. f. (เอื้องสายสามสี)	$7.8 \times 10^2$
19. <i>Coelogeny</i> sp.	$3.3 \times 10^4$

<sup>1</sup>ใช้ปริมาณเชื้อทั้งหมด 5 กรัม ซ้ำละ 5 หลอด

การวิจัยในครั้งนี้ได้ประยุกต์วิธีการฆ่าเชื้อที่ผิวของตัวอย่างพืชโดยอาศัยหลักการของกรรมวิธีการเพาะเลี้ยงเนื้อเยื่อกล่าวคือ ใช้แอลกอฮอล์ฆ่าเชื้อจุลินทรีย์ที่ผิวภายนอกก่อน จากนั้นใช้ 3% Clorox ในการฆ่าเชื้อที่อยู่ส่วนลึกของผิวภายนอกของพืช ซึ่งคาดว่าจะสามารถกำจัดเชื้อที่ไม่ต้องการแล้วใช้แอลกอฮอล์ (75%) เพื่อล้าง 3% Clorox จนหมด เนื่องจาก Clorox ที่ตกค้างจะทำให้เชื้อจุลินทรีย์ที่อยู่ภายในเนื้อเยื่อกล้วยไม้ถูกทำลายได้ นอกจากนี้ยังสังเกตได้ว่าแอลกอฮอล์ยังสามารถล้าง Clorox ได้รวดเร็วยิ่งขึ้น (รังสฤษฎ์, 2540; ประสาทพร, 2541)

ผลการทดลองชี้ให้เห็นว่าสามารถแยกจุลินทรีย์ที่อาศัยอยู่ในเนื้อเยื่อได้ โดยพบว่ามีกล้วยไม้ที่สามารถแยกเชื้อได้ทั้งหมด 18 ชนิดจากกล้วยไม้ 19 ชนิด เมื่อเลี้ยงเชื้อในอาหาร semi-solid modified Rennie ยกเว้นกล้วยไม้ตัดดอกเท่านั้นที่ไม่พบการเจริญของจุลินทรีย์ในอาหาร อาจมีสาเหตุจากเป็นกล้วยไม้ที่เลี้ยงในเชิงพาณิชย์ ได้รับธาตุอาหารอย่างพอเพียง และยังใช้ปุ๋ยไนโตรเจนซึ่งมี  $\text{NH}_4$  ที่มีผลต่อการยับยั้งไนโตรจีนัส ซึ่งบีบเอ็นไซม์ที่ใช้ในกระบวนการตรึงไนโตรเจน เมื่ออ้างอิงโดยตัวอย่างของเชื้อ *Azospirillum*, *Rhodospirillum*, *Rhodobacter* และ *Acetobacter* พบว่าการให้แอมโมเนียความเข้มข้น 1-10 mM จะทำให้กระบวนการตรึงไนโตรเจนลดลงทันที 10% ซึ่งแอมโมเนียจะมีผลต่อ ทั้งการสังเคราะห์ไนโตรจีนัส และเป็นตัวยับยั้ง การสังเคราะห์ไนโตรจีนัสด้วย (Pedrosa และ คณะ, 1997, Paul และคณะ 1997) นอกจากนี้ในระบบการเพาะเลี้ยงยังมีการใช้สารกำจัดจุลินทรีย์โรคพืชและแมลงซึ่งส่งผลให้ กล้วยไม้เองไม่ได้มีปฏิสัมพันธ์กับสิ่งมีชีวิตอื่น ทำให้จุลินทรีย์ขาดช่องทางหรือพาหะที่เข้าไปอาศัยอยู่ในพืช

ปริมาณเชื้อจุลินทรีย์ในแต่ละพันธุ์มีปริมาณที่ไม่เท่ากัน โดยเชื้อพวกหมักมีปริมาณจุลินทรีย์ในเนื้อเยื่อมากที่สุดคือ  $4.9 \times 10^5$  cell/g โดยจากการสังเกตได้ว่า กล้วยไม้ที่เพิ่งนำออกมาจากป่ามีปริมาณจุลินทรีย์ที่แยกได้มาก แต่เมื่อนำกล้วยไม้ที่ผ่านการเพาะเลี้ยงแล้วมาตรวจสอบพบว่ามีปริมาณจุลินทรีย์ที่แยกได้น้อยกว่า โดยอาจเกิดจากเมื่อเลี้ยงในสภาพธรรมชาติ กล้วยไม้มีสภาพความเป็นอยู่ที่สมดุล มีแมลง มีจุลินทรีย์และสิ่งมีชีวิตอื่นๆ เข้ามามีส่วนในการดำรงชีวิตอย่างสม่ำเสมอ เมื่อเกิดการเปลี่ยนแปลงที่อยู่ อาจทำให้สมดุลนั้นเปลี่ยนแปลง ซึ่งอาจส่งผลให้จุลินทรีย์ที่อยู่ภายในพืชเกิดการลดปริมาณและจำนวนชนิดลง

## 2. การทดสอบประสิทธิภาพการตรึงไนโตรเจนของจุลินทรีย์ที่อาศัยอยู่ภายในเนื้อเยื่อกล้วยไม้

### 2.1 การตรึงไนโตรเจนของจุลินทรีย์จากน้ำสกัดกล้วยไม้

เมื่อนำหลอดทดลองที่มีเชื้อจุลินทรีย์เจริญเติบโตทั้งหมดในข้อ 1 ไปตรวจวัดการตรึงไนโตรเจน พบว่ามีการตรึงไนโตรเจนเกิดขึ้นในบางหลอดทดลอง ที่ได้จากน้ำสกัดจากต้นกล้วยไม้ เอื้องสายสามสี เอื้องสายน้ำผึ้ง เอื้องแซะหอม พวงหยก เอื้องมอนไข่ เอื้องคำผักปราบ และกล้วยไม้สกุล *Coelogeny* sp. โดยมีอัตราการตรึงไนโตรเจนแตกต่างกัน ในเอื้องสายสามสีพบการตรึงไนโตรเจน 8 หลอด มีอัตราการตรึงไนโตรเจนตั้งแต่ 2.404 ถึง 13.285  $\text{nmolC}_2\text{H}_4/\text{tube}/24\text{hr}$ . ในเอื้องแซะหอมมีการตรึงไนโตรเจน 6 หลอด มีอัตราการระหว่าง 0.151 – 4.047  $\text{nmolC}_2\text{H}_4/\text{tube}/24\text{hr}$ . เอื้องสายน้ำผึ้งมีการตรึงไนโตรเจน 24 หลอด มีอัตราการระหว่าง 1.385 – 23.756  $\text{nmolC}_2\text{H}_4/\text{tube}/24\text{hr}$ . พวงหยกมีการตรึงไนโตรเจน 22 หลอด มีอัตราการระหว่าง 0.252 – 20.868  $\text{nmolC}_2\text{H}_4/\text{tube}/24\text{hr}$ . เอื้องมอนไข่มีการตรึงไนโตรเจน 7 หลอด มีอัตราการระหว่าง 1.545 – 12.681  $\text{nmolC}_2\text{H}_4/\text{tube}/24\text{hr}$ . คำผักปราบมีการตรึงไนโตรเจน 19 หลอด มีอัตราการระหว่าง 0.148 – 10.153  $\text{nmolC}_2\text{H}_4/\text{tube}/24\text{hr}$ . *Coelogeny* sp. มีการตรึงไนโตรเจน 18 หลอด มีอัตราการระหว่าง 0.718 – 14.111  $\text{nmolC}_2\text{H}_4/\text{tube}/24\text{hr}$ . ตารางที่ 2

จากผลการทดลอง พบจุลินทรีย์ที่สามารถตรึงไนโตรเจนอาศัยอยู่ในกล้วยไม้ 7 ชนิดจากกล้วยไม้ที่พบการเจริญของจุลินทรีย์ 18 ชนิด ได้แก่ เอื้องสายสามสี เอื้องสายน้ำผึ้ง เอื้องแซะหอม พวงหยก เอื้องมอนไข่ เอื้องคำผักปราบ และกล้วยไม้สกุล *Coelogeny* sp. อีก 1 ชนิด แสดงให้เห็นว่าจุลินทรีย์ที่สามารถตรึงไนโตรเจนได้นั้น ไม่ได้อยู่ในกล้วยไม้ป่าทุกชนิด มีเพียงกล้วยไม้บางชนิดเท่านั้นที่สามารถให้จุลินทรีย์ที่สามารถตรึงไนโตรเจนอาศัยและเจริญอยู่ได้ อาจมีสาเหตุมาจากความแตกต่างทางพันธุกรรมของกล้วยไม้ และแหล่งที่พบตามธรรมชาติว่ามีความเกี่ยวข้องกับสิ่งมีชีวิตอื่น และโอกาสที่จะทำให้จุลินทรีย์นั้นเข้ามาอาศัย เช่น เศษซากพืชที่ปลิวมาติดแล้วเน่าเปื่อยเกิดเป็นแหล่งอาหารของจุลินทรีย์ แมลงหรือเชื้อโรคที่เข้ามาทำลายซึ่งทำให้เกิดช่องทางต่างๆ ที่เชื้อจุลินทรีย์สามารถเข้าไปอาศัยและเจริญอยู่ได้ โดยในปีค.ศ.1990 Ashbolt และ Inkerman ได้รายงานความสัมพันธ์ของเพลี้ยแป้งที่เป็นพาหะ ในการส่งเสริมการเจริญเติบโตของจุลินทรีย์ที่สามารถผลิตกรดได้ในอ้อย โดยในสภาพแวดล้อมซึ่งเป็นสภาพจำกัดการเจริญเติบโตของเชื้ออื่นจากสภาพที่เป็นกรดจากการผลิตขึ้นมาจากยีสต์และจุลินทรีย์ที่สามารถผลิตกรดได้ โดยอาศัย honey dew ที่เพลี้ยผลิตออกมาเป็นอาหาร โดยเชื้อที่เจริญได้เป็นพวก *Acetobacter*-like bacteria *Acetobacter*, *Gluconobacter*, *Erwinia* และยีสต์ที่เจริญได้ในสภาพที่เป็นกรด (pH 3) นอกจากนี้มีรายงานการเข้าไปของจุลินทรีย์เอนโดไฟท์ พบว่าเชื้อสามารถเข้าไปในพืชได้ 3 ทาง คือ ส่วนผลที่

ราก ส่วนเนื้อเยื่อเจริญที่ราก และสร้าง infection thread โดยการสร้าง infection thread ไม่สามารถตรวจสอบได้ง่ายเนื่องจากมีการสร้างในอัตราที่ต่ำ เชื้อมีการเจริญ (colonize) ที่ผิวรากจำนวนมาก และขบวนการดังกล่าวเป็นขบวนการที่เชื้อเองใช้เป็นทางเลือกที่ 3 ในการเข้าไปในพืช (Bellone, 1997) ในปี 1988 Pimentel ได้รายงานถึงเชื้อ *Pseudomonas rubrisubalbicans* ซึ่งเป็นเชื้อสาเหตุโรค mottle strip ของอ้อยในอเมริกา แต่ทว่าไม่ทำให้เกิดโรคกับอ้อยอีกสายพันธุ์ในบราซิล โดยเชื้อมีความสัมพันธ์ใกล้ชิดกับ *Herbaspirillum seropedica* ที่ตรึงไนโตรเจนได้ โดยเชื้อยังสามารถแยกได้จาก รากของข้าวโพด ข้าวฟ่าง และธัญพืชอีกหลายชนิด โดยปัจจุบันพิสูจน์แล้วว่าเชื้อนี้อยู่ใน จินัส *Herbaspirillum* และในปี 2001 Smimova ได้รายงานถึงสภาพการเน่าเปื่อยของเซลล์ลูโลส ที่จุลินทรีย์ตรึงไนโตรเจนสามารถอาศัยและเจริญเติบโตได้พบว่ามีจุลินทรีย์ *Bacillus cytaseus* ซึ่งเป็นแบคทีเรีย facultative anaerobic ที่ทนกรด ซึ่งมีความสามารถในการตรึงไนโตรเจน โดยแยกออกมาจากของแข็ง จากสภาพที่มีการสลายตัวของ cellulose ที่เกิดจากการเน่าเปื่อย พร้อมกับสภาพที่เกิดการหมักของโปรตีน

จากผลการแยกเชื้อจุลินทรีย์จากหลอดที่ให้ผลบวกในการตรึงไนโตรเจน สามารถแยกเชื้อจุลินทรีย์ที่สามารถตรึงไนโตรเจนเจริญได้จากอาหาร semi-solid modified Rennie ได้ แสดงให้เห็นว่าการใช้อาหารชนิดนี้สามารถที่จะคัดแยกจุลินทรีย์ที่สามารถตรึงไนโตรเจนได้ ซึ่งอาจมีสาเหตุมาจากส่วนประกอบของอาหารมีปริมาณไนโตรเจนที่น้อยมาก จุลินทรีย์ที่อาศัยอยู่ได้จำเป็นต้องมีความสามารถในการปรับตัวอาศัยอยู่ในบริเวณที่มีไนโตรเจนต่ำหรือ สามารถตรึงไนโตรเจนจากอากาศเพื่อการดำรงชีวิตได้ ในช่วงปีค.ศ. 1980 Dobereiner ได้รายงานการใช้อาหารในการเลี้ยงแบคทีเรียเอนโคไฟท์ว่า อาหารที่ใช้ควรเป็นอาหารที่เชื้อตรึงไนโตรเจนนั้นตอบสนองได้ อาหารที่แยกเชื้อชนิดนี้จะเป็นอาหารที่จำลองสภาพแวดล้อมภายในต้นไม้ อาหารที่ใช้ควรเป็นอาหารที่มีปริมาณไนโตรเจนต่ำหรือไม่มีเลย เพื่อทำการคัดเลือกเฉพาะจุลินทรีย์ที่สามารถตรึงไนโตรเจนได้เท่านั้น (อ้างโดย Calcavante, 1988; Dobereriner, 1988)



ตารางที่ 2 ประสิทธิภาพการตรึงไนโตรเจนของจุลินทรีย์ที่รวบรวมได้จากเนื้อเยื่อภายในลำลูกกล้วยของกล้วยไม้

หลอดที่	อัตราการตรึงไนโตรเจน (nmolC <sub>2</sub> H <sub>4</sub> /tube/24hrs)						
	เอื้องสายตาม สี	เอื้องมะ หอม	เอื้องสาย น้ำผึ้ง	พวงหยก	มอนไซ	กำพืดปราบ	Coelogeny sp.
1	13.285	0.151	10.041	0.900	1.545	0.310	32.300
2	3.100	0.361	1.967	0.421	3.157	0.148	14.111
3	4.599	3.339	14.500	6.511	11.852	0.350	3.688
4	4.964	2.486	10.036	2.665	3.183	3.109	3.241
5	9.613	4.407	10.960	0.252	12.681	0.451	3.275
6	2.404	2.829	12.538	20.868	7.907	5.658	9.767
7	9.100	-	20.588	3.078	4.847	1.345	7.565
8	9.400	-	10.007	0.503	-	3.798	8.078
9	-	-	23.792	2.004	-	1.164	6.075
10	-	-	15.213	0.818	-	3.603	10.439
11	-	-	7.338	6.206	-	1.975	8.586
12	-	-	23.756	1.470	-	5.027	11.136
13	-	-	13.019	1.721	-	7.473	5.010
14	-	-	9.545	1.168	-	1.468	13.201
15	-	-	11.454	8.206	-	0.309	0.718
16	-	-	12.466	0.346	-	8.212	2.641
17	-	-	17.399	0.482	-	10.153	1.986
18	-	-	9.773	3.993	-	3.264	3.258
19	-	-	5.475	13.409	-	1.969	-
20	-	-	5.779	8.474	-	-	-
21	-	-	8.149	1.681	-	-	-
22	-	-	3.826	1.698	-	-	-
23	-	-	10.185	-	-	-	-
24	-	-	1.385	-	-	-	-

## 2.2 การรวบรวมเชื้อจุลินทรีย์ครั้งในโครเจนที่เจริญเติบโตในสภาพแวดล้อมที่มีออกซิเจน และไม่มีออกซิเจน

จากการนำหลอดทดลองที่มีประสิทธิภาพในการครั้งในโครเจนมาตรวจสอบหาเชื้อจุลินทรีย์ โดยการเลี้ยงเชื้อในสภาพที่มีออกซิเจนและไม่มีออกซิเจน พบว่าในสภาพที่มีออกซิเจน รวบรวมได้ 118 ไอโซเลท และเชื้อที่เจริญได้ในสภาพที่ไม่มีออกซิเจน 62 ไอโซเลท โดยทำการรวบรวมแต่ละไอโซเลทไปทำการตรวจวัดประสิทธิภาพในการครั้งในโครเจนต่อไป

### 2.2.1 ลักษณะและประสิทธิภาพการครั้งในโครเจนของจุลินทรีย์ที่เจริญได้ในสภาพที่มีออกซิเจน

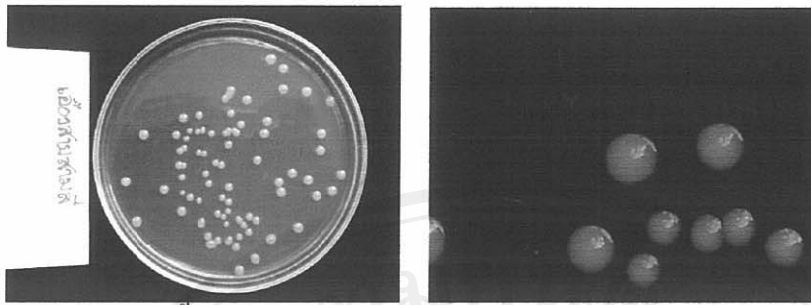
เมื่อนำเชื้อที่รวบรวมได้จากการเลี้ยงในสภาพที่มีออกซิเจนไปเลี้ยงในอาหารกึ่งแข็ง modified Rennie แล้วตรวจสอบการครั้งในโครเจนอีกครั้ง ได้ผลดังนี้คือ จุลินทรีย์ที่แยกได้จากเอื้องสายสามสีพบการเจริญและมีประสิทธิภาพในการครั้งในโครเจน 18 ไอโซเลท คือมีการครั้งในโครเจนอยู่ระหว่าง  $0.0042 - 0.3201 \text{ nmol C}_2\text{H}_4/10^6 \text{ cells}/24\text{hr}$  โดยเชื้อเกือบทั้งหมดมีลักษณะโคโลนีสีเหลืองตรงกลางนูนขอบเรียบ ผิวเป็นมัน ยกเว้น DCR5057 และ DCR0508 ที่มีสีขาวนูนตรงกลางนูนขอบเรียบ จุลินทรีย์ที่แยกได้จากเอื้องสายน้ำผึ้งพบการเจริญและมีประสิทธิภาพในการครั้งในโครเจน 18 ไอโซเลท คือมีการครั้งในโครเจนอยู่ระหว่าง  $0.0185 - 2.4694 \text{ nmol C}_2\text{H}_4/10^6 \text{ cells}/24\text{hr}$  โดยเชื้อโดยเชื้อมีลักษณะทั้ง โคโลนีสีขาวนูน สีขาวอมเหลือง และสีเหลืองอ่อนตรงกลางนูนขอบเรียบ เอื้องแฉะหอมพบจุลินทรีย์ที่มีประสิทธิภาพในการครั้งในโครเจน 6 ไอโซเลท มีการครั้งในโครเจนอยู่ระหว่าง  $0.1510 - 4.0472 \text{ nmol C}_2\text{H}_4/10^6 \text{ cells}/24\text{hr}$  โคโลนีมีลักษณะทั้ง โคโลนีสีขาว สีขาวนูน สีขาวอมเหลือง และสีเหลืองอ่อนตรงกลางนูนขอบเรียบ พวงหยกพบจุลินทรีย์ที่มีประสิทธิภาพครั้งในโครเจนได้ทั้งหมด 17 ไอโซเลท โดยมีปริมาณการครั้งในโครเจนระหว่าง  $0.0029 - 0.6011 \text{ nmol C}_2\text{H}_4/\text{nmol}/24\text{hr}/10^6 \text{ cells}$  ลักษณะโคโลนีทั้งหมดเป็นสีเหลืองผิวเรียบเป็นมันตรงกลางนูนของเรียบ เอื้องคำฝักปราบพบจุลินทรีย์ที่มีประสิทธิภาพในการครั้งในโครเจน 20 ไอโซเลท มีการครั้งในโครเจนอยู่ระหว่าง  $0.0189 - 0.5249 \text{ nmol C}_2\text{H}_4/10^6 \text{ cells}/24\text{hr}$  ลักษณะโคโลนีส่วนใหญ่คือ สีเหลืองตรงกลางนูนมันขอบนูนผิวไม่เรียบ ยกเว้น DOCH1816 และ DOCH1820 มีลักษณะโคโลนีสีเหลืองอ่อนนูนทั้งโคโลนีนูนเป็นมัน DOCH1817 มีลักษณะเป็นสีน้ำตาลผิวเรียบทำให้อาหารค้ำ DOCH1818 มีลักษณะสีเหลืองเข้มและอ่อนผิวนูนเป็นมัน DOCH1819 โคโลนีสีเหลืองเข้มนูนผิวเป็นมัน เอื้องมอนไข่พบการครั้ง

ในโคโรเจนทั้งหมด 20 ไอโซเลท โดยมีการตรึงไนโตรเจนอยู่ระหว่าง 0.0092 - 1.5028 nmol  $C_2H_4/10^6$  cells/24hr โคโลนีค่อนข้างหลากหลายมีทั้งสีเหลืองอ่อนตรงกลางนูนผิวเรียบ สีเหลืองเข้ม โคโลนีขุ่นเป็นมัน สีขาวใส สีส้มเข้ม โคโลนีใส สีขาวขุ่น สีขาวขุ่นอมเหลือง เป็นต้น กล่าวได้ว่า *Coelogeny* sp. พบจุลินทรีย์ที่มีประสิทธิภาพในการตรึงไนโตรเจน 19 ไอโซเลท มีการตรึงไนโตรเจนอยู่ระหว่าง 0.0079 - 87.3780 nmol  $C_2H_4/10^6$  cells/24hr ลักษณะ โคโลนีส่วนใหญ่ สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ และสีขาวยอมเหลืองตรงกลางนูนผิวเรียบเป็นมัน ตารางที่ 3-9

ตารางที่ 3 แสดงปริมาณการตรึงไนโตรเจนของเชื้อจุลินทรีย์แอโรบิกโคไฟท์ในกลุ่ม Aerobic ของเอื้องสายสามสี

เอื้องสายสามสี Isolate No.	ลักษณะโคโลนี	(nmol $C_2H_4/10^6$ cells/24hr)
DCR0101	สีเหลืองตรงกลางนูนขอบเรียบผิวเป็นมัน	0.0307
DCR0102	สีเหลืองตรงกลางนูนขอบเรียบผิวเป็นมัน	0.0935
DCR0103	สีเหลืองตรงกลางนูนขอบเรียบผิวเป็นมัน	0.1204
DCR0104	สีเหลืองตรงกลางนูนขอบเรียบผิวเป็นมัน	0.0642
DCR0105	สีขาวขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.0563
DCR0507	สีขาวขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.0221
DCR0508	สีขาวขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.1552
DCR0509	สีเหลืองตรงกลางนูนขอบเรียบผิวเป็นมัน	0.0594
DCR0510	สีเหลืองตรงกลางนูนขอบเรียบผิวเป็นมัน	0.0037
DCR0711	สีเหลืองตรงกลางนูนขอบเรียบผิวเป็นมัน	0.0222
DCR0712	สีเหลืองตรงกลางนูนขอบเรียบผิวเป็นมัน	0.0401
DCR0713	สีเหลืองตรงกลางนูนขอบเรียบผิวเป็นมัน	0.3201
DCR0714	สีเหลืองตรงกลางนูนขอบเรียบผิวเป็นมัน	0.0042
DCR0715	สีเหลืองตรงกลางนูนขอบเรียบผิวเป็นมัน	0.0334
DCR0816	สีเหลืองตรงกลางนูนขอบเรียบผิวเป็นมัน	0.1391
DCR0817	สีเหลืองตรงกลางนูนขอบเรียบผิวเป็นมัน	0.1682
DCR0818	สีเหลืองตรงกลางนูนขอบเรียบผิวเป็นมัน	0.0491
DCR0820	สีเหลืองตรงกลางนูนขอบเรียบผิวเป็นมัน	0.1763

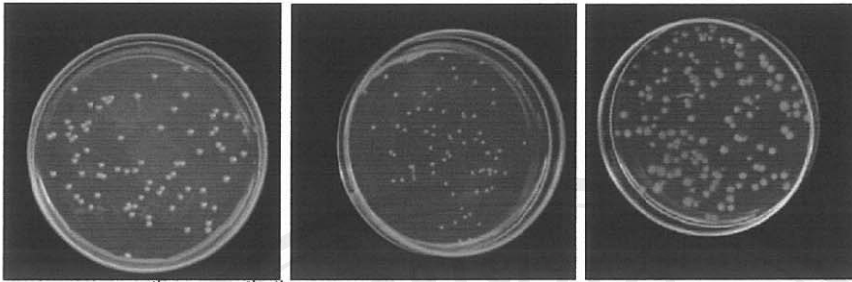




รูปที่ 1. ลักษณะของ โคโลนี เอื้องสายสามสี สีเหลืองตรงกลางนูนขอบเรียบผิวเป็นมัน

ตารางที่ 4 แสดงปริมาณการตรึงไนโตรเจนของเชื้อจุลินทรีย์แอโรบิกในกลุ่ม Aerobic ของเอื้องสายน้ำผึ้ง

เอื้องสายน้ำผึ้ง Isolate No.	ลักษณะโคโลนี	(nmol C <sub>2</sub> H <sub>4</sub> /10 <sup>6</sup> cells/24hr)
DPRI0301	สีขาวขาวอมเหลืองตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.0254
DPRI 0302	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.1759
DPRI 0503	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.3324
DPRI 0504	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.1661
DPRI 0705	สีขาวอมเหลืองตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.0185
DPRI 0706	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.1537
DPRI 0908	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.2051
DPRI 1209	สีเหลืองอ่อนตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.1329
DPRI 1210	สีเหลืองอ่อนตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.1523
DPRI 1311	สีขาวอมเหลืองตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.0644
DPRI 1312	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.0579
DPRI 1713	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.0431
DPRI 1714	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.2269
DPRI 1816	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.0220
DPRI 2117	สีเหลืองอ่อนตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.0953
DPRI 2118	สีเหลืองอ่อนตรงกลางนูนขอบเรียบ	2.4694
DPRI 2319	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.0421
DPRI 2320	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.1881



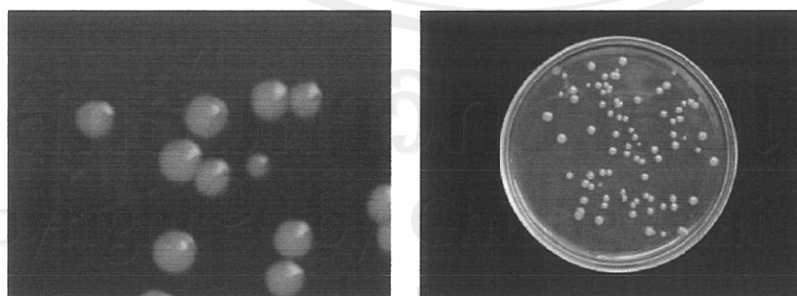
รูปที่ 2. ลักษณะ โคลินี้เอื้องสายน้ำผึ้ง สีเหลืองอ่อนตรงกลางนูนขอบเรียบ สีขาวนูนตรงกลางนูนขอบเรียบ และสีขาวอมเหลืองตรงกลางนูนขอบเรียบ

ตารางที่ 5 แสดงปริมาณการตรึงไนโตรเจนของเชื้อจุลินทรีย์แอโรบิก โคไฟท์ในกลุ่ม Aerobic ของเอื้องแซะหอม

เอื้องแซะหอม Isolate No.	ลักษณะโคลินี้	(nmol C <sub>2</sub> H <sub>4</sub> /10 <sup>6</sup> cells/24hr)
DSCA 0101	สีเหลืองอ่อนตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.1510
DSCA 0102	สีขาวนูนตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.3611
DSCA 0103	สีขาวนูนตรงกลางนูนขอบเรียบ	3.3394
DSCA 0307	สีขาวอมเหลืองตรงกลางนูนขอบเรียบ	2.4859
DSCA 0308	สีขาวตรงกลางนูนขอบเรียบ	4.0472
DSCA 0309	สีเหลืองอ่อนตรงกลางนูนขอบเรียบ	2.8289

ตารางที่ 6 แสดงปริมาณการตรึงไนโตรเจนของเชื้อจุลินทรีย์เอนโดไฟท์ในกลุ่ม Aerobic ของ  
พวงหยก

พวงหยก Isolate No.	ลักษณะโคโลนี	(nmol C <sub>2</sub> H <sub>4</sub> /10 <sup>6</sup> cells/24hr)
DFIN 0301	สีเหลืองผิวเรียบเป็นมันตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.1161
DFIN 0302	สีเหลืองผิวเรียบเป็นมันตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.6001
DFIN 0305	สีเหลืองผิวเรียบเป็นมันตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.0029
DFIN 0606	สีเหลืองผิวเรียบเป็นมันตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.0074
DFIN 0607	สีเหลืองผิวเรียบเป็นมันตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.0093
DFIN 0609	สีเหลืองผิวเรียบเป็นมันตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.1476
DFIN 0610	สีเหลืองผิวเรียบเป็นมันตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.0815
DFIN 1511	สีเหลืองผิวเรียบเป็นมันตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.3253
DFIN 1512	สีเหลืองผิวเรียบเป็นมันตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.1179
DFIN 1513	สีเหลืองผิวเรียบเป็นมันตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.0122
DFIN 1514	สีเหลืองผิวเรียบเป็นมันตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.1496
DFIN 1515	สีเหลืองผิวเรียบเป็นมันตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.1839
DFIN 2116	สีเหลืองผิวเรียบเป็นมันตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.0830
DFIN 2117	สีเหลืองผิวเรียบเป็นมันตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.1207
DFIN 2118	สีเหลืองผิวเรียบเป็นมันตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.0249
DFIN 2119	สีเหลืองผิวเรียบเป็นมันตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.1662
DFIN 2120	สีเหลืองผิวเรียบเป็นมันตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.0981

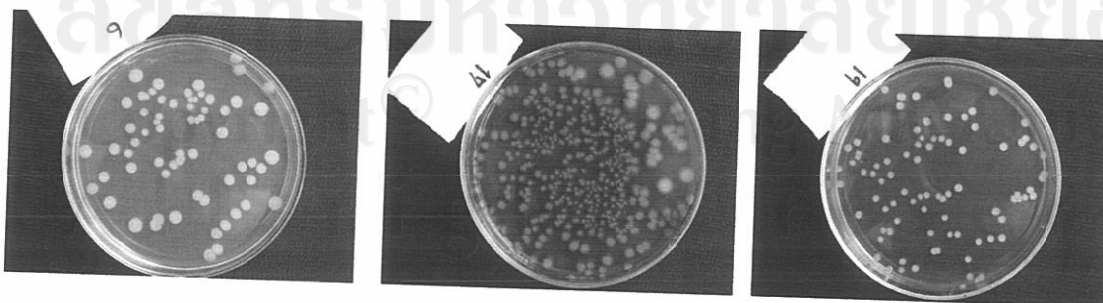


รูปที่ 3. ลักษณะ โคโลนีของเอื้องพวงหยก สีเหลืองผิวเรียบเป็นมันตรงกลางนูนขอบเรียบ



ตารางที่ 7 แสดงปริมาณการตรึงไนโตรเจนของเชื้อจุลินทรีย์เอนโคไฟท์ในกลุ่ม Aerobic ของเอื้องคำผักปราบ

คำผักปราบ Isolate No.	ลักษณะโคโลนี	(nmol C <sub>2</sub> H <sub>4</sub> /10 <sup>6</sup> cells/24hr)
DOCH 0501	เหลืองตรงกลางนูนผิวมันขอบพุ่งไม่เรียบ	0.0428
DOCH 0502	เหลืองตรงกลางนูนมันขอบพุ่งไม่เรียบและพุ่งขาวนูนมัน	0.1117
DOCH 0503	เหลืองตรงกลางนูนมันขอบพุ่งไม่เรียบ	0.0094
DOCH 0504	เหลืองตรงกลางนูนมันขอบพุ่งไม่เรียบและพุ่งขาวนูนมัน	0.4215
DOCH 0505	เหลืองตรงกลางนูนมันขอบพุ่งไม่เรียบและพุ่งขาวนูนมัน	0.1919
DOCH 0706	เหลืองตรงกลางนูนมันขอบพุ่งไม่เรียบ	0.0275
DOCH 0707	เหลืองตรงกลางนูนมันขอบพุ่งไม่เรียบและพุ่งขาวนูน	0.1236
DOCH 0708	เหลืองตรงกลางนูนมันขอบพุ่งไม่เรียบและพุ่งขาวนูน	0.0468
DOCH 0709	เหลืองตรงกลางนูนมันขอบพุ่งไม่เรียบ	0.2246
DOCH 0710	เหลืองตรงกลางนูนมันขอบพุ่งไม่เรียบ	0.0263
DOCH 1411	เหลืองตรงกลางนูนมันขอบพุ่งไม่เรียบ	0.2217
DOCH 1412	เหลืองตรงกลางนูนมันขอบพุ่งไม่เรียบ	0.3109
DOCH 1413	เหลืองตรงกลางนูนมันขอบพุ่งไม่เรียบ	0.0243
DOCH 1414	เหลืองตรงกลางนูนมันขอบพุ่งไม่เรียบ	0.1012
DOCH 1415	เหลืองตรงกลางนูนมันขอบพุ่งไม่เรียบ	0.2990
DOCH 1816	เหลืองอ่อนพุ่งทั้ง โคโลนีนูนเป็นมัน	0.0288
DOCH 1817	สีน้ำตาลผิวเรียบ เนื้ออาหารคล้ำ	0.5294
DOCH 1818	เหลืองเข้มและ อ่อนนูนเป็นมัน	0.0786
DOCH 1819	เหลืองเข้มนูนมัน	0.0648
DOCH 1820	เหลืองอ่อนพุ่งทั้ง โคโลนีนูนเป็นมัน	0.0189

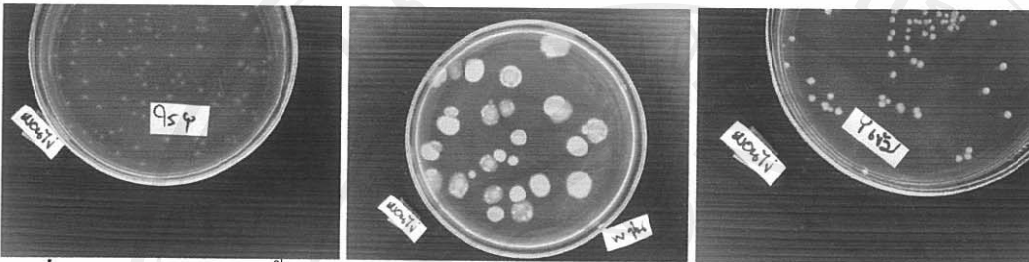
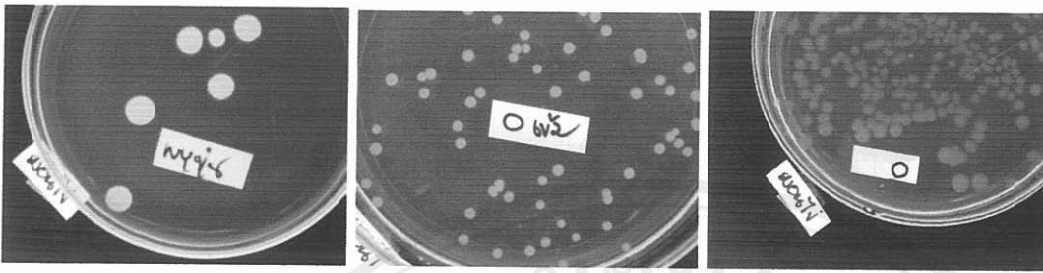


รูปที่ 4. ลักษณะ โคโลนีของ เอื้องคำผักปราบ เหลืองตรงกลางนูนมันขอบพุ่งไม่เรียบ สีน้ำตาลผิวเรียบเนื้ออาหารคล้ำ และ เหลืองเข้มนูนมัน

ตารางที่ 8 แสดงปริมาณการตรึงไนโตรเจนของเชื้อจุลินทรีย์เอนโดไฟท์ในกลุ่ม Aerobic ของเอื้องมอนไข่

เอื้องมอนไข่ Isolate No.	ลักษณะโคโลนี	(nmol C <sub>2</sub> H <sub>4</sub> /10 <sup>6</sup> cells/24hr)
Dthy 0101	สีเหลืองอ่อนตรงกลางนูนผิวเรียบ	0.0429
Dthy 0102	สีเหลืองอ่อนตรงกลางนูนผิวเรียบ	0.0569
Dthy 0103	สีเหลืองเข้ม โคลนีนูนเป็นมัน	0.0970
Dthy 0104	สีเหลืองเข้ม โคลนีนูนเป็นมัน	0.0268
Dthy 0205	สีเหลืองอ่อนปนขาวที่ขอบ	0.0921
Dthy 0206	สีขาวใส	0.1389
Dthy 0307	สีส้มเข้ม	0.1724
Dthy 0308	โคโลนีใสตรงกลางเป็นจุดสีเหลือง	0.0398
Dthy 0309	สีเหลืองเข้ม โคลนีนูน	0.0352
Dthy 0310	สีส้มใส	0.0092
Dthy 0411	สีเหลืองส้ม โคลนีนูน	0.0232
Dthy 0412	สีส้ม โคลนีนูน	0.0399
Dthy 0413	สีเหลืองส้ม โคลนีนูน	0.1041
Dthy 0414	สีขาวนูน	0.0311
Dthy 0515	สีขาวนูน โคลนีนูน	1.5028
Dthy 0717	สีเหลืองเข้มตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.0192
Dthy 0718	สีขาวนูนอมเหลือง	0.0842
Dthy 0620	สีขาวนูนอมเหลือง	0.0169
Dthy 0621	สีส้มเข้ม	0.1397
Dthy 0622	สีส้มเข้ม	0.1291



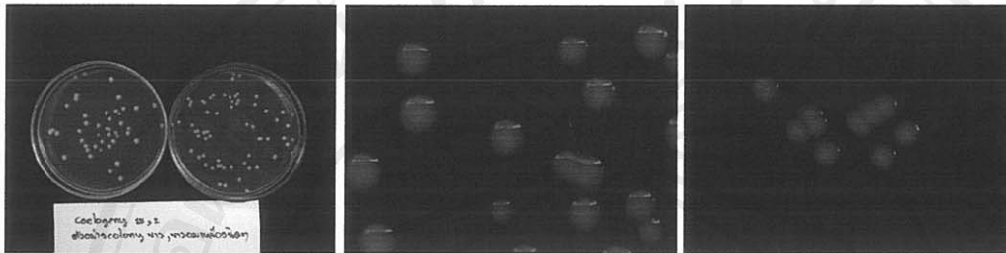


รูปที่ 5. ลักษณะ โคลินีเอ็งมอนไซ่ สีขาวขุ่นอมเหลือง สีส้มเข้ม สีส้ม โคลินีไฮ โค โคลินีไฮตรงกลางเป็นจุดสีเหลือง สีขาวขุ่น และสีเหลืองเข้ม โคลินีขุ่น

ตารางที่ 9 แสดงปริมาณการตรึงไนโตรเจนของเชื้อจุลินทรีย์เอนโดไฟท์ในกลุ่ม Aerobic ของ *Coelogeny sp.*

Coelogeny Isolate No.	ลักษณะโคลินี	(nmol C <sub>2</sub> H <sub>4</sub> /10 <sup>6</sup> cells/24hr)
COE 0201	สีขาวอมเหลืองตรงกลางนูนผิวเรียบเป็นมัน	0.1538
COE 0202	สีขาวอมเหลืองตรงกลางนูนผิวเรียบเป็นมัน	0.0709
COE 0203	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	1.4122
COE 0204	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.3781
COE 0205	สีขาวอมเหลืองตรงกลางนูนผิวเรียบเป็นมัน	0.0249
COE 1006	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	9.2090
COE 1007	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	60.818
COE 1008	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	87.378
COE 1009	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	1.1223
COE 1010	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.3124
COE 1411	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.1866
COE 1413	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	8.9643
COE 1414	สีขาวอมเหลืองตรงกลางนูนผิวเรียบเป็นมัน	0.6695
COE 1415	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.5251

COE 1816	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	6.1402
COE 1817	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	5.4583
COE 1818	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	2.7009
COE 1819	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.1170
COE 1820	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	3.8776



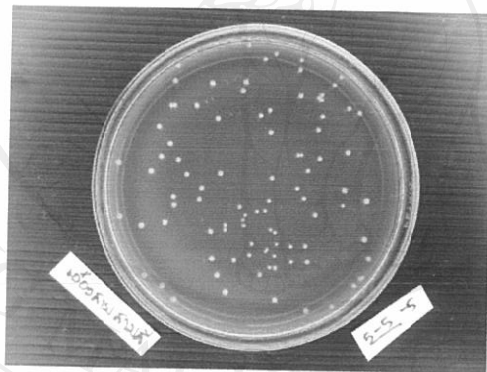
รูปที่ 6. ลักษณะ โคลโลนี *Coelogeny sp.* สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ และสีขาวอมเหลืองตรงกลางนูนผิวเรียบเป็นมัน

## 2.2.2 ลักษณะและประสิทธิภาพการตรึงไนโตรเจนของจุลินทรีย์ที่เจริญได้ในสภาพที่ไม่มีมีออกซิเจน

เมื่อทำการแยกเชื้อจากหลอดที่ให้ผลบวกในการตรึงไนโตรเจน โดยคัดเลือกไอโซเลทที่เจริญเติบโตได้ ไปเลี้ยงในสภาพที่ไม่มีออกซิเจน ผลปรากฏว่า เอื้องสายสามสีพบการตรึงไนโตรเจน 8 ไอโซเลท มีการตรึงไนโตรเจนอยู่ระหว่าง  $0.0013 - 0.035 \text{ nmol C}_2\text{H}_4/10^6 \text{ cells}/24\text{hr}$  มีลักษณะโคโลนีทั้งหมด สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ เอื้องสายน้ำผึ้งพบการตรึงไนโตรเจน 10 ไอโซเลท มีการตรึงไนโตรเจนอยู่ระหว่าง  $0.0036 - 1.0991 \text{ nmol C}_2\text{H}_4/10^6 \text{ cells}/24\text{hr}$  มีลักษณะโคโลนีทั้งหมด สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ เอื้องแฉะหอมพบการตรึงไนโตรเจน 3 ไอโซเลทมีปริมาณการตรึงไนโตรเจน  $2.4872 - 6.3981 \text{ nmol C}_2\text{H}_4/10^6 \text{ cells}/24\text{hr}$  ลักษณะโคโลนีทั้งหมดสีขาวยุ่นขอบเรียบ พวงหยดพบการตรึงไนโตรเจน 9 ไอโซเลท มีการตรึงไนโตรเจนอยู่ระหว่าง  $0.0029 - 0.4715 \text{ nmol C}_2\text{H}_4/10^6 \text{ cells}/24\text{hr}$  ลักษณะโคโลนีส่วนใหญ่สีขาวขุ่นขอบเรียบ และสีขาวอมเหลืองขอบเรียบ เอื้องคำฝักปราบพบการตรึงไนโตรเจน 9 ไอโซเลท มีการตรึงไนโตรเจนอยู่ระหว่าง  $0.0116 - 0.4286 \text{ nmol C}_2\text{H}_4/10^6 \text{ cells}/24\text{hr}$  มีลักษณะโคโลนี สองแบบคือ สีขาวขุ่นขอบเรียบ และ สีขาวอมเหลืองขุ่นขอบเรียบ เอื้องมอนไข่พบการตรึงไนโตรเจน 14 ไอโซเลท มีการตรึงไนโตรเจนอยู่ระหว่าง  $0.01127 - 16.4975 \text{ nmol C}_2\text{H}_4/10^6 \text{ cells}/24\text{hr}$  ลักษณะโคโลนีค่อนข้างหลากหลาย ได้แก่ โคโลนีใส สีขาวอมเหลือง สีเหลือง สีขาวอมเหลืองส้ม โคโลนีขุ่น สีเหลืองอ่อน กว้ายไม้ *Coelogeny* sp. พบการตรึงไนโตรเจน 9 หลอด มีการตรึงไนโตรเจนระหว่าง  $0.014 - 41.2078 \text{ nmol C}_2\text{H}_4/10^6 \text{ cells}/24\text{hr}$  มีลักษณะโคโลนีทั้งหมดสีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ ตารางที่10-16

ตารางที่ 10 แสดงปริมาณการตรึงไนโตรเจนของเชื้อจุลินทรีย์เอนโคไฟท์ในกลุ่ม Anaerobic ของเอื้องสายสามสี

เอื้องสายสามสี Isolate No.	ลักษณะ โคลน	(nmol C <sub>2</sub> H <sub>4</sub> /10 <sup>6</sup> cells/24hr)
DCR 0101	สีขาวพุ่งตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.0064
DCR 0102	สีขาวพุ่งตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.0190
DCR 0303	สีขาวพุ่งตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.0215
DCR 0504	สีขาวพุ่งตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.0086
DCR 0505	สีขาวพุ่งตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.0151
DCR 0706	สีขาวพุ่งตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.0304
DCR 0707	สีขาวพุ่งตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.0013
DCR 0808	สีขาวพุ่งตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.0353



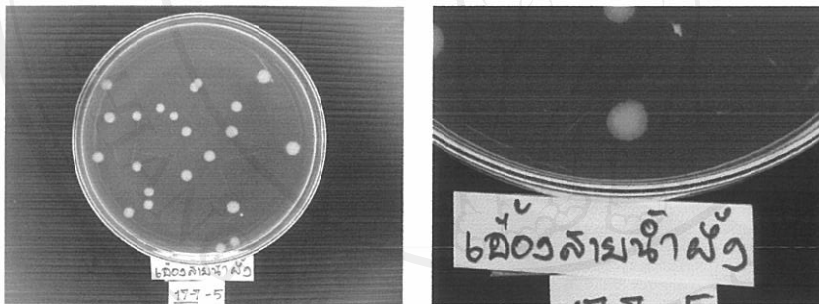
รูปที่ 7. ลักษณะ โคลน เอื้องสายสามสี สีขาวพุ่งตรงกลางนูนขอบเรียบ

ลิขสิทธิ์มหาวิทยาลัยเชียงใหม่  
Copyright© by Chiang Mai University  
All rights reserved



ตารางที่ 11 แสดงปริมาณการตรึงไนโตรเจนของเชื้อจุลินทรีย์เอนโดไฟท์ในกลุ่ม Anaerobic ของ  
เอื้องสายน้ำผึ้ง

เอื้องสายน้ำผึ้ง Isolate No.	ลักษณะโคโลนี	(nmol C <sub>2</sub> H <sub>4</sub> /10 <sup>6</sup> cells/24hr)
DPRI 0301	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.0435
DPRI 0502	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	1.0991
DPRI 0703	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.0143
DPRI 0904	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.1420
DPRI 1205	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.0856
DPRI 1306	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.4176
DPRI 1707	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.0265
DPRI 1808	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.0036
DPRI 2109	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.0297
DPRI 2310	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.3909



รูปที่ 8. ลักษณะ โคโลนีเอื้องสายน้ำผึ้ง สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ

ลิขสิทธิ์มหาวิทยาลัยเชียงใหม่  
Copyright © by Chiang Mai University  
All rights reserved



ตารางที่ 12 แสดงปริมาณการตรึงไนโตรเจนของเชื้อจุลินทรีย์เอนโดไฟต์ในกลุ่ม Anaerobic ของ  
เอื้องชะงวม

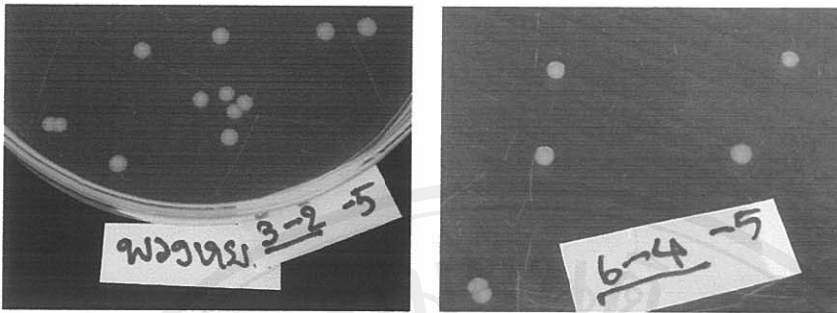
เอื้องชะงวม Isolate No.	ลักษณะโคโลนี	(nmol C <sub>2</sub> H <sub>4</sub> /10 <sup>6</sup> cells/24hr)
DSCA 0304	สีขาวขุ่นขอบเรียบ	4.2675
DSCA 0305	สีขาวขุ่นขอบเรียบ	2.4872
DSCA 0306	สีขาวขุ่นขอบเรียบ	6.3981



รูปที่ 9. ลักษณะ โคโลนีเอื้องชะงวม สีขาวขุ่นขอบเรียบ

ตารางที่ 13 แสดงปริมาณการตรึงไนโตรเจนของเชื้อจุลินทรีย์เอนโดไฟต์ในกลุ่ม Anaerobic ของ  
พวงหยก

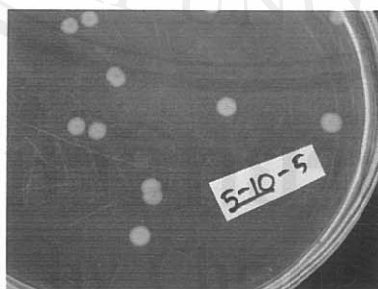
พวงหยก Isolate No	ลักษณะโคโลนี	(nmol C <sub>2</sub> H <sub>4</sub> /10 <sup>6</sup> cells/24hr)
DFIN 0301	สีขาวขุ่นขอบเรียบ	0.0041
DFIN 0302	สีขาวอมเหลืองขุ่นขอบเรียบ	0.0379
DFIN 0603	สีขาวอมเหลืองขุ่นขอบเรียบ	0.0156
DFIN 0604	สีขาวขุ่นขอบเรียบ	0.0187
DFIN 1305	สีขาวขุ่นขอบเรียบ	0.0430
DFIN 1306	สีขาวขุ่นขอบเรียบ	0.4715
DFIN 2107	สีขาวขุ่นขอบเรียบ	0.0916
DFIN 2108	สีขาวอมเหลืองขุ่นขอบเรียบ	0.1112
DFIN 2109	สีขาวขุ่นขอบเรียบ	0.0029



รูปที่10. ลักษณะ โคลินีพวงหยก สีขาวอมเหลืองขุ่นขอบเรียบ และสีขาวขุ่นขอบเรียบ

ตารางที่ 14. แสดงปริมาณการตรึงไนโตรเจนของเชื้อจุลินทรีย์แอนโดไฟท์ในกลุ่ม Anaerobic ของเอื้องคำฝักปราบ

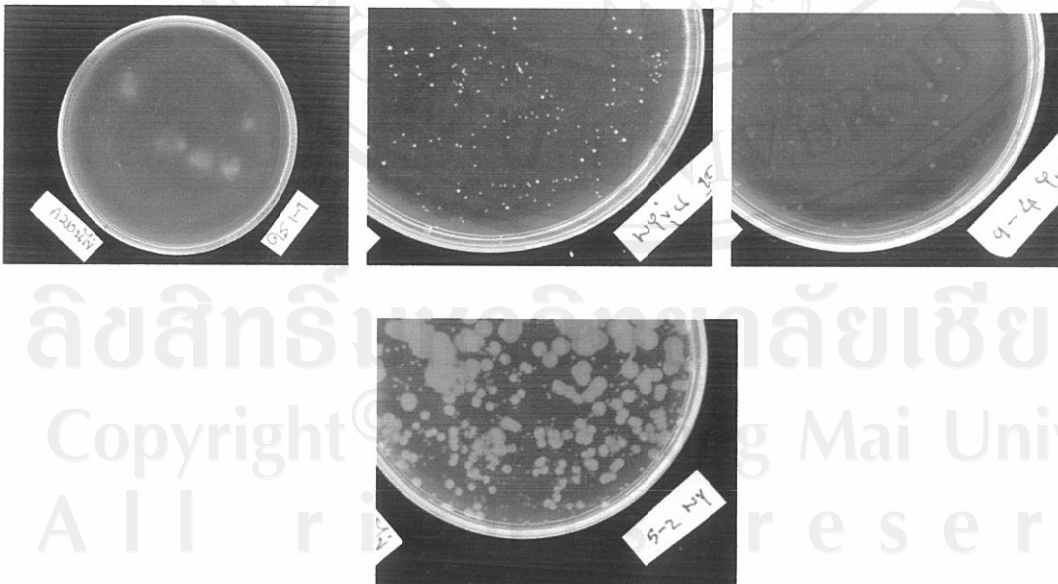
คำฝักปราบ Isolate No.	ลักษณะโคโลนี	(nmol C <sub>2</sub> H <sub>4</sub> /10 <sup>5</sup> cells/24hr)
DOCH 0701	สีขาวอมเหลืองขุ่นขอบเรียบ	0.1285
DOCH 0702	สีขาวอมเหลืองขุ่นขอบเรียบ	0.0219
DOCH 0703	สีขาวขุ่นขอบเรียบ	0.0116
DOCH 0704	สีขาวอมเหลืองขุ่นขอบเรียบ	0.3075
DOCH 1406	สีขาวขุ่นขอบเรียบ	0.1329
DOCH 0507	สีขาวขุ่นขอบเรียบ	0.4286
DOCH 0508	สีขาวขุ่นขอบเรียบ	0.0201
DOCH 0509	สีขาวขุ่นขอบเรียบ	0.0815
DOCH 0510	สีขาวอมเหลืองขุ่นขอบเรียบ	0.1345



รูปที่11. ลักษณะ โคลินี เอื้องคำฝักปราบ สีขาวขุ่นขอบเรียบ

ตารางที่ 15 แสดงปริมาณการตรึงไนโตรเจนของเชื้อจุลินทรีย์เอนโคไฟท์ในกลุ่ม Anaerobic ของ เอื้องมอนไข่

เอื้องมอนไข่ Isolate No.	ลักษณะโคโลนี	(nmol C <sub>2</sub> H <sub>4</sub> /10 <sup>6</sup> cells/24hr)
Dthy 0101	ใส	0.011275
Dthy 0102	ใส	0.010416
Dthy 0203	สีขาวอมเหลือง	0.270545
Dthy 0204	สีขาวอมเหลือง	0.307367
Dthy 0205	สีเหลือง	0.052292
Dthy 0306	สีขาวอมเหลือง	0.011475
Dthy 0307	สีเหลือง	0.129139
Dthy 0408	สีขาวอมเหลือง	0.055188
Dthy 0409	สีขาวอมเหลือง	0.519779
Dthy 0410	สีขาวอมเหลืองส้ม โคลนีนูน	16.49753
Dthy 0511	สีขาวอมเหลืองส้ม โคลนีนูน	11.05214
Dthy 0512	สีขาวอมเหลืองส้ม โคลนีนูน	0.414834
Dthy 0614	สีเหลืองอ่อน โคลนีนูน	0.139603
Dthy 0615	สีขาวอมเหลือง	0.533385

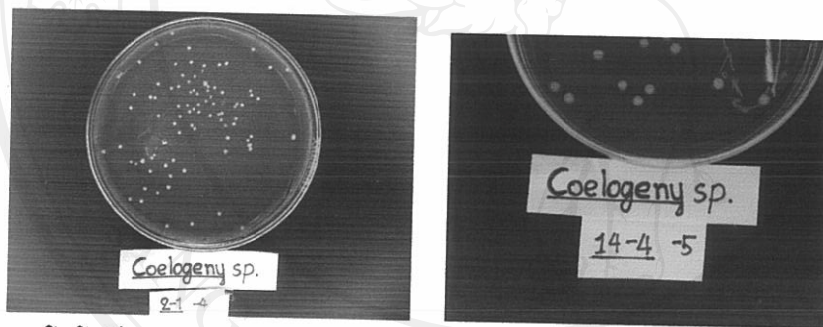


รูปที่ 12. ลักษณะโคโลนีเอื้องมอนไข่ ใส สีขาวอมเหลือง สีเหลืองอ่อน โคลนีนูน และสีขาวอมเหลืองส้ม โคลนีนูน



ตารางที่ 16 แสดงปริมาณการตรึงไนโตรเจนของเชื้อจุลินทรีย์เอนโคไฟท์ในกลุ่ม Anaerobic ของ *Coelogeny sp.*

Coelogeny Isolate No.	ลักษณะโคโลนี	(nmol C <sub>2</sub> H <sub>4</sub> /10 <sup>6</sup> cells/24hr)
COE 0201	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.2167
COE 0202	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	2.9505
COE 1403	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	8.6255
COE 1404	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.01412
COE 1005	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	0.37779
COE 1006	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	9.95159
COE 1007	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	7.05376
COE 1808	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	41.2078
COE 1810	สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ	3.5292



รูปที่ 13. ลักษณะ โคโลนี *Coelogeny sp.* สีขาวขุ่นตรงกลางนูนขอบเรียบ

จากตารางที่ 3-16 ความหลากหลายของจุลินทรีย์ที่สังเกตได้จากการแยกเชื้อนั้น ปรากฏว่าจุลินทรีย์ที่เจริญได้ในสภาพที่มีออกซิเจนของเอื้องมอนไข่ มีจำนวน 13 ไอโซเลท รองลงมา ได้แก่ เอื้องคำฝักปราบ มี 6 ไอโซเลท ที่มีความแตกต่างกัน ในขณะที่กล้วยไม้พันธุ์อื่นมีความหลากหลายน้อยกว่า ในส่วนจุลินทรีย์ตรึงไนโตรเจนที่สามารถเจริญได้ในสภาพที่ไม่มีออกซิเจนนั้น มีลักษณะคล้ายคลึงกับ ไอโซเลทที่สามารถตรึงไนโตรเจนในสภาพที่มีออกซิเจน แต่มีความหลากหลายน้อยกว่า โดย เอื้องมอนไข่มีลักษณะ โคโลนีแตกต่างกัน จำนวน 5 ไอโซเลท โดยบางไอโซเลทจะมีลักษณะเดียวกับเชื้อที่เจริญได้ในสภาพที่มีออกซิเจน ซึ่งอาจสันนิษฐานได้ว่าเป็นเชื้อที่สามารถเจริญได้ในทั้งสองสภาพ แต่บางไอโซเลทพบได้เพียงสภาพที่มีออกซิเจนเท่านั้น ลักษณะของเชื้อที่ปรากฏในอาหารคือ มีลักษณะเป็นฝ้า ขาว จนถึงเหลืองเข้มตามลักษณะสีแต่ละ โคโลนี

### 3.3 การจำแนกชนิดของจุลินทรีย์

จากการเลือกเชื้อจุลินทรีย์ที่ตรึงไนโตรเจนได้บางไอโซเลทเพื่อไปตรวจสอบและวิเคราะห์เพื่อจำแนกชนิดด้วยเทคนิค 16s rDNA base sequencing พบว่า

- (1) ลำดับนิวคลีโอไทด์ของไอโซเลท Dthy102 มีความใกล้เคียงกับ *Bacillus circulans* strain ATCC 4513 (Identities= 98%) (รูปที่ 14)
- (2) ลำดับนิวคลีโอไทด์ของไอโซเลท Dthy0413 มีความใกล้เคียงกับ *Microbacterium oleovorans* (Identities= 99%) (รูปที่ 15)
- (3) ลำดับนิวคลีโอไทด์ของไอโซเลท Dthy0205 มีความใกล้เคียงกับ *Staphylococcus pasteurii* (Identities= 99%) (รูปที่ 16)
- (4) ลำดับนิวคลีโอไทด์ของไอโซเลท Dthy0206 มีความใกล้เคียงกับ *Rhizobium huautlense* (Identities= 98%) (รูปที่ 17)
- (5) ลำดับนิวคลีโอไทด์ของไอโซเลท Dthy0621 มีความใกล้เคียงกับ *Staphylococcus pasteurii* (Identities= 100%) (รูปที่ 18)
- (6) ลำดับนิวคลีโอไทด์ของไอโซเลท Dthy0515 มีความใกล้เคียงกับ *Alcaligenes faecalis* (Identities= 99%) (รูปที่ 19)
- (7) ลำดับนิวคลีโอไทด์ของไอโซเลท Dthy0717 มีความใกล้เคียงกับ *Bacillus subtilis* (Identities= 99%) (รูปที่ 20)
- (8) ลำดับนิวคลีโอไทด์ของไอโซเลท Dsca0102 มีความใกล้เคียงกับ *Staphylococcus pasteurii* (Identities= 99%) (รูปที่ 21)
- (9) ลำดับนิวคลีโอไทด์ของไอโซเลท Dsca0103 มีความใกล้เคียงกับ *Bacillus fusiformis* strain Z1 (Identities= 99%) (รูปที่ 22)

พบจุลินทรีย์ในเนื้อเยื่อต้นกล้วยไม้สกุลหวายในครั้งนี้คือ *Bacillus circulans*, *Microbacterium oleovorans*, *Staphylococcus pasteurii*, *Rhizobium huautlense*, *Alcaligenes faecalis*, *Bacillus subtilis*, *Bacillus fusiformis* strain Z1 มีเชื้อเพียง 2 ชนิดเท่านั้นที่พบรายงานการตรึงไนโตรเจนที่ชัดเจนว่าเป็นจุลินทรีย์ที่ตรึงไนโตรเจนได้คือ *A. faecalis* และ *R. huautlense* โดย *A. faecalis* นั้นเป็น endophytic diazotrophic bacteria ซึ่งพบได้ในรากข้าวซึ่งปัจจุบัน เปลี่ยนชื่อเป็น *Pseudomonas stutzeri* A15 (Euan, 1999. Desnoues, 2003) *R. huautlense* เป็นจุลินทรีย์ที่สามารถตรึงไนโตรเจนที่อาศัยอยู่ภายในต้นโสน (*Sesbania*



herbacea) พันธุ์ท้องถิ่นในประเทศเม็กซิโก และอเมริกาเหนือ ซึ่งมีความสัมพันธ์ใกล้เคียงกับเชื้อ *R. galegae* เมื่อเปรียบเทียบกับเทคนิค 16s rDNA base sequencing (Wang, 1998) โดยมีรายงานเชื้อไรโซเบียมสายพันธุ์หนึ่งที่อาศัยอยู่ได้ในพืชที่ไม่ใช่พืชตระกูลถั่วคือ *Rhizobium leguminosarum* bv. *trifolii* ซึ่งเป็นเชื้อที่ทำให้เกิดปม ในต้น Egyptian berseem clover ในอียิปต์ เมื่อนำเชื้อไป inoculate บนรากข้าว พบว่าทำให้รากข้าวเจริญขึ้นมาได้อย่างมีนัย สำคัญ (Youssef, et al., 1997) สำหรับ *Microbacterium oleovorans* แม้ยังไม่มีรายงานการตรึงไนโตรเจนแต่จุลินทรีย์ในสกุล *Microbacterium* ที่พบรายงานว่าสามารถตรึงไนโตรเจนได้คือ *M. oxyolan* ที่พบว่ามี การตรึงไนโตรเจนได้ในรากข้าว (Mirano et al., 2005) สำหรับเชื้อ *Bacillus* spp. ที่แยกออกมาจากกล้วยไม้สกุลหวายแม้จะไม่มีรายงานการตรึงไนโตรเจนจากพืชอื่นเลยก็ตาม พบแต่เพียงรายงานของของ Minamizawa (2004) ว่าเป็นพวกที่ช่วยสนับสนุนการตรึงไนโตรเจนของจุลินทรีย์กลุ่ม anaerobic diazotroph เช่น *Clostridium* สำหรับเชื้อ *Bacillus* ที่พบว่าเป็นจุลินทรีย์ที่สามารถตรึงไนโตรเจน ได้แก่ *B. macerans* และ *B. polymyxa*. ซึ่งเป็นเชื้อแบคทีเรียในดิน และในอาศัยอยู่ในซากพืชที่เน่าเปื่อย ซึ่งแบคทีเรียชนิดนี้สามารถตรึงไนโตรเจนได้ในสภาพไร้ออกซิเจนเท่านั้น เนื่องจากไม่มีกลไกในการป้องกันโปรตีนไนโตรจีเนส จากออกซิเจนที่จะเข้ามาทำลาย สำหรับเชื้อ กับ *Staphylococcus pasteurii* นั้นยังไม่มีรายงานการตรึงไนโตรเจนแต่อย่างไรก็ตาม เชื้อชนิดนี้อาจมีคุณสมบัติบางอย่าง ที่มีความเกี่ยวข้องกับจุลินทรีย์ภายใน หรือกับกล้วยไม้เองซึ่งทำให้เป็นปัญหาที่นำมาไปทดสอบและหาข้อสรุปต่อไป

## Isolate: Dthy102

gi|52078118|gb|AY724690.1| *Bacillus circulans* strain ATCC 4513 16S ribosomal RNA gene, partial sequence Length = 1487 Score = 2696 bits (1402), Expect = 0.0 Identities = 1449/1466 (98%), Gaps = 3/1466 (0%) Strand = Plus / Plus

Query: 27 cctaataaatgctcgtcgagcggactttaaagcttgctttaaagttagcggcgacgg 86  
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||

Sbjct: 24 cctaatacatgcaagtgcgagcggactttaaagcttgctttaaagttagcggcgacgg 83  
 Query: 87 gtgagtaaacacgtgggctacctgcctgtaagactgggataaacttcgggaaacggagcta 146  
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||

Sbjct: 84 gtgagtaaacacgtgggcaacctgcctgtaagactgggataaacttcgggaaacggagcta 143  
 Query: 147 ataccggataatcctttccctctcatgaggaagctgaaagacggcatctcgtgtcac 206  
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||

Sbjct: 144 ataccggataatcctttccctctcatgaggaagctgaaagacgggtta-cgctgtcac 202  
 Query: 207 ttacagatgggcccgcggcgccattagtagtggtgaggtaacggctcaccaaggcaacg 266  
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||

Sbjct: 203 ttacagatgggcccgcggcgccattagtagtggtgaggtaacggctcaccaaggcgacg 262  
 Query: 267 atgctagccgacctgagagggtagatcgccacactgggactgagacacggcccagactc 326  
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||

Sbjct: 263 atgctagccgacctgagagggtagatcgccacactgggactgagacacggcccagactc 322  
 Query: 327 ctacgggaggcagcagtagggaatcttcgcgaatggacgaaagcttgacggagcaacgcc 386  
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||

Sbjct: 323 ctacgggaggcagcagtagggaatcttcgcgaatggacgaaagcttgacggagcaacgcc 382  
 Query: 387 gcgtgagtgatgaaggttttcggatcgtaaaagctctgtttagggaagaacaagtacaa 446  
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||

Sbjct: 383 gcgtgagtgatgaaggttttcggatcgtaaaactctgtttagggaagaacaagtacaa 442  
 Query: 447 gagtaactgcttgaccttgacggctacctaaaccagaagccacggctaacctacgtgccag 506  
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||

Sbjct: 443 gagtaactgcttgaccttgacggctacctaaaccagaagccacggctaacctacgtgccag 502  
 Query: 507 cagccgggtaatacgtaggtggcaagcgttgctcgggaattattggcgtaaaagcgcg 566  
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||

Sbjct: 503 cagccgggtaatacgtaggtggcaagcgttgctcgggaattattggcgtaaaagcgcg 562  
 Query: 567 cagcgggctccttaagctctgagtgtgaaagccacggctcaaccgtggagggtcattggaa 626  
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||

Sbjct: 563 cagcgggctccttaagctctgagtgtgaaagccacggctcaaccgtggagggtcattggaa 622  
 Query: 627 actgggggacttgagtgacagaagagaaggtggaattccacgtgtagcgggtgaaatgcgt 686  
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||

Sbjct: 623 actgggggacttgagtgacagaagagaaggtggaattccacgtgtagcgggtgaaatgcgt 682  
 Query: 687 agagatgtggaggaacaccagtgccgaagggcactcttggctgttaactgacgtgagg 746  
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||

Sbjct: 683 agagatgtggaggaacaccagtgccgaagggcactcttggctgttaactgacgtgagg 742  
 Query: 747 cgcgaaagcgtggggagcaaacaggattagataaccctggtagtccacgcccgaacgatg 806  
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||

Sbjct: 743 cgcgaaagcgtggggagcaaacaggattagataaccctggtagtccacgcccgaacgatg 802  
 Query: 807 agtgctaagtgtaggggttccgcctttagtgctgcagcaaacgcattagcactcc 866  
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||

Sbjct: 803 agtgctaagtgtaggggttccgcctttagtgctgcagcaaacgcattagcactcc 862  
 Query: 867 gcctggggagtagcggccgcaaggctgaaactcaagggaattg-cgggggcccgcacaagc 925  
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||

Sbjct: 863 gcctggggagtagcggccgcaaggctgaaactcaagggaattgacggggcccgcacaagc 922  
 Query: 926 ggtggagcatgtggttaattcgaagcaacgcgaagaacctaccaggctctgacatcct 985  
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||

Sbjct: 923 ggtggagcatgtggttaattcgaagcaacgcgaagaacctaccaggctctgacatcct 982  
 Query: 986 ctgacactcctagagataggacgttcccttcgggggacagagtgacaggtggtgcatgg 1045  
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||

Sbjct: 983 ctgacactcctagagataggacgttcccttcgggggacagagtgacaggtggtgcatgg 1042  
 Query: 1046 ttgtcgtcagctcgtgctgagatgttgggttaagtcgccacgagcgcaacccttga 1105  
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||

Sbjct: 1043 ttgtcgtcagctcgtgctgagatgttgggttaagtcgccacgagcgcaacccttga 1102  
 Query: 1106 tcttagttgcccagcattagttgggactcctaaaggtgactgccggtgacaaaccggagga 1165  
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||

Sbjct: 1103 tcttagttgcccagcattagttgggactcctaaaggtgactgccggtgacaaaccggagga 1162  
 Query: 1166 aggtggggatgacgtcaaatcatcatgcccccttagacctgggctacacacgtgctacaa 1225  
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||

Sbjct: 1163 aggtggggatgacgtcaaatcatcatgcccccttagacctgggctacacacgtgctacaa 1222

รูปที่ 14 ลำดับนิวคลีโอไทด์ของไอโซเลท Dthy102 เปรียบเทียบกับ *Bacillus circulans* strain

ATCC 4513

```

Query: 1226 tggatggtacaaagggcagcaaaaccgcgaggtcgagcaaatcccataaaaccattctca 1285
          |||
Sbjct: 1223 tggatggtacaaagggcagcaaaaccgcgaggtcgagcaaatcccataaaaccattctca 1282

Query: 1286 gttcggattgtaggctgcaactcgcctacatgaagctggaatcgctagtaatcgcggatc 1345
          |||
Sbjct: 1283 gttcggattgtaggctgcaactcgcctacatgaagctggaatcgctagtaatcgcggatc 1342
Query: 1346 agcatgcccggtgaatacgttcccggccttgtacacaccgccggtcacaccacgagag 1405
          |||
Sbjct: 1343 agcatgcccggtgaatacgttcccggccttgtacacaccgccggtcacaccacgagag 1402
Query: 1406 tttgtaacacccgaagtcggtgggtaaccttttgggagccagccgctaagggtgggata 1465
          |||
Sbjct: 1403 tttgtaacacccgaagtcggtgggtaaccttttgggagccagccgctaagggtgggata 1461
Query: 1466 aatgattggggtgaagtcgtaacaag 1491
          |||
Sbjct: 1462 gatgattggggtgaagtcgtaacaag 1487

```

รูปที่ 14 (ต่อ) ลำดับนิวคลีโอไทด์ของไอโซเลท Dthy102 เปรียบเทียบกับ *Bacillus circulans* strain ATCC 4513

ลิขสิทธิ์มหาวิทยาลัยเชียงใหม่  
 Copyright© by Chiang Mai University  
 All rights reserved

Isolate: Dthy0413

gi|47824676|emb|AJ698725.1| *Microbacterium oleovorans* partial 16S rRNA gene, type strain DSM 16091T Length = 1490 Score = 2755 bits (1390), Expect = 0.0

Identities = 1424/1433 (99%), Gaps = 3/1433 (0%) Strand = Plus / Plus

```

Query: 8      agcttgctctgtggatcagtggcgaacgggtgagtaaacacgtgagcaaacctgtctctga 67
            |||
Sbjct: 61    agcttgctctgtggatcagtggcgaacgggtgagtaaacacgtgagcaaacctgcc-cctga 119
Query: 68    ctctgggataagcgctggaaacggcgtctacctcactggatagagctgcgatcgcatgg 127
            |||
Sbjct: 120   ctctgggataagcgctggaaacggcgtctaat--actggatagagctgcgatcgcatgg 177
Query: 128   tcagcagttggaagatTTTTcggctctgggatgggctcaccgctatcagcttgttggtg 187
            |||
Sbjct: 178   tcagcagttggaagatTTTTcggctctgggatgggctcaccgctatcagcttgttggtg 237
Query: 188   aggtaatggctcaccaaggcgtcgacgggtagccggcctgagagggtgaccggccacact 247
            |||
Sbjct: 238   aggtaatggctcaccaaggcgtcgacgggtagccggcctgagagggtgaccggccacact 297
Query: 248   gggactgagacacggccagactcctacgggaggcagcagtggggaatattgcacaatgg 307
            |||
Sbjct: 298   gggactgagacacggccagactcctacgggaggcagcagtggggaatattgcacaatgg 357
Query: 308   gcgaaagcctgatgcagcaacggcggctgagggatgacggccttcgggtgttaaacctct 367
            |||
Sbjct: 358   gcgaaagcctgatgcagcaacggcggctgagggatgacggccttcgggtgttaaacctct 417
Query: 368   tttagcagggaaagaagcgaagtgacggtaccctgcagaaaaagcggcggtaactacgtg 427
            |||
Sbjct: 418   tttagcagggaaagaagcgaagtgacggtaccctgcagaaaaagcggcggtaactacgtg 477
Query: 428   ccagcagcggcggtaatacgtagggcgaagcgttatccgggaattattgggctgaaagag 487
            |||
Sbjct: 478   ccagcagcggcggtaatacgtagggcgaagcgttatccgggaattattgggctgaaagag 537
Query: 488   ctcgtagggcggtttgtcgcgtctgctgtgaaaTcccagggtcaacctcgggtctgcagt 547
            |||
Sbjct: 538   ctcgtagggcggtttgtcgcgtctgctgtgaaaTcccagggtcaacctcgggtctgcagt 597
Query: 548   gggtagcgggacagactagagtgcggttagggagattggaattcctggtgtagcgggtggaat 607
            |||
Sbjct: 598   gggtagcgggacagactagagtgcggttagggagattggaattcctggtgtagcgggtggaat 657
Query: 608   gcgcagatatacaggaggaacaccgatggcgaaggcagatctctgggcccgttactgacgt 667
            |||
Sbjct: 658   gcgcagatatacaggaggaacaccgatggcgaaggcagatctctgggcccgttactgacgt 717
Query: 668   gaggagcgaagggtggggagcaaacaggcttagataccctggtagtccaccgccgtaaac 727
            |||
Sbjct: 718   gaggagcgaagggtggggagcaaacaggcttagataccctggtagtccaccgccgtaaac 777
Query: 728   gttgggaactagttgtggggtccattccacggattccgtgacgcagtaacgcattaagt 787
            |||
Sbjct: 778   gttgggaactagttgtggggtccattccacggattccgtgacgcagtaacgcattaagt 837
Query: 788   tccccgcctggggagtacggccgcaaggctaaactcaaaaggaattgacggggaccgca 847
            |||
Sbjct: 838   tccccgcctggggagtacggccgcaaggctaaactcaaaaggaattgacggggaccgca 897
Query: 848   caagcggcggagcatgaggattaattcagatgcaacgcgaagaaccttaccaggcttgac 907
            |||
Sbjct: 898   caagcggcggagcatgaggattaattcagatgcaacgcgaagaaccttaccaggcttgac 957
Query: 908   atatacgagaacgggcccagaaatgggtcaactctttggacactcgtaaacaggtggtgcat 967
            |||
Sbjct: 958   atatacgagaacgggcccagaaatgggtcaactctttggacactcgtaaacaggtggtgcat 1017
Query: 968   ggttgcgtcagctcgtgctgagatggtgggttaagtcccgaacgagcgaacacctc 1027
            |||
Sbjct: 1018  ggttgcgtcagctcgtgctgagatggtgggttaagtcccgaacgagcgaacacctc 1077
Query: 1028  gttctatggtccagcacgtaatggtgggaactcatgggatactgcccgggtcaactcgg 1087
            |||
Sbjct: 1078  gttctatggtccagcacgtaatggtgggaactcatgggatactgcccgggtcaactcgg 1137
Query: 1088  aggaaggtgggatgacgtcaaatcatcatgcccttatgtcttgggcttcacgcatgct 1147
            |||
Sbjct: 1138  aggaaggtgggatgacgtcaaatcatcatgcccttatgtcttgggcttcacgcatgct 1197

```

รูปที่ 15 ลำดับนิวคลีโอไทด์ของไอโซเลท Dthy0413 เปรียบเทียบกับ *Microbacterium oleovorans*

```

Query: 1148 acaatggccgggtacaaagggctgcaataaccgcgaggtggagcgaatcccaaaaagccggt 1207
          |||
Sbjct: 1198 acaatggccgggtacaaagggctgcaataaccgcgaggtggagcgaatcccaaaaagccggt 1257
Query: 1208 cccagttcggattgaggtctgcaactcgacctcatgaagtcggagtcgctagtaatcgca 1267
          |||
Sbjct: 1258 cccagttcggattgaggtctgcaactcgacctcatgaagtcggagtcgctagtaatcgca 1317
Query: 1268 gatcagcaacgctgcggtgaatacgttccccgggtcttgtaacacaccgccgcaagtc 1327
          |||
Sbjct: 1318 gatcagcaacgctgcggtgaatacgttccccgggtcttgtaacacaccgccgcaagtc 1377
Query: 1328 gaaagtcggtaaacacctgaagccggtggcccaacccttgaggaggagccgctgaaggtg 1387
          |||
Sbjct: 1378 gaaagtcggtaaacacctgaagccggtggcccaacccttgaggaggagccgctgaaggtg 1437
Query: 1388 ggatcggtaattaggactaagtcgtaacaaggttagccgtaccggaaggtg 1440
          |||
Sbjct: 1438 ggattcctaattaggactaagtcgtaacaaggttagccgtaccggaaggtg 1490

```

รูปที่ 15 (ต่อ) ลำดับนิวคลีโอไทด์ของไอโซเลท Dthy0413 เปรียบเทียบกับ *Microbacterium oleovorans*

ลิขสิทธิ์มหาวิทยาลัยเชียงใหม่  
 Copyright© by Chiang Mai University  
 All rights reserved



## Isolate: Dthy0205

gi|56542025|emb|AJ717376.1| *Staphylococcus pasteurii* 16S rRNA gene, isolate CV5

Length = 1540 Score = 2966 bits (1496), Expect = 0.0

Identities = 1504/1507 (99%) Strand = Plus / Plus

```

Query: 4      gtgccnaatacatgctcgtcgagcgaacagataaaggagcttgctcctttgacggttagcgg 63
           |||
Sbjct: 31    gtgcctaatacatgcaagtcgagcgaacagataaaggagcttgctcctttgacggttagcgg 90
Query: 64    cggacgggtgagtaacacgtggataaacctacctataagactgggataaactcgggaaacc 123
           |||
Sbjct: 91    cggacgggtgagtaacacgtggataaacctacctataagactgggataaactcgggaaacc 150
Query: 124   ggagctaataccggataacatattgaaccgcatggttcaatagtgaaggcggttcttgc 183
           |||
Sbjct: 151   ggagctaataccggataacatattgaaccgcatggttcaatagtgaaggcggttcttgc 210
Query: 184   gtcacttatagatggatcccgcgctattagctagttgtaagtaacggcttaccagg 243
           |||
Sbjct: 211   gtcacttatagatggatcccgcgctattagctagttgtaagtaacggcttaccagg 270
Query: 244   caacgatacgtagccgacctgagaggggtgatcgccacactggaactgagacacggtcca 303
           |||
Sbjct: 271   caacgatacgtagccgacctgagaggggtgatcgccacactggaactgagacacggtcca 330
Query: 304   gactcctacgggaggcagcagtaggaatcttccgcaatgggcaagcctgacggagca 363
           |||
Sbjct: 331   gactcctacgggaggcagcagtaggaatcttccgcaatgggcaagcctgacggagca 390
Query: 364   acgccggtgagtgatgaaggtcctcggatcgtaaaactctgttatcaggaagaacaaa 423
           |||
Sbjct: 391   acgccggtgagtgatgaaggtcctcggatcgtaaaactctgttatcaggaagaacaaa 450
Query: 424   tgtgtaagtaactgtgcacatcttgacggtaacctgatcagaagccacggtaactacgt 483
           |||
Sbjct: 451   tgtgtaagtaactgtgcacatcttgacggtaacctgatcagaagccacggtaactacgt 510
Query: 484   gccagcagccgggtaatacgtaggtggcaagcgttatccggaattattggcgtaaacg 543
           |||
Sbjct: 511   gccagcagccgggtaatacgtaggtggcaagcgttatccggaattattggcgtaaacg 570
Query: 544   gcgctagcgggtttttaagtctgatgtgaaagcccacggctcaaccgtggagggatcat 603
           |||
Sbjct: 571   gcgctagcgggtttttaagtctgatgtgaaagcccacggctcaaccgtggagggatcat 630
Query: 604   tggaaactggaaaacttgatgcagaagaggaaagtggaaattccatgtgtagcggtgaaa 663
           |||
Sbjct: 631   tggaaactggaaaacttgatgcagaagaggaaagtggaaattccatgtgtagcggtgaaa 690
Query: 664   tgcagagagatatggaggaacaccagtgccgaaggcgacttctggtctgtaactgacgc 723
           |||
Sbjct: 691   tgcagagagatatggaggaacaccagtgccgaaggcgacttctggtctgtaactgacgc 750
Query: 724   tgatgtgcgaaagcgtggggatcaaacaggattagataacctggtagtcacgcgctaaa 783
           |||
Sbjct: 751   tgatgtgcgaaagcgtggggatcaaacaggattagataacctggtagtcacgcgctaaa 810
Query: 784   cgatgagtgctaagtgttaggggttccgccccttagtgctgcagtaacgcattaagc 843
           |||
Sbjct: 811   cgatgagtgctaagtgttaggggttccgccccttagtgctgcagtaacgcattaagc 870
Query: 844   actccgcctggggatgacgacgcgaaggttgaactcaaggaattgacggggaccgca 903
           |||
Sbjct: 871   actccgcctggggatgacgacgcgaaggttgaactcaaggaattgacggggaccgca 930
Query: 904   caagcgggtgagcatgtggtttaaattcgaagcaacgcgaagaaccttaccaaatcttgac 963
           |||
Sbjct: 931   caagcgggtgagcatgtggtttaaattcgaagcaacgcgaagaaccttaccaaatcttgac 990
Query: 964   atcctttgaccgctctagagatagagtcttccccttcgggggacaaagtgcaggtgggtg 1023
           |||
Sbjct: 991   atcctttgaccgctctagagatagagtcttccccttcgggggacaaagtgcaggtgggtg 1050
Query: 1024  catggtgtcgtcagctcgtgctgtagatgttgggttaagtcccgaacgagcgcgaacc 1083
           |||
Sbjct: 1051  catggtgtcgtcagctcgtgctgtagatgttgggttaagtcccgaacgagcgcgaacc 1110
Query: 1084  cttaaactagttgcatcattaagttgggcaactctaagttgactgccggtgacaaaccg 1143
           |||
Sbjct: 1111  cttaaactagttgcatcattaagttgggcaactctaagttgactgccggtgacaaaccg 1170
Query: 1144  gaggaaggtggggatgacgtcaaatcatcatgcccttatgattgggctacacacgtgc 1203
           |||
Sbjct: 1171  gaggaaggtggggatgacgtcaaatcatcatgcccttatgattgggctacacacgtgc 1230

```

รูปที่ 16 ลำดับนิวคลีโอไทด์ของไอโซเลท Dthy0205 เปรียบเทียบกับ *Staphylococcus pasteurii*

```

Query: 1204 tacaatggacaatacaaaagggcagctaaaccgaggtcaagcaaatcccataaagttgt 1263
          |||
Sbjct: 1231 tacaatggacaatacaaaagggcagctaaaccgaggtcaagcaaatcccataaagttgt 1290
Query: 1264 tctcagttcggattgtagctgcaactcgactacatgaagctggaatcgctagtaacgt 1323
          |||
Sbjct: 1291 tctcagttcggattgtagctgcaactcgactacatgaagctggaatcgctagtaacgt 1350
Query: 1324 agatcagcatgctacgggtgaatacgttcccgggtcttgtacacaccgcccgtcacaccac 1383
          |||
Sbjct: 1351 agatcagcatgctacgggtgaatacgttcccgggtcttgtacacaccgcccgtcacaccac 1410
Query: 1384 gagagtttgaacacccgaagccggtggagtaaccatttatggagctagccgtcgaaggt 1443
          |||
Sbjct: 1411 gagagtttgaacacccgaagccggtggagtaaccatttatggagctagccgtcgaaggt 1470
Query: 1444 gggacaaatgattggggtgaagtcgtaacaaaggtagccgtatcgggaaggtgcccgtggat 1503
          |||
Sbjct: 1471 gggacaaatgattggggtgaagtcgtaacaaaggtagccgtatcgggaaggtgcccgtggat 1530
Query: 1504 cacctcc 1510
          |||
Sbjct: 1531 cacctcc 1537

```

รูปที่ 16 (ต่อ) ลำดับนิวคลีโอไทด์ของไอโซเลท Dthy0205 เปรียบเทียบกับ *Staphylococcus pasteurii*

ลิขสิทธิ์มหาวิทยาลัยเชียงใหม่  
 Copyright© by Chiang Mai University  
 All rights reserved

Isolate: Dthy0206

gi|2558997|gb|AF025852.1|AF025852 *Rhizobium huautlense* 16S ribosomal RNA gene,  
complete sequence Length = 1461 Score = 2603 bits (1313), Expect = 0.0  
Identities = 1397/1425 (98%) Strand = Plus / Plus

```

Query: 16  ccaaacacatgcaagatcagcgcactcgcaagaggagcggcagacgggtgagtaacacgtg 75
          |||
Sbjct: 30  cttaacacatgcaagtcgagcgcgcccgcaaggggagcggcagacgggtgagtaaccggtg 89
Query: 76  ggaatctaccatccctgcggaacaactccgggaaactggagctaataccggatagcggc 135
          |||
Sbjct: 90  ggaatctaccatccctacggaacaactccgggaaactggagctaataccgtatagcggc 149
Query: 136  tacgggggaaagatttatcggggatggatgagcccgctggattagctagtgggtggg 195
          |||
Sbjct: 150  ttcgggggaaagatttatcggggatggatgagcccgctggattagctagtgggtggg 209
Query: 196  taaaggcctaccaaggcgagcatccatagctggctgagaggatgatcagccacattggg 255
          |||
Sbjct: 210  taaaggcctaccaaggcgagcatccatagctggctgagaggatgatcagccacattggg 269
Query: 256  actgagacacggccaaactcctacgggaggcagcagtggggaatattggacaatggg 315
          |||
Sbjct: 270  actgagacacggccaaactcctacgggaggcagcagtggggaatattggacaatggg 329
Query: 316  caagcctgatccagcatgcccggtagtgatgaagaaggccttagggtgtaaaagctcttc 375
          |||
Sbjct: 330  caagcctgatccagcatgcccggtagtgatgaagaaggccttagggtgtaaaagctcttc 389
Query: 376  accgatgaagataatgacggtagtcggagagaagaagccccggctaacttcgtgccagc 435
          |||
Sbjct: 390  accggagaagataatgacggtagtcggagagaagaagccccggctaacttcgtgccagc 449
Query: 436  cgcggaataacgaaggggtagcgtgtgctcggaataactggcgtaaaagcgcacgtagg 495
          |||
Sbjct: 450  cgcggaataacgaaggggtagcgtgtgctcggaataactggcgtaaaagcgcacgtagg 509
Query: 496  cggatatttaagtcaggggtgaaatcccgagctcaactgagggaactgccttgatag 555
          |||
Sbjct: 510  cggatatttaagtcaggggtgaaatcccgagctcaactgagggaactgccttgatag 569
Query: 556  ggtatccttgagtaggaagaggtagtggaattgcgagtgtagagggtgaaattcgtagat 615
          |||
Sbjct: 570  ggtatccttgagtaggaagaggtagtggaattgcgagtgtagagggtgaaattcgtagat 629
Query: 616  attcgaggaacaccagtgggcgaagggcctaactgggtccataactgacgctgaggtg 675
          |||
Sbjct: 630  attcgaggaacaccagtgggcgaagggcctaactgggtccataactgacgctgaggtg 689
Query: 676  aaagcgtggggagcaaacaggattagataccctggtagtccacgcccgtaaacgatgaa 735
          |||
Sbjct: 690  aaagcgtggggagcaaacaggattagataccctggtagtccacgcccgtaaacgatgaa 749
Query: 736  ttagccgtcgcaagttacttgcgtggcgcagctaacgcattaaacattccgctgg 795
          |||
Sbjct: 750  ttagccgtcgcaagttacttgcgtggcgcagctaacgcattaaacattccgctgg 809
Query: 796  ggagtagggtagcaagattaaaactcaaggaattgacggggggcccgcacaagcgtgga 855
          |||
Sbjct: 810  ggagtagggtagcaagattaaaactcaaggaattgacggggggcccgcacaagcgtgga 869
Query: 856  gcatgtggtttaaattcgaagcaacgcgcagaaacctaccagccctgacatgtccggcta 915
          |||
Sbjct: 870  gcatgtggtttaaattcgaagcaacgcgcagaaacctaccagccctgacatgtccggcca 929
Query: 916  gccacagagatgtggtgtcccttcggggaccgggacacaggtgctgcatggctgtcgtc 975
          |||
Sbjct: 930  gccacagagatgtggtgtcccttcggggaccgggacacaggtgctgcatggctgtcgtc 989
Query: 976  agctcgtgctgtagatgttgggttaagtcccgcaacgagcgaacccctcgccttagtt 1035
          |||
Sbjct: 990  agctcgtgctgtagatgttgggttaagtcccgcaacgagcgaacccctcgccttagtt 1049
Query: 1036  gccagcatttagttggcactctaaggggactgcccgggtgataagccgagaggaaggtgg 1095
          |||
Sbjct: 1050  gccagcatttagttggcactctaaggggactgcccgggtgataagccgagaggaaggtgg 1109
Query: 1096  gatgacgtcaagtcctcatggcccttacgggctgggctacacacgtgctacaatgggtgt 1155
          |||
Sbjct: 1110  gatgacgtcaagtcctcatggcccttacgggctgggctacacacgtgctacaatgggtgt 1169
Query: 1156  gacagtgggcagcgaaggggtgaccccgagctaatctccaaaagccatctcagttcggat 1215
          |||
Sbjct: 1170  gacagtgggcagcgaagggagcgtaccccgagctaatctccaaaagccatctcagttcggat 1229

```

รูปที่ 17 ลำดับนิวคลีโอไทด์ของไอโซเลท Dthy0206 เปรียบเทียบกับ *Rhizobium huautlense*

```

Query: 1216 tgcactctgcaactcgagtgcatgaagttggaatcgctagtaatcgcggatcagcacgcc 1275
          |||
Sbjct: 1230 tgcactctgcaactcgagtgcatgaagttggaatcgctagtaatcgcggatcagcacgcc 1289
Query: 1276 gcggtgaatacgttcccggccttgtaacacacgcccgtcacaccatgggagttggttt 1335
          |||
Sbjct: 1290 gcggtgaatacgttcccggccttgtaacacacgcccgtcacaccatgggagttggttt 1349
Query: 1336 acccgaaggtagtgcgctaaccgcaaggaggcagctaaccacggtagggtcagcgactgg 1395
          |||
Sbjct: 1350 acccgaaggtagtgcgctaaccgcaaggaggcagctaaccacggtagggtcagcgactgg 1409
Query: 1396 ggtgaagtcgtaacaaggtagccgtaggggaacctgcggtggat 1440
          |||
Sbjct: 1410 ggtgaagtcgtaacaaggtagccgtaggggaacctgcggtggat 1454

```

รูปที่ 17 (ต่อ) ลำดับนิวคลีโอไทด์ของไอโซเลต Dthy0206 เปรียบเทียบกับ *Rhizobium huautlense*

ลิขสิทธิ์มหาวิทยาลัยเชียงใหม่  
 Copyright© by Chiang Mai University  
 All rights reserved



Isolate: Dthy0621

gi|56542025|emb|AJ717376.1| *Staphylococcus pasteurii* 16S rRNA gene, isolate CV5

Length = 1540

Score = 2942 bits (1484), Expect = 0.0

Identities = 1484/1484 (100%)

Strand = Plus / Plus

```

Query: 42  cgaacagataaggagcttgctcctttgacgttagcggcggacgggtgagtaacacgtgga 101
          |||
Sbjct: 54  cgaacagataaggagcttgctcctttgacgttagcggcggacgggtgagtaacacgtgga 113
Query: 102  taacctacctataagactgggataacttcgggaaaccggagctaataccggataacatat 161
          |||
Sbjct: 114  taacctacctataagactgggataacttcgggaaaccggagctaataccggataacatat 173
Query: 162  tgaaccgcatggttcaatagtgaaggcggcctttgctgtcacttatagatggatccgcgc 221
          |||
Sbjct: 174  tgaaccgcatggttcaatagtgaaggcggcctttgctgtcacttatagatggatccgcgc 233
Query: 222  cgtattagctagttggtaaggtaacggccttaccaggcaacgatacgtagccgacctgag 281
          |||
Sbjct: 234  cgtattagctagttggtaaggtaacggccttaccaggcaacgatacgtagccgacctgag 293
Query: 282  agggtgatcggccacactggaactgagacacggcctcagactcctacgggaggcagcagta 341
          |||
Sbjct: 294  agggtgatcggccacactggaactgagacacggcctcagactcctacgggaggcagcagta 353
Query: 342  gggaatcttccgcaatgggcgaaagcctgacggagcaacgcccgtgagtgatgaaggtc 401
          |||
Sbjct: 354  gggaatcttccgcaatgggcgaaagcctgacggagcaacgcccgtgagtgatgaaggtc 413
Query: 402  ttcggatcgtaaaactctgttatcagggaaagaacaaatgtgtaagtaactgtgcacatct 461
          |||
Sbjct: 414  ttcggatcgtaaaactctgttatcagggaaagaacaaatgtgtaagtaactgtgcacatct 473
Query: 462  tgacggtaacctgatcagaaagccacggcctaactacgtgccagcagcccggttaacgta 521
          |||
Sbjct: 474  tgacggtaacctgatcagaaagccacggcctaactacgtgccagcagcccggttaacgta 533
Query: 522  ggtggcaagcgttatccggaattattgggcgtaaaagcgcgctagggcgttttttaagtc 581
          |||
Sbjct: 534  ggtggcaagcgttatccggaattattgggcgtaaaagcgcgctagggcgttttttaagtc 593
Query: 582  tgatgtgaaagccacggctcaaccgtggagggcattggaaactggaaaacttgagtgcc 641
          |||
Sbjct: 594  tgatgtgaaagccacggctcaaccgtggagggcattggaaactggaaaacttgagtgcc 653
Query: 642  agaagaggaagtggaattccatgtgtagcggtgaaatgvcgagagataggaggaacac 701
          |||
Sbjct: 654  agaagaggaagtggaattccatgtgtagcggtgaaatgvcgagagataggaggaacac 713
Query: 702  cagtgggcaagggcactttctggtctgtaactgacgctgatgtgcgaaagcgtggggatc 761
          |||
Sbjct: 714  cagtgggcaagggcactttctggtctgtaactgacgctgatgtgcgaaagcgtggggatc 773
Query: 762  aacaggattagataccctggtagtccacgcccgtaaacgatgagtgctaagtgttagggg 821
          |||
Sbjct: 774  aacaggattagataccctggtagtccacgcccgtaaacgatgagtgctaagtgttagggg 833
Query: 822  gttccgcgcccttagtgctcagctaacgcattaagcactccgcctggggagtaacgaccg 881
          |||
Sbjct: 834  gttccgcgcccttagtgctcagctaacgcattaagcactccgcctggggagtaacgaccg 893
Query: 882  caaggttgaactcaaaggaattgacggggacccgcacaagcggaggagcatgtggttta 941
          |||
Sbjct: 894  caaggttgaactcaaaggaattgacggggacccgcacaagcggaggagcatgtggttta 953
Query: 942  attcgaagcaacgcgaagaaccttaccaaatcttgacatcctttgaccgctctagagata 1001
          |||
Sbjct: 954  attcgaagcaacgcgaagaaccttaccaaatcttgacatcctttgaccgctctagagata 1013
Query: 1002  gagtcttccccttcgggggacaaagtgcaggggtgcatggttgcgtcagctcgtgctc 1061
          |||
Sbjct: 1014  gagtcttccccttcgggggacaaagtgcaggggtgcatggttgcgtcagctcgtgctc 1073
Query: 1062  gtgagatgttgggttaagtcccgcaacgagcgaacccttaagcttagttgcatcatta 1121
          |||
Sbjct: 1074  gtgagatgttgggttaagtcccgcaacgagcgaacccttaagcttagttgcatcatta 1133
Query: 1122  agttgggcactcctaagttgactgcccgtgacaaaccggagggaaggtggggatgacgtcaa 1181
          |||
Sbjct: 1134  agttgggcactcctaagttgactgcccgtgacaaaccggagggaaggtggggatgacgtcaa 1193
Query: 1182  atcatcatgccccttatgatttgggctacacacgtgctacaatggacaatacaaaagggca 1241
          |||
Sbjct: 1194  atcatcatgccccttatgatttgggctacacacgtgctacaatggacaatacaaaagggca 1253

```

รูปที่ 18 ลำดับนิวคลีโอไทด์ของไอโซเลท Dthy0621 เปรียบเทียบกับ *Staphylococcus pasteurii*

```

Query: 1242 gctaaaccgcgaggtcaagcaaatcccataaagtgttctcagttcggattgtagtctgc 1301
|||||
Sbjct: 1254 gctaaaccgcgaggtcaagcaaatcccataaagtgttctcagttcggattgtagtctgc 1313
Query: 1302 aactcgactacatgaagctggaatcgctagtaatcgtagatcagcatgctacggggaata 1361
|||||
Sbjct: 1314 aactcgactacatgaagctggaatcgctagtaatcgtagatcagcatgctacggggaata 1373
Query: 1362 cgttcccgggtcttgtacacaccgccctcacaccacgagagtttgaacacccgaagcc 1421
|||||
Sbjct: 1374 cgttcccgggtcttgtacacaccgccctcacaccacgagagtttgaacacccgaagcc 1433
Query: 1422 ggtggagtaaccatttatggagctagccgtcgaagggtgggacaaatgattggggggaagt 1481
|||||
Sbjct: 1434 ggtggagtaaccatttatggagctagccgtcgaagggtgggacaaatgattggggggaagt 1493
Query: 1482 cgtaacaaggtagccgtatcggaaggtgctggatcacctcc 1525
|||||
Sbjct: 1494 cgtaacaaggtagccgtatcggaaggtgctggatcacctcc 1537

```

รูปที่ 18 (ต่อ) ลำดับนิวคลีโอไทด์ของไอโซเลท Dthy0621 เปรียบเทียบกับ *Staphylococcus pasteurii*

ลิขสิทธิ์มหาวิทยาลัยเชียงใหม่  
 Copyright© by Chiang Mai University  
 All rights reserved



Query: 1179 agggcttcacacgtcatacaatggtcgggacagagggctcgccaacccgcgagggggagcc 1238  
 |||  
 Sbjct: 1179 agggcttcacacgtcatacaatggtcgggacagagggctcgccaacccgcgagggggagcc 1238  
 Query: 1239 aatcccagaacccgatcgtagtcgggatcgccagctctgcaactcgactgctgaagtcgg 1298  
 |||  
 Sbjct: 1239 aatcccagaacccgatcgtagtcgggatcgccagctctgcaactcgactgctgaagtcgg 1298  
 Query: 1299 aatcgctagtaatcgcggatcagcatgtcgcggtgaatacgttcccggtcttgtaaca 1358  
 |||  
 Sbjct: 1299 aatcgctagtaatcgcggatcagcatgtcgcggtgaatacgttcccggtcttgtaaca 1358  
 Query: 1359 ccgcccgtcacaccatgggagtggttttaccagaagtagttagcctaaccgcaagggg 1418  
 |||  
 Sbjct: 1359 ccgcccgtcacaccatgggagtggttttaccagaagtagttagcctaaccgtaagggg 1418  
 Query: 1419 gcgattaccacggttaggattcatgactggggtgaagtcgtaacaaggtagccgatcggg 1478  
 |||  
 Sbjct: 1419 gcgattaccacggttaggattcatgactggggtgaagtcgtaacaaggtagccgatcggg 1478  
 Query: 1479 aggtgcggtgggatcacctcct 1500  
 |||  
 Sbjct: 1479 aggtgcggtgggatcacctcct 1500

**รูปที่ 19 (ต่อ)** ลำดับนิวคลีโอไทด์ของไอโซเลท Dthy0515 เปรียบเทียบกับ *Alcaligenes faecalis*

ลิขสิทธิ์มหาวิทยาลัยเชียงใหม่  
 Copyright© by Chiang Mai University  
 All rights reserved



Isolate: Dthy0717

gi|32468687|emb|Z99104.2|3SUB0001 *Bacillus subtilis* complete genome (section 1 of 21):

from 1 to 213080 Length = 213080

Score = 2938 bits (1482), Expect = 0.0

Identities = 1485/1486 (99%)

Strand = Plus / Plus

```

Query: 45      gagcggacagatgggagcttgcctcctgatgttagcggcggacgggtgagtaaacacgtgg 104
          |||
Sbjct: 96453  gagcggacagatgggagcttgcctcctgatgttagcggcggacgggtgagtaaacacgtgg 96512
Query: 105     gtaacctgcctgtaagactgggataactccgggaaaccggggctaataccggatggttgt 164
          |||
Sbjct: 96513  gtaacctgcctgtaagactgggataactccgggaaaccggggctaataccggatggttgt 96572
Query: 165     ttgaaccgcatggttcaaacataaaaaggtggccttcggctaccacttacagatggaccgc 224
          |||
Sbjct: 96573  ttgaaccgcatggttcaaacataaaaaggtggccttcggctaccacttacagatggaccgc 96632
Query: 225     ggcgcattagctagttggtgaggaatggctaccaaggcaacgatgcgtagccgacctg 284
          |||
Sbjct: 96633  ggcgcattagctagttggtgaggaatggctaccaaggcaacgatgcgtagccgacctg 96692
Query: 285     agagggtgatcggccacactgggactgagaca cggcccagactcctacgggaggcagcag 344
          |||
Sbjct: 96693  agagggtgatcggccacactgggactgagaca cggcccagactcctacgggaggcagcag 96752
Query: 345     tagggaatcttccgcaatggacgaaagtctga cggagcaacgccgcgtgagtgatgaagg 404
          |||
Sbjct: 96753  tagggaatcttccgcaatggacgaaagtctga cggagcaacgccgcgtgagtgatgaagg 96812
Query: 405     ttttcggatcgtaaagctctgttggtaggaa gaaacaagtaccggttcgaatagggcggt 464
          |||
Sbjct: 96813  ttttcggatcgtaaagctctgttggtaggaa gaaacaagtaccggttcgaatagggcggt 96872
Query: 465     ccttgacggtacctaaccagaaagccacggc taactacgtgccagcagccgcggtataac 524
          |||
Sbjct: 96873  ccttgacggtacctaaccagaaagccacggc taactacgtgccagcagccgcggtataac 96932
Query: 525     gtaggtggcaagcgttgcctcgggaattattg ggcgtaaggcctcgcagggcgtttcttaa 584
          |||
Sbjct: 96933  gtaggtggcaagcgttgcctcgggaattattg ggcgtaaggcctcgcagggcgtttcttaa 96992
Query: 585     gtctgatgtgaaagccccggctcaaccggggg aggggtcattggaaactggggaacttgag 644
          |||
Sbjct: 96993  gtctgatgtgaaagccccggctcaaccggggg aggggtcattggaaactggggaacttgag 97052
Query: 645     tgcagaagaggagagtggaattccacgtgta gcggtgaaatcgtagagatgtggaggaa 704
          |||
Sbjct: 97053  tgcagaagaggagagtggaattccacgtgta gcggtgaaatcgtagagatgtggaggaa 97112
Query: 705     caccagtggcgaaggcgactctctggtctgta actgacgctgaggagcgaagcgtgggg 764
          |||
Sbjct: 97113  caccagtggcgaaggcgactctctggtctgta actgacgctgaggagcgaagcgtgggg 97172
Query: 765     agcgaacaggattagataccctggtagtcca cgcctaaacgatgagtgctaagtgttag 824
          |||
Sbjct: 97173  agcgaacaggattagataccctggtagtcca cgcctaaacgatgagtgctaagtgttag 97232
Query: 825     ggggtttccgccccttagtgctgcagctaac gcattaagcactccgcctggggagtacgg 884
          |||
Sbjct: 97233  ggggtttccgccccttagtgctgcagctaac gcattaagcactccgcctggggagtacgg 97292
Query: 885     tcgcaagactgaaactcaaaggaattgacggg gggcccgcacaagcgggtggagcatgtggt 944
          |||
Sbjct: 97293  tcgcaagactgaaactcaaaggaattgacggg gggcccgcacaagcgggtggagcatgtggt 97352
Query: 945     ttaattcgaagcaacgcgaagaaccttaccag ggtcttgacatcctctgacaatcctagag 1004
          |||
Sbjct: 97353  ttaattcgaagcaacgcgaagaaccttaccag ggtcttgacatcctctgacaatcctagag 97412
Query: 1005    ataggacgtccccttcggggcagagtgacagg tgggtgcatggttgtcgtcagctcgtgt 1064
          |||
Sbjct: 97413  ataggacgtccccttcggggcagagtgacagg tgggtgcatggttgtcgtcagctcgtgt 97472
Query: 1065    cgtgagatgttgggttaagtcccgcacagagc gcaacccttgatcttagttgccagcatt 1124
          |||
Sbjct: 97473  cgtgagatgttgggttaagtcccgcacagagc gcaacccttgatcttagttgccagcatt 97532
Query: 1125    cagttgggcactctaagggtgactgccgggtg acaaaccggaggaagggtggggatgacgtca 1184
          |||
Sbjct: 97533  cagttgggcactctaagggtgactgccgggtg acaaaccggaggaagggtggggatgacgtca 97592
Query: 1185    aatcatcatgccccttatgacctgggctaca cacgtgctacaatggacagaacaaagggc 1244
          |||
Sbjct: 97593  aatcatcatgccccttatgacctgggctaca cacgtgctacaatggacagaacaaagggc 97652

```

รูปที่ 20 ลำดับนิวคลีโอไทด์ของไอโซเลต Dthy0717 เปรียบเทียบกับ *Bacillus subtilis*

```

Query: 1245 agcgaaccgcgaggttaagccaatcccacaaatctgttctcagttcggatcgcagctctg 1304
          |||
Sbjct: 97653 agcgaaccgcgaggttaagccaatcccacaaatctgttctcagttcggatcgcagctctg 97712
Query: 1305 caactcgactgcgtgaagctggaatcgctagtaatcgcgatcagcatgccgcggtgaat 1364
          |||
Sbjct: 97713 caactcgactgcgtgaagctggaatcgctagtaatcgcgatcagcatgccgcggtgaat 97772
Query: 1365 acgttcccggccttgtacacaccgcccgtcacaccacgagagtttgaacacccgaagt 1424
          |||
Sbjct: 97773 acgttcccggccttgtacacaccgcccgtcacaccacgagagtttgaacacccgaagt 97832
Query: 1425 cggtaggtaaccttttaggagccagccgccaaggtgggacagatgattggggtgaagt 1484
          |||
Sbjct: 97833 cggtaggtaaccttttaggagccagccgccaaggtgggacagatgattggggtgaagt 97892
Query: 1485 cgtaacaaggtagccgtatcggaaggtgctggatcacctcctt 1530
          |||
Sbjct: 97893 cgtaacaaggtagccgtatcggaaggtgctggatcacctcctt 97938

```

รูปที่ 20 (ต่อ) ลำดับนิวคลีโอไทด์ของไอโซเลท Dthy0717 เปรียบเทียบกับ *Bacillus subtilis*

ลิขสิทธิ์มหาวิทยาลัยเชียงใหม่  
 Copyright© by Chiang Mai University  
 All rights reserved

Isolate: Dsca0102

gi|56542025|emb|AJ717376.1| Staphylococcus pasteurii 16S rRNA gene, isolate CV5

Length = 1540 Score = 2906 bits (1466), Expect = 0.0

Identities = 1469/1470 (99%) Strand = Plus / Plus

```

Query: 1   aggagcttgctcctttgacgttagcggcgacgggtgagtaaacacgtggataacttacct 60
          |||
Sbjct: 64   aggagcttgctcctttgacgttagcggcgacgggtgagtaaacacgtggataacttacct 123
Query: 61   ataagactgggataacttcgggaaacccggagctaataaccggataacatattgaaccgcat 120
          |||
Sbjct: 124   ataagactgggataacttcgggaaacccggagctaataaccggataacatattgaaccgcat 183
Query: 121   ggttcaatagtgaaggcgctttgctgtcacttatagatggatccgcgcggtattagct 180
          |||
Sbjct: 184   ggttcaatagtgaaggcgctttgctgtcacttatagatggatccgcgcggtattagct 243
Query: 181   agttggtaaggtaacggcttaccgaagcaacgatacgtagccgacctgagagggtgatcg 240
          |||
Sbjct: 244   agttggtaaggtaacggcttaccgaagcaacgatacgtagccgacctgagagggtgatcg 303
Query: 241   gccacactggaactgagacacgggtccagactcctacgggagggcagcagtagggaatcttc 300
          |||
Sbjct: 304   gccacactggaactgagacacgggtccagactcctacgggagggcagcagtagggaatcttc 363
Query: 301   cgcaatgggcgaaagcctgacgggagcaacgcgcgctgagtgatgaaggctcttcggatcgt 360
          |||
Sbjct: 364   cgcaatgggcgaaagcctgacgggagcaacgcgcgctgagtgatgaaggctcttcggatcgt 423
Query: 361   aaaactctgttatcaggggaagaacaaatgtgtaagtaactgtgcacatcttgacgggtacc 420
          |||
Sbjct: 424   aaaactctgttatcaggggaagaacaaatgtgtaagtaactgtgcacatcttgacgggtacc 483
Query: 421   tgatcagaaagccacggctaaactacgtgccagcagccgcggtataacgtagggtggcaagc 480
          |||
Sbjct: 484   tgatcagaaagccacggctaaactacgtgccagcagccgcggtataacgtagggtggcaagc 543
Query: 481   gttatccggaattattgggcgtaaagcgcgctaggcggtttttaagtctgatgtgaaa 540
          |||
Sbjct: 544   gttatccggaattattgggcgtaaagcgcgctaggcggtttttaagtctgatgtgaaa 603
Query: 541   gcccacggctcaaccgtggaggggtcattggaaaactggaaaacttgagtgcaagaggaa 600
          |||
Sbjct: 604   gcccacggctcaaccgtggaggggtcattggaaaactggaaaacttgagtgcaagaggaa 663
Query: 601   agtgaatttccatgtgtagcgggtgaaatgcgcaagagataggaggaacaccagtgccgaa 660
          |||
Sbjct: 664   agtgaatttccatgtgtagcgggtgaaatgcgcaagagataggaggaacaccagtgccgaa 723
Query: 661   ggcgactttctggtctgtaactgacgctgatgtgcgaaagcgtggggatcaaacaggatt 720
          |||
Sbjct: 724   ggcgactttctggtctgtaactgacgctgatgtgcgaaagcgtggggatcaaacaggatt 783
Query: 721   agataccctgtagtccacgcgtaaacgatgagtgctaagtgttagggggtttccgccc 780
          |||
Sbjct: 784   agataccctgtagtccacgcgtaaacgatgagtgctaagtgttagggggtttccgccc 843
Query: 781   cttagtgtcagctaacgcatgaagcactccgctggggagtagcaccgcaagggtgaa 840
          |||
Sbjct: 844   cttagtgtcagctaacgcatgaagcactccgctggggagtagcaccgcaagggtgaa 903
Query: 841   actcaaaggaattgacggggaccgcacaagcgggtggagcatgtggtttaaattcgaagca 900
          |||
Sbjct: 904   actcaaaggaattgacggggaccgcacaagcgggtggagcatgtggtttaaattcgaagca 963
Query: 901   acgcgaagaaccttaccaaactcttgacatccttgaccgctctagagatagagtcttccc 960
          |||
Sbjct: 964   acgcgaagaaccttaccaaactcttgacatccttgaccgctctagagatagagtcttccc 1023
Query: 961   cttcgggggacaaagtacaggtggtgcatggttgctcgtcagctcgtgctgagatggt 1020
          |||
Sbjct: 1024   cttcgggggacaaagtacaggtggtgcatggttgctcgtcagctcgtgctgagatggt 1083
Query: 1021   gggttaagtcccgaacgagcgcacaacccttaagcttagttgccatcattaagtgggcac 1080
          |||
Sbjct: 1084   gggttaagtcccgaacgagcgcacaacccttaagcttagttgccatcattaagtgggcac 1143
Query: 1081   tctaagttgactgccggtgacaaaccggaggaagggtggggatgacgtcaaatcatcatgc 1140
          |||
Sbjct: 1144   tctaagttgactgccggtgacaaaccggaggaagggtggggatgacgtcaaatcatcatgc 1203
Query: 1141   cccttatgatttgggctacacacgtgctacaatggacaatacaaaagggcagctaaaccgc 1200
          |||
Sbjct: 1204   cccttatgatttgggctacacacgtgctacaatggacaatacaaaagggcagctaaaccgc 1263

```

รูปที่ 21 ลำดับนิวคลีโอไทด์ของไอโซเลท Dsca0102 เปรียบเทียบกับ Staphylococcus pasteurii

```

Query: 1201 gaggtcaagcaaatcccataaagttggtctcagttcggattgtagtctgcaactcgacta 1260
|||||
Sbjct: 1264 gaggtcaagcaaatcccataaagttggtctcagttcggattgtagtctgcaactcgacta 1323
Query: 1261 catgaagctggaatcgctagtaatcgtagatcagcatgctacggggaatacgttcccggg 1320
|||||
Sbjct: 1324 catgaagctggaatcgctagtaatcgtagatcagcatgctacggggaatacgttcccggg 1383
Query: 1321 tcttgtacacaccgccggtcacaccacgagagtttgaacaccggaagccggtggagtaa 1380
|||||
Sbjct: 1384 tcttgtacacaccgccggtcacaccacgagagtttgaacaccggaagccggtggagtaa 1443
Query: 1381 ccatttatggagctagccggtcgaaggtgggacaaatgattggggtgaagtcgtaacaagg 1440
|||||
Sbjct: 1444 ccatttatggagctagccggtcgaaggtgggacaaatgattggggtgaagtcgtaacaagg 1503
Query: 1441 tagccgtatcgggaaggtgcggtggatcac 1470
|||||
Sbjct: 1504 tagccgtatcgggaaggtgcggtggatcac 1533

```

รูปที่ 21 (ต่อ) ลำดับนิวคลีโอไทด์ของไอโซเลท Dsca0102 เปรียบเทียบกับ *Staphylococcus pasteurii*

ลิขสิทธิ์มหาวิทยาลัยเชียงใหม่  
 Copyright© by Chiang Mai University  
 All rights reserved



## Isolate: Dsca0103

gi|45269053|gb|AY548950.1| *Bacillus fusiformis* strain Z1 16S ribosomal RNA gene,  
complete sequence Length = 1547 Score = 2928 bits (1477), Expect = 0.0

Identities = 1498/1505 (99%) Strand = Plus / Plus

```

Query: 18   gtgcctaatacatgcttctagaacgaacagaaaaggagcttgctcctttgacgttagcgg 77
          |||
Sbjct: 37   gtgcctaatacatgcaagtcgagcgaacagaaaaggagcttgctcctttgacgttagcgg 96
Query: 78   cggacgggtgagtaaacacgtgggcaacctaccctatagtttgggataactccgggaaacc 137
          |||
Sbjct: 97   cggacgggtgagtaaacacgtgggcaacctaccctatagcttgggataactccgggaaacc 156
Query: 138  ggggctaataaccgaataatctcttttgcctcatggtgaaagactgaaagacggtttcggc 197
          |||
Sbjct: 157  ggggctaataaccgaataatctcttttgcctcatggtgaaagactgaaagacggtttcggc 216
Query: 198  tgtcgctataggatgggcccgcggcgcattagctagttggtgaggtaacggctcaccaag 257
          |||
Sbjct: 217  tgtcgctataggatgggcccgcggcgcattagctagttggtgaggtaacggctcaccaag 276
Query: 258  gcgacgatgcgtagccgacctgagagggtgatcggccacactgggactgagacacggccc 317
          |||
Sbjct: 277  gcgacgatgcgtagccgacctgagagggtgatcggccacactgggactgagacacggccc 336
Query: 318  agactcctacgggaggcagcagtagggaatcttccacaatgggcaaaagcctgatggagc 377
          |||
Sbjct: 337  agactcctacgggaggcagcagtagggaatcttccacaatgggcaaaagcctgatggagc 396
Query: 378  aacgcgcgctgagtgaaagaaggttttcggatcgtaaaactctggtgtaagggaagaacaa 437
          |||
Sbjct: 397  aacgcgcgctgagtgaaagaaggttttcggatcgtaaaactctggtgtaagggaagaacaa 456
Query: 438  gtacagtagtaactggctgtacctgacggtaccttattagaagccacgggtaactacg 497
          |||
Sbjct: 457  gtacagtagtaactggctgtacctgacggtaccttattagaagccacgggtaactacg 516
Query: 498  tgccagcagcccggttaatacgtaggtggcaagcgttgcggaattattgggcgtaaaag 557
          |||
Sbjct: 517  tgccagcagcccggttaatacgtaggtggcaagcgttgcggaattattgggcgtaaaag 576
Query: 558  cgcgcgcagggcgtcctttaagtctgatgtgaaagcccacggctcaaccgtggagggtca 617
          |||
Sbjct: 577  cgcgcgcagggcgtcctttaagtctgatgtgaaagcccacggctcaaccgtggagggtca 636
Query: 618  ttggaaactgggggacttgagtgacagaagaggaaagtggaaattccaagtgtagcggtgaa 677
          |||
Sbjct: 637  ttggaaactgggggacttgagtgacagaagaggaaagtggaaattccaagtgtagcggtgaa 696
Query: 678  atgcgtagagatttggaggaaacaccagtggggaaggcgactttctggtctgtaactgacg 737
          |||
Sbjct: 697  atgcgtagagatttggaggaaacaccagtggggaaggcgactttctggtctgtaactgacg 756
Query: 738  ctgagcgcgcaaaagcgtggggagcaaacaggattagataacctggttagtccacgccgtaa 797
          |||
Sbjct: 757  ctgagcgcgcaaaagcgtggggagcaaacaggattagataacctggttagtccacgccgtaa 816
Query: 798  acgatgagtgctaagtgttagggggtttccgcccttagtgctgcagctaacgcattaag 857
          |||
Sbjct: 817  acgatgagtgctaagtgttagggggtttccgcccttagtgctgcagctaacgcattaag 876
Query: 858  cactccgcctggggagtagcgtcgaagactgaaactcaaaggaattgacggggggcccgc 917
          |||
Sbjct: 877  cactccgcctggggagtagcgtcgaagactgaaactcaaaggaattgacggggggcccgc 936
Query: 918  acaagcgggtggagcatgtggtttaattcgaagcaacgcgaagaacctaccaggtccttga 977
          |||
Sbjct: 937  acaagcgggtggagcatgtggtttaattcgaagcaacgcgaagaacctaccaggtccttga 996
Query: 978  catcccgttgaccactgtagagatatagtttccccttcgggggcaacgggtgacaggtggt 1037
          |||
Sbjct: 997  catcccgttgaccactgtagagatatagtttccccttcgggggcaacgggtgacaggtggt 1056
Query: 1038  gcatggttgcgtcagctcgtgctgtagatgttgggttaagtcccgcgaacgagcgaac 1097
          |||
Sbjct: 1057  gcatggttgcgtcagctcgtgctgtagatgttgggttaagtcccgcgaacgagcgaac 1116
Query: 1098  ccttgatcttagttgccatcatttagttgggcactctaaggtgactgcccggtgacaaacc 1157
          |||
Sbjct: 1117  ccttgatcttagttgccatcatttagttgggcactctaaggtgactgcccggtgacaaacc 1176

```

รูปที่ 22 ลำดับนิวคลีโอไทด์ของไอโซเลท Dsca0103 เปรียบเทียบกับ *Bacillus fusiformis* strain

Z1

```

Query: 1158 ggaggaaggtggggatgacgtcaaatcatcatgccccttatgacctgggctacacacgtg 1217
|||||
Sbjct: 1177 ggaggaaggtggggatgacgtcaaatcatcatgccccttatgaccagggctacacacgtg 1236
Query: 1218 ctacaatggacgatacaaacggttgccaactcgcgagagggagctaatccgataaaagtcg 1277
|||||
Sbjct: 1237 ctacaatggacgatacaaacggttgccaactcgcgagagggagctaatccgataaaagtcg 1296
Query: 1278 ttctcagttcggattgtaggctgcaactcgcctacatgaagccggaatcgctagtaatcg 1337
|||||
Sbjct: 1297 ttctcagttcggattgtaggctgcaactcgcctacatgaagccggaatcgctagtaatcg 1356
Query: 1338 cggatcagcatgccgcggtgaatacgttcccggccttgtagacacaccgccgacacca 1397
|||||
Sbjct: 1357 cggatcagcatgccgcggtgaatacgttcccggccttgtagacacaccgccgacacca 1416
Query: 1398 cgagagtttgtaacacccgaagtcggtgaggtaaccttttgagccagccgccgaaggtg 1457
|||||
Sbjct: 1417 cgagagtttgtaacacccgaagtcggtgaggtaaccttttgagccagccgccgaaggtg 1476
Query: 1458 ggatagatgattggggtgaagtcgtaacaaggtagccgtatcggaaggtgctggatc 1517
|||||
Sbjct: 1477 ggatagatgattggggtgaagtcgtaacaaggtagccgtatcggaaggtgctggatc 1536
Query: 1518 acctc 1522
|||||
Sbjct: 1537 acctc 1541

```

รูปที่ 22 (ต่อ) ลำดับนิวคลีโอไทด์ของไอโซเลท Dsca0103 เปรียบเทียบกับ *Bacillus fusiformis* strain Z1

ลิขสิทธิ์มหาวิทยาลัยเชียงใหม่  
 Copyright© by Chiang Mai University  
 All rights reserved